

ความชุกของเชื้อเอชไอวี-1 ที่ดื้อยา AZIDOTHYMIDINE (AZT) ในผู้ติดเชื้อเอชไอวี
ที่รับการรักษา ณ โรงพยาบาลจุฬาลงกรณ์ ใช้วิธี SELECTIVE POLYMERASE CHAIN
REACTION (PCR) เพื่อตรวจสอบการถ่ายพันธุ์ ณ ตำแหน่ง 216 ของ
HIV-1 REVERSE TRANSCRIPTASE

นางสาวศิริสักขณ์ หังพิทักษ์วงศ์



สถาบันวิทยบริการ
วิทยานิพนธ์นี้เป็นส่วนหนึ่งของการศึกษาตามหลักสูตรปริญญาวิทยาศาสตร์บัณฑิต
สาขาวิชาจุลชีววิทยาทางการแพทย์
บัณฑิตวิทยาลัย จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย
ปีการศึกษา 2539
ISBN 974-634-723-3
ฉบับที่ 1 ของบัณฑิตวิทยาลัย จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

**PREVALENCE OF HIV-1 AZIDOTHYMIDINE (AZT) RESISTANCE IN
HIV-1 INFECTED INDIVIDUALS AT CHULALONGKORN HOSPITAL
BY CODON 215 MUTATION OF HIV-1 REVERSE TRANSCRIPTASE (RT)
USING SELECTIVE POLYMERASE CHAIN REACTION (PCR)**

Miss Sirilak Wangpitakwong

สถาบันวิทยบริการ

A Thesis Submitted in Partial Fulfillment of Requirements
for the Degree of Master of Science

Inter-Department of Medical Microbiology Graduate School

Chulalongkorn University

Academic Year 1996

ISBN 974-634-723-3

Thesis Title Prevalence of HIV-1 Azidothymidine (AZT) Resistance in HIV-1 Infected Individuals at Chulalongkorn Hospital By Codon 215 Mutation of HIV-1 Reverse Transcriptase (RT) Using Selective Polymerase Chain Reaction (PCR)

By Miss Sirilak Wangpitakwong

Inter-department Medical Microbiology

Thesis Advisor Instructor Kiat Ruxrungtham, M.D.

Thesis Co-advisor Instructor Thaweesak Tirawatnapong, Ph.D.

Accepted by the Graduate school, Chulalongkorn University in Partial
Fulfillment of the Requirements for the Master's Degree.

Santi Thoongsuwan Dean of Graduate School
(Associate Professor Santi Thoongsuwan, Ph.D.)

Thesis Committee

Pornthep Tiensiwakul Chairman
(Associate Professor Pornthep Tiensiwakul, Ph.D.)
Kiat Ruxrungtham Thesis Advisor
(Instructor Kiat Ruxrungtham, M.D.)
Thaweesak Tirawatnapong Thesis Co-advisor
(Instructor Thaweesak Tirawatnapong, Ph.D.)
S. Chokekijichai Member
(MAJ Sudhichai Chokekijichai, M.D.)

พิมพ์ดันเจนบันบทด้วยวิทยานิพนธ์ภายในกรอบสีเขียวนี้เพียงแผ่นเดียว

นางสาวศิริลักษณ์ หวังพิทักษ์วงศ์ : ความชุกของเชื้อเอชไอวี-1 ที่ต้องยา AZIDOTHYMIDINE (AZT) ในผู้ติดเชื้อเอชไอวี ที่รับการรักษา โรงพยาบาลจุฬาลงกรณ์ ใช้วิธี SELECTIVE POLYMERASE CHAIN REACTION (PCR) เพื่อตรวจหาการกลายพันธุ์ ณ ตำแหน่ง 215 ของ HIV-1 REVERSE TRANSCRIPTASE (RT) อ.ที่ปรึกษา : นพ. เกียรติ รักษรุ่งธรรม, อ.ที่ปรึกษาร่วม : ดร. ทวีศักดิ์ ศิริรัตนพงษ์, 72 หน้า. ISBN 974-634-723-3

ในประเทศไทย การคิดเชื้อ HIV-1 ส่วนใหญ่คิดต่อทางเพศสัมพันธ์แบบรักต่างเพศ และส่วนใหญ่เป็นเชื้อ HIV-1 สายพันธุ์ E ตั้งแต่ปี พ.ศ. 2530 ที่มีการห้ามการใช้ยา azidothymidine (AZT) ใน การรักษาเอดส์ มีรายงานมากมายเกี่ยวกับการต้องยา AZT ของเชื้อ HIV-1 เช่น สถาบันเมริกา และญี่ปุ่น ซึ่งเป็นภูมิภาคที่มีการระบาดของเชื้อสายพันธุ์ B เป็นสำคัญ บัญหาการต้องยา AZT ในส่วนอื่นยังไง รวมทั้งประเทศไทยที่มีการระบาดของเชื้อสายพันธุ์อื่น บัญชี้อัตราสูงมาก การที่เชื้อ HIV-1 ต้อง AZT พบว่าเกี่ยวข้องกับการเปลี่ยนแปลงถาวรสิ่งที่สำคัญ เช่นของ HIV-1 reverse transcriptase(RT)gene ที่พบปอยที่สุดและมีความสัมพันธ์ชัดเจนกับการลดความไวต่อยา AZT ถือตำแหน่ง 215

จากการศึกษาการตรวจหา genotypic AZT resistance ณ ตำแหน่ง 215 ของ RT gene พบว่า วิธี selective PCR ของ H. Mitsuya และคณะ ไม่สามารถตรวจหาการกลายพันธุ์ของเชื้อ HIV สายพันธุ์ E ได้ แต่ไม่มีปัญหานในการตรวจเชื้อ HIV-1 สายพันธุ์ B แต่อย่างใด และพบว่า primer L1M ของ primer คู่นอก ไม่สามารถจับกับได้พอดีกับสายดับเบลของไวรัสสายพันธุ์ E ได้ เทคนิค seminested RT-PCR ที่ประยุกต์ขึ้นจากการใช้ ANMER B/AS 62 เป็น primer คู่นอก และ ANMER B/WT 215 หรือ ANMER B/MT 215 เป็น primer คู่ใน สามารถใช้การตรวจหา genotype ที่ตำแหน่ง 215 ของเชื้อ HIV-1 ได้ทั้งสายพันธุ์ E และ B

ประชากรที่รับการศึกษาต่อ ผู้ติดเชื้อ HIV-1 จำนวน 150 คน ที่มารับการรักษาที่คลินิก HIV โรงพยาบาลจุฬาลงกรณ์ ตั้งแต่เดือนธันวาคม 2538 ถึงเดือนกุมภาพันธ์ 2539 โดยได้แบ่งออกเป็น 3 กลุ่ม (กลุ่มละ 50 คน) ตามประวัติการรับการรักษาด้วยยา AZT ดังนี้ กลุ่มที่ 1 คือผู้ป่วยที่ไม่เคยได้รับยา AZT มา ก่อน, กลุ่มที่ 2 คือผู้ป่วยที่เคยได้รับยา AZT มา นานอยกว่า 6 เดือน, กลุ่มที่ 3 คือผู้ป่วยที่เคยได้รับยา AZT มา นานกว่า 6 เดือน ผู้ป่วยส่วนใหญ่ เป็นชาย (75%) มีอายุ 18-67 ปี (เฉลี่ย = 34.12 ปี) ส่วนใหญ่คิดต่อทางเพศสัมพันธ์แบบรักต่างเพศ (94%) และ เป็นระยะติดเชื้อที่แสดงอาการ (เป็นผู้ที่มีอาการตัวผิดปกติ 69 ราย และเป็นอดีต 56 ราย) ผลการศึกษาพบว่า ตรวจไม่พบการกลายพันธุ์ของเชื้อ HIV-1 ณ ตำแหน่ง 215 ในผู้ป่วยกลุ่มที่ 1 ในขณะที่ตรวจพบ 22% ในกลุ่มที่ 2 และ 42% ในกลุ่มที่ 3 อย่างมีนัย-สำคัญทางสถิติ ($p < 0.01$, Chi-squared test) ในการศึกษาแบบ Prospective พบว่า ผู้ป่วย 7 ใน 10 ราย มีการกลายพันธุ์ ของเชื้อ HIV-1 ณ ตำแหน่ง 215 ของ RT ภายใน 12 เดือน หลังได้รับการรักษาด้วยยา AZT

ดังนั้น การศึกษา genotypic AZT resistance ของเชื้อ HIV-1 โดยวิธี PCR ในสายพันธุ์ E จำเป็นดังนี้ การตัดแปลง และจากการศึกษานี้บัญชี้ไม่พบการระบาดของเชื้อต้องยา AZT ในผู้ป่วยที่ไม่เคยได้รับมา ก่อน แต่การให้ยา AZT แบบเดียวๆ ในผู้ป่วยที่มีจำนวน CD4 เซลล์ต่ำๆ เช่น ต่ำกว่า 100 อาจก่อให้เกิดเชื้อถาวรสิ่งที่ต้องยา AZT ภายใน 6 เดือน ถึง 12 เดือน ซึ่งแสดง 22 ผลการศึกษานี้จึงสนับสนุนข้อเสนอแนะที่ให้รักษาผู้ติดเชื้อ HIV แต่เป็นชั่วคราว นั่นคือ CD4 เซลล์ต่ำกว่า 350/ μ L และใช้ยาต้านเอดส์มากกว่า 2 ชนิดเป็นอย่างน้อย

ภาควิชา จุฬาลงกรณ์
สาขาวิชา ..สหสาขาวิชาจุลทรรศน์วิทยาทางการแพทย์.....
ปีการศึกษา 2539

ลายมือชื่ออนุสิทธิ์ ที่ปรึกษา..... ผู้พิมพ์.....
ลายมือชื่ออาจารย์ที่ปรึกษา /.....
ลายมือชื่ออาจารย์ที่ปรึกษาร่วม ที่ปรึกษา.....

* * C 745547 : MAJOR MEDICAL MICROBIOLOGY

KEY WORD: : HIV-1 REVERSE TRANSCRIPTASE / AZT-RESISTANCE / SELECTIVE POLYMERASE CHAIN REACTION

SIRILAK WANGPITAKWONG : PREVALENCE OF HIV-1 AZIDOTHYMIDINE (AZT) RESISTANCE IN HIV-1 INFECTED INDIVIDUALS AT CHULALONGKORN HOSPITAL BY CODON 215 MUTATION OF HIV REVERSE TRANSCRIPTASE (RT) USING SELECTIVE POLYMERASE CHAIN REACTION (PCR). THESIS ADVISOR: INSTRUCTOR KIAT RUXRUNGTHAM, M.D., THESIS CO-ADVISOR : INSTRUCTOR THAWEESAK TIRAWATNAPONG, 72 pp. ISBN 974-634-723-3

In Thailand, most of the individuals infected with Human Immunodeficiency Virus type 1(HIV-1) are heterosexuals and the majority carries HIV-1 subtype E. Much has been reported of azidothymidine (AZT) resistance of HIV-1 in North America and Europe where HIV-1 subtype B predominates. However little is known about the HIV-1 AZT resistance in other part of world, particularly in regards to other subtypes. The HIV reverse transcriptase (RT) gene of AZT-resistant viral isolates demonstrated a characteristic pattern of nucleotide changes. The most common mutation that associated with a significant reduction of sensitivity to AZT is at the codon 215.

In the previously described (Mitsuya H., et al.) selective PCR for detection of codon 215 AZT resistant mutant failed to detect HIV-1 subtype E while detected subtype B. The described sense primer (L1M) of the outer pair was found mismatching with the target sequence of subtype E virus. A seminested RT-PCR was then developed by which ANMER/AS 62 were used as outer primers and ANMER B/WT 215 or ANMER B/MT 215 were used as a second primer pair for the detection of either codon 215 wild type or mutant, respectively. This modified PCR assay was showed to detect the codon 215 genotypes of both HIV-1 subtype E and B.

One hundred and fifty HIV-1 infected patients who attended the HIV Clinic at Chula longkorn hospital, from December 1995 to August 1996 were enrolled into 3 groups (50 of each) according to the history of AZT-monotherapy as follows : AZT naive (group I), AZT experienced for less than 6 months (group II) and AZT experienced for more than 6 months (group III). Most of the subjects were male (75%) with the range of 18-67 years old (mean= 34.12). The majority were heterosexuals (94%) and were symptomatic HIV patients (69 of ARC, and 56 of AIDS).

There was no AZT resistant at 215 mutant in the AZT naive group, whereas, 22% of group II and 42% of group III showed the 215 mutant genotype ($p<0.01$, Chi-square test). Moreover, in 10 of the naive group who were followed-up in the prospective study, 7 subjects showed a switching from wild type to mutant virus within 12 months of AZT therapy .

In conclusion, to study AZT-resistant at the codon 215 mutation in HIV-1 subtype E, the selective PCR needs a modification. There was no evidence of AZT-resistant HIV-1 transmission in the AZT-naive. The patients with CD4 cell count below 100, has a 22% risk of development of AZT-resistant mutant within 6 months after treated with AZT monotherapy. This finding supports the strategy of early treatment with combination therapy in the patients with a higher CD4 count which is below 350 cells/ μ L.

ภาควิชา..... จุฬาภรณ์

ถ่ายมือชื่อนิสิต..... ศรีสุกานันท์ บังผ่องวงศ์

สาขาวิชา..... สาขาวิชาจุฬาภรณ์วิทยาทางการแพทย์

ถ่ายมือชื่ออาจารย์ที่ปรึกษา.....

ปีการศึกษา..... 2539

ถ่ายมือชื่ออาจารย์ที่ปรึกษาร่วม.....



ACKNOWLEDGEMENTS

I wish to express my deep gratitude to the followings, who have helped in making this thesis possible.

Dr. Kiat Ruxrungham, the lecturer of the Department of Microbiology, Faculty of Medicine, Chulalongkorn University, the advisor, for his excellent advice, indispensable help, constructive criticisms and encouragement throughout the period of this study.

Dr. Thaweesak Tirawatnapong, the lecturer of the Department of Microbiology, Faculty of Medicine, Chulalongkorn University, the co-advisor, for his supporting primers synthesis and invaluable guidance in PCR technology.

Professor Praphan Phanuphak, Department of Medicine, Faculty of Medicine, Chulalongkorn University, for his invaluable advice and assistance.

Dr. Hiroaki Mitsuya, NIH, USA., MAJ Dr. Sudhichai Chokekijchai, Department of Medicine, Pramongkutkla Hospital, for providing the primer sequences and the PCR protocol.

All staffs at the HIV-AIDS clinic of Chulalongkorn Hospital, for their kind help in collecting the blood specimens and follow up the patients.

Sincere thanks go to the staffs of the Department of Microbiology.

Finally, I am deeply indebted to my parents and sister for their love and warmly supports.

สถาบันวิทยบริการ
 จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

CONTENT

	Page
THAI ABSTRACT.....	iv
ENGLISH ABSTRACT.....	v
ACKNOWLEDGEMENTS.....	vi
LIST OF TABLES.....	ix
LIST OF FIGURES.....	x
ABBREVIATIONS.....	xi
CHAPTER	
I INTRODUCTION.....	1
II LITERATURE REVIEW	
HISTORY.....	4
ETIOLOGY.....	4
HIV-1 BIOLOGY.....	5
HIV LIFE CYCLE.....	6
Transmission.....	6
Target cells.....	7
Attachment and Entry.....	7
Replication.....	8
Latency, Activation and Trigger factors.....	9
Genetic control of HIV.....	10
VARIATION.....	12
IMMUNOPATHOGENESIS OF HIV.....	12
Immunological abnormalities.....	13
CD4+ Cell Death.....	14
CLINICAL MANIFESTATIONS.....	15
LABORATORY DIAGNOSIS.....	17
ANTIRETROVIRAL THERAPY.....	20
Nucleoside analog Reverse Transcriptase Inhibitor.....	21

AZT RESISTANCE.....	22
HIV Protease Inhibitor.....	24
Combination Therapy.....	25
III MATERIALS AND METHODS	
PART I. Developoment of selective PCR for genotypic	
analysis of codon 215.....	26
1. The previously described selective PCR.....	26
1.1 Plasmid control.....	26
1.2 Primer selection.....	26
1.3 Analysis of codon 215 of <i>RT</i> gene by the previously described selective PCR protocol.....	28
2. Validation of RT-PCR assay in clinical samples.....	29
2.1 Study group.....	29
2.2 Sample preparation : RNA extraction.....	29
2.3 cDNA synthesis.....	30
2.4 PCR Amplification.....	30
2.5 Analysis of Amplification products.....	30
PART II. Modified seminested RT-PCR to detect	
both HIV-1 subtype E and B.....	31
PART III. Study the prevalence of AZT-resistant mutation	
at codon 215.....	32
A. Cross-sectional study.....	32
B. Prospective Study.....	33
IV RESULTS.....	34
V DISCUSSION.....	46
VI CONCLUSIONS.....	49
REFERENCES.....	51
APPENDIX I.....	64
APPENDIX II.....	65
APPENDIX III.....	69
BIOGRAPHY.....	72

LIST OF TABLES

Table	Page
I HIV-1 Genes and Gene Products.....	11
II 1993 revised classification system for HIV infection and expanded AIDS surveillance case definition for adolescents.....	15
III Effect of Mutation on Drug Susceptibility to AZT-monotherapy.....	24
IV Characteristics of the studygroups.....	39
V The prevalence of AZT-resistant codon 215 genotype and the correlation with CD4 cell counts.....	40
VI Clinical And Laboratory Details.....	44

สถาบันวิทยบริการ
จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

LIST OF FIGURES

Figure	Page
1. Schematic representation of selective PCR procedure used to detect mutation in the reverse transcriptase gene at codon 215 conferring AZT resistance.....	27
2. Analysis of plasmid DNA (wild type and mutant 215) with the previously described selective 215 RT-PCR.....	35
3. The modified selective 215 RT-PCR assay for the detection of HIV-1 subtype E.....	36
4. Analysis of RT codon 215 in HIV-1 infected patients with modified selective PCR.....	37
5. AZT-215 mutation and means of CD4 cell count between the group of less than and more than 6 months of AZT treatment.....	41
6. Comparison of the prevalences of codon 215 mutant between the patients with baseline CD4 less than and more than 100/ μ L.....	42
6. The prospective results of patients no.6 and 10.....	45

ABBREVIATIONS

ADCC	=	Antibody Dependent Cell-mediated Cytotoxicity
AIDS	=	Acquired Immuno Deficiency Syndrome
ARC	=	AIDS-related Complex
ARV	=	AIDS-associated retrovirus
Asymp	=	Asymptomatic
B-cells	=	Bursa-derived lymphocytes
bp	=	base pair
°C	=	Degree Celcius
CD	=	Cluster of Differentiation
CDC	=	Centers for Diseases Control
DDW	=	Deionized distilled water
DNA	=	Deoxyribonucleic acid
dNTPs	=	Deoxynitrogentriphosphates
DW	=	Distilled water
ELISA	=	Enzyme Linked Immunosorbent Assay
env	=	envelopoe
et al.	=	et alii
g	=	gram
gp	=	glycoprotein
HCl	=	hydrochloride acid
HIV	=	Human Immunodeficiency Virus
HTLV	=	Human T Lymphotropic Virus
i.e.	=	id est
Ig	=	Immunoglobulin
IVDU	=	Intravenous drug user
LAV	=	Lymphadenopathy Associated Virus
LTRs	=	Long terminal repeats

M	=	Molar
mg/L	=	milligram per liter
MgCl₂	=	Magnesium chloride
min(s)	=	minute(s)
mL	=	milliliter
mm³	=	cubic millimeter
nm	=	nanometer
NNRT	=	Non nucleoside analogue reverse transcriptase
NSI	=	Non Syncytium Inducing
PBMCs	=	Peripheral Blood Mononuclear Cells
PCR	=	Polymerase Chain Reaction
PGL	=	Persistent Generalized Lymphadenopathy
pol	=	polymerase
RNA	=	Ribonucleic acid
rpm	=	round per minute
RT	=	Reverse Transcriptase
T-cells	=	Thymus-derived lymphocytes
Tris	=	Tris-(hydroxymethyl)-aminoethane
U	=	Unit
μg	=	microgram
μL	=	microliter
UV	=	Ultraviolet
WHO	=	World Health Organization