



บทนำ

นี้สอดคล้องความสำคัญในแบ่งการให้ความส่วยงานตามชั้นชั้นต้องการมาก บางชนิดมีคุณค่าทางเศรษฐกิจและเป็นเชิงสมุนไพร นักวิทยาศาสตร์จึงให้ความสนใจที่จะศึกษาเกี่ยวกับพืชดอกในด้านต่าง ๆ ออย่างไม่หยุดยั้ง รวมทั้งศึกษาทางด้านเซลล์พันธุศาสตร์ การปรับปรุงพันธุ์อนุกรรมวิชาน และวิถีของการของพืช ข้อมูลอย่างหนึ่งที่จะนำมาประกอบการศึกษาในด้านต่าง ๆ เหล่านี้ ได้จากการศึกษาโครงโน้มน้าว นักวิทยาศาสตร์ในต่างประเทศ เช่น สหรัฐอเมริกา อังกฤษ ฝรั่งเศส รัสเซีย ออสเตรเลีย นิวซีแลนด์ เดนมาร์ก อีกทั้ง แคนาดาและอินเดีย เป็นต้น เล็งเห็นความสำคัญของ การศึกษาโครงโน้มน้าวมาก จึงได้ทำการศึกษาอย่างกว้างขวางและรวมรวมผลงานไว้ในແນທ່ໄໂຄຣໂນໂສົມ (chromosome atlas) โดยเสนอจำนวนโครงโน้มน้าวเป็น 3 แบบ ได้แก่ somatic number (2N) gametic number (N) และ basic number (X)

somatic number (2N) หมายถึงจำนวนโครงโน้มน้าวในเซลล์ร่างกาย (somatic cell) ประกอบด้วยโครงโน้ม 2 ชุด ชุดหนึ่งมาจากการผ่านอีกชุดหนึ่งมาจากการแม่ เช่น คน (Homo sapiens sapiens) มี somatic number $2N=46$ ว่านหางจระเข้ (Aloe vera) $2N=14$ และข้าวสาลี (Triticum aestivum) $2N=42$ เป็นต้น gametic number (N) หมายถึงจำนวนโครงโน้มน้าวในเซลล์ลีบพันธุ์ของพ่อหรือแม่ ได้ gametic number ปกติมีจำนวนเป็นครึ่งหนึ่ง (haploid) ของจำนวนโครงโน้มน้าวในเซลล์ร่างกายเสมอ basic number (X) หมายถึงจำนวนโครงโน้มน้าวที่สุดที่มีรูปร่างลักษณะไม่เหมือนกันเลยใน chromosome complement และชุดของโครงโน้มน้าวที่คือชีโนม (genome) เช่น ดิเพโลยด (diploid 2X) มี 2 ชีโนม อาจเหมือนกันเป็น AA หรือต่างกันเป็น AB จึงบอกได้ว่าดิเพโลยดมีมาจากการต้นกำเนิด (origin) ที่เป็นชนิดเดียวกันหรือต่างชนิดกัน เมื่อรู้จำนวนโครงโน้มน้าวในเซลล์ร่างกายและจำนวน basic number ของลั่งมีชีวิตชนิดเดียวกัน ก็สามารถอกระดับพลอยดีของลั่งมีชีวิตชนิดนั้นได้ เช่น สกุล Triticum มี basic number (X)=7 เมื่อศึกษาจำนวนโครงโน้มน้าวจากเซลล์ร่างกายของ Triticum 8 ชนิดพบว่า T. monococcum และ T. boeoticum มี somatic number $2N=14$ แสดงว่าทั้งสองชนิดเป็น ดิเพโลยด และมีชีโนมเหมือนกันคือ AA ส่วน Triticum อีก 4 ชนิดได้แก่ T. dicoccoides T. turgidum T. araraticum และ T. timopheevi มี somatic number $2N=28$ จึงจัดทั้ง 4 ชนิดนี้เป็นเทแทรพลอยด์ (tetraploid 4X) และจากการศึกษายังบอกได้ว่า ทั้ง 4 ชนิดเป็นอัลโลเทแทรพลอยด์ (allo-tetraploid) โดย 2 ชนิดแรกมีชีโนมเป็น AABB และ 2 ชนิดหลังมีชีโนมเป็น AAGG ส่วน T. zhukovskyi และ T. aestivum (หรือ T. vulgare) มี somatic number $2N=42$ จึงเป็นເຊກຫາพลอยด์ (hexaploid)

6X) แต่ทั้งสองชนิดมีชื่อไม่ต่างกันเป็น AAGGGG (segmental allopolyploid) และ AABBD (allopolyploid) ตามลำดับ Kihara and Tanaka (Kihara, 1982)

Stebbins (1971) พบว่าไม้เข็นต้นขนาดใหญ่ (tree) และขนาดกลาง (shrubby tree) จะมีค่าของ basic number ค่อนข้างสูงคือ $X=11$ 12 13 และ 14 แต่พวงไม้พุ่ม (shrub) มีค่า basic number ต่ำกว่าคือ $X=7$ 8 และ 9 นักวิทยาศาสตร์ได้รวมรวมผลการศึกษาจำนวนโครงการโนโรม แยกไว้เป็นหมวดหมู่มากกว่าสามหมื่นห้าพันชนิด (Darlington and Wylie, 1955; Ornduff, 1967; Bolkhovskikh, Griff, Matvejeva and Zakharyeva, 1969 and Moore, 1973) สำหรับในประเทศไทยมีการศึกษาเกี่ยวกับโครงการโนโรมน้อยมาก ส่วนใหญ่จะศึกษาในไม้พุ่มและไม้ต้น ขณะนี้การศึกษาจำนวนโครงการโนโรมในไม้เข็นต้นจึงเป็นเรื่องน่าสนใจ เพื่อให้ได้ข้อมูลเกี่ยวกับโครงการโนโรมของพืชออกสมบูรณ์ขึ้น ซึ่งสามารถนำข้อมูลเหล่านี้ไปใช้ประโยชน์ต่อไป

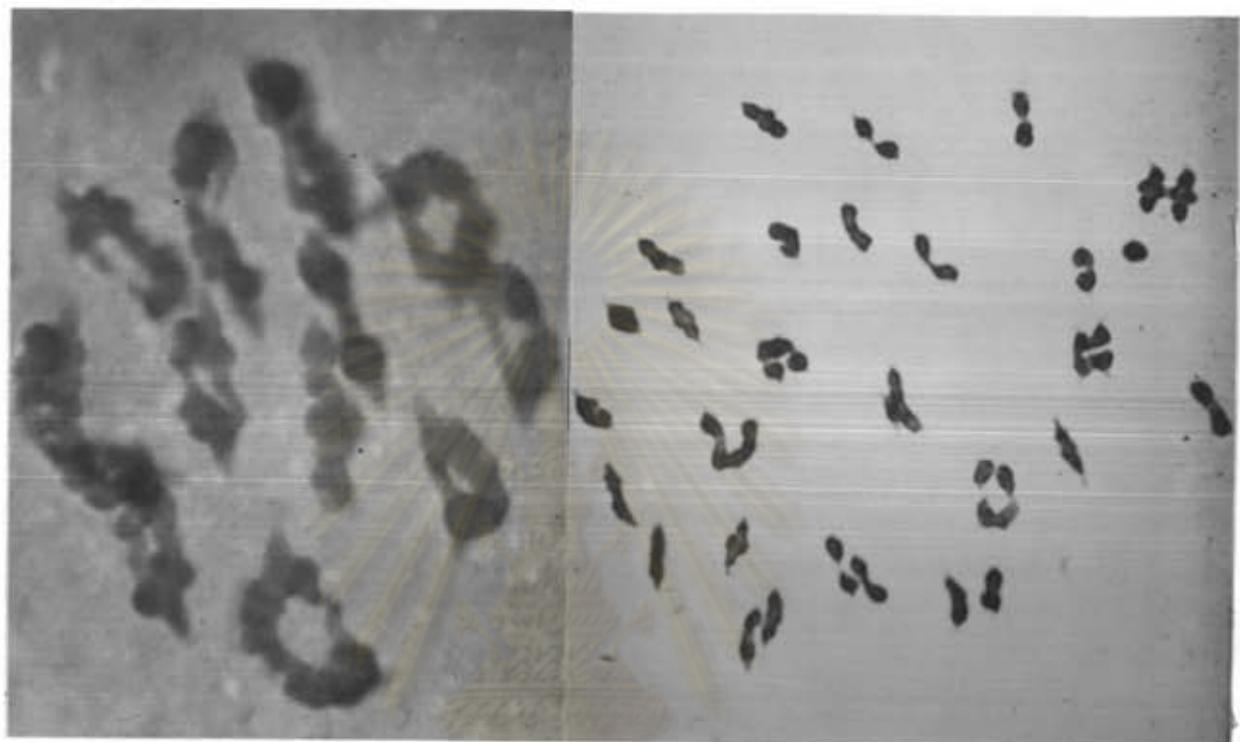
โครงการโนโรม คือ โครงสร้างทางพันธุกรรม (heredity structure) ที่ประกอบด้วยนิวเคลียโปรตีน (nucleoprotein) ซึ่งเป็นที่อยู่ของหน่วยพันธุกรรม เฉพาะกรณิวคลีอิก (nucleic acid) เท่านั้นเพื่อหลังที่เก็บรักษา (storage) ถ่ายทอด (transmission) และแสดงออก (expression) ทางข้อมูลพันธุกรรม (genetic information) โครงการโนโรมมีขนาด จำนวนคงที่ในแต่ละเซลล์ และสามารถจำลองตัวเองได้ในช่วงอินเตอร์เฟส (inter phase) ของวงชีพเซลล์ โครงการโนโรมของยูการิโอด (eukaryote) มีคุณสมบัติเฉพาะ คือ ทำปฏิกิริยากับสีข้อมที่เป็นเบส (basic dye) เช่น methyl green hematoxylin basic fuchsin carmine และ orcein (Sheeler, 1983) สามารถศึกษาจำนวนและรูปร่างลักษณะของโครงการโนโรมจากการแบ่งนิวเคลียสทั้งไมโทซิส (mitosis) และไมโอซิส (meiosis) เพราะขณะที่มีการแบ่งนิวเคลียส รูปร่างของโครงการโนโรมจะเปลี่ยนแปลงไป ถ้าเป็นเซลล์ร่างกาย จะนับจำนวนโครงการโนโรมได้จากไมโทติกเมทาเฟส (mitotic metaphase) เพราะโครงการโนโรมจะมีหน้า และความหนา และระยะจากได้ต่ำ (Mc Leish and Snoad, 1972) ตั้งภาพที่ 1 จำนวนโครงการโนโรมที่ได้จากเซลล์ร่างกายนี้เรียก somatic number ($2N$) ซึ่งนับได้จากส่วนต่าง ๆ ของพืช ได้แก่ ราก ในอ่อน ใบประดับ กลีบดอก และกลีบเลี้ยง วิธีที่ใช้ศึกษาจำนวนโครงการโนโรมจากเซลล์ร่างกาย ปัจจุบันนิยมใช้วิธี Feulgen squash (Darlington and La Cour, 1966) เพราะเป็นวิธีเตรียมเซลล์ที่ได้ผลดีที่สุด มีผู้ดัดแปลงวิธี squash เพื่อให้ได้ผลดีขึ้น เช่น กรณีที่มีปัญหาเกี่ยวกับความหนาของผนังเซลล์ ซึ่งเป็นสิ่งขัดขวางการซึมผ่านของสารเคมีที่ใช้เป็น pretreatment Lin (1977) จึงใช้ glusalase ละลายผนังเซลล์ทำให้เนื้อเยื่ออ่อนนุ่ม ช่วยให้เซลล์แยกออกจากกัน และแพร่ออกได้ดี จึงเห็นโครงการโนโรมกระจายอยู่ในระบบเดียวกัน นอกจากนี้ Sharma (1984) ซึ่งได้ตัดแปลงวิธี squash มาใช้กับเนื้อเยื่อเจริญของใบข้าวสาลีและข้าวนาลேร์ เขาพบเซลล์ที่มีการแบ่งนิวเคลียส ระยะเมทาเฟสจำนวนมากกว่าวิธีเดิม นักวิชาการเห็นพ้องว่าโครงการโนโรมกระจายได้ดีกว่าโครงการโนโรม



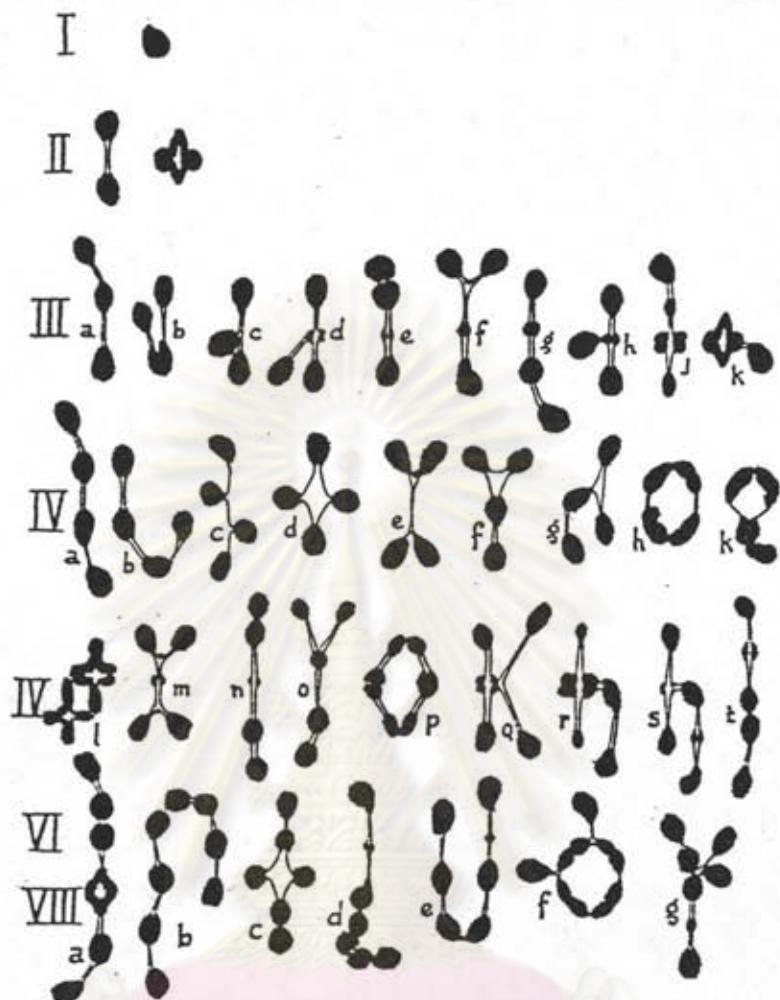
ภาพที่ 1 แสดงโครโนไม้มจากเซลล์ปลายรากของ Hordeum murinum $2N=14$ (ภาพซ้าย)
และเซลล์ในประดับของ Helianthus annuus $2N=68$ (ภาพขวา) เซลล์ถูกส่อง
เครื่องไฟจากวิธี acetoorcein Feulgen (กันยาภัตต์ ไชยสุด, 2532)

ในรากของต้นเดียว กัน วิธีเครื่องมือไม่ใช่มากไปขึ้นทำได้เร็วกว่าราก และชั้งใช้ประโยชน์ในการตรวจว่าเด็กแบบไคเมอร่า (chimera) ได้ออกด้วย นอกจากศึกษา somatic number ในไมโครโนมิกาเพสแล้วยังสามารถศึกษาจำนวนโครโนมได้จาก เอิร์มไลน์เซลล์ (germ line cell) โคลชุกการจับคู่ (synapsis) ของโครโนมที่เหมือนกัน (homologous chromosome) ในระยะเมทาเฟสแรก (first metaphase) ของการบ่งนิวเคลียสไม่ใช่จำนวนโครโนมที่ได้ใหม่อกเป็น ไนวาเลนท์ (bivalent มีโครโนมที่เหมือนกันสองแท่ง) และมัลติวาเลนท์ (multivalent มีโครโนมเหมือนกันมากกว่าสองแท่งขึ้นไป) เช่น บัวจีดอกซมูเล็ก (Zephyranthes rosea 2N=24) โครโนมจับคู่กันเป็น 12 ไนวาเลนท์ (12II=24 โครโนม) ส่วนทานตะวัน (Helianthus annuus 2N=68) โครโนมในระยะเมทาเฟสแรกจับคู่กันเป็น 7 คuatorิวาเลนท์ (quadrivalent) 1 ไทริวาเลนท์ (trivalent) 18 ไนวาเลนท์ (bivalent) และ 1 ชูนิวาเลนท์ (univalent) (7IV+1III+18II+1I=68) ภาพที่ 2 ตัวอย่างการจับคู่กันของโครโนมที่เหมือนกันแสดงเป็นไดอะแกรมไว้ในภาพที่ 3 และภาพที่ 4 เอิร์มไลน์เซลล์ที่นำมาศึกษาการจับคู่ของโครโนมได้มาจาก embryosac mother cell (EMC) ในอุวุล (ovule) หรือ pollen mother cell (PMC) หรือไมโครสปอร์ไซต์ (microsporocyte) ในอับเรณู (anther) แต่ในยามใช้อับเรณู มากกว่าอุวุล เพราะภายในแต่ละอับเรณูมี PMC เป็นจำนวนมาก ส่วนอุวุลแต่ละอันมี EMC เพียงหนึ่งเซลล์ การเตรียมเอิร์มไลน์เซลล์ใช้วิธี smear (Darlington and La Cour, 1966) ขั้นตอนสำคัญของการเตรียมเซลล์แบบนี้ อยู่ที่การเลือกขนาด细胞ของอับเรณูมาใส่ในสารเคมีที่ใช้ซ่าเซลล์ (fixative) dok ก็ PMC กำลังแบ่งนิวเคลียสไม่ใช่สิ่งในระยะที่ใช้นับโครโนมได้จะมีขนาดเล็กมาก สีของกลีบดอกหังไม่เกิด ถ้าเลือกอับเรณูต้องเลือกอับเรณูที่มีสีขาวหรือสีเขียวอ่อนขนาดของอับเรณูแตกต่างกัน ในพืชแต่ละชนิด ถ้าอับเรณูมีสีเหลือง ภายในจะพบในโครงสร้าง (microspore) และละอองเรณู (pollen grain) ซึ่งไม่เหมาะสมสำหรับการศึกษาการจับคู่ของโครโนม แต่อาจใช้ระยะไม่โตติกเมทาเฟสของในโครงสร้าง น即 โครงสร้างของโครโนมได้ (genetic number =N) ภาพที่ 5 การเลือกขนาด细胞จะง่ายสำหรับไม้ดอกชนิดที่เป็นดอกช่อแบบ raceme inflorescence คือมีดอกแยกกันจากห้างล่างขึ้นไปห้างบน แต่ถ้ามีดอกได้ออกหนึ่งในดอกช่อนานา ดอกตูมที่เหลือก็มักจะมีอับเรณูที่เจริญจนไม่พบ PMC ที่แบ่งนิวเคลียสในระยะไม่โตติกแรก (first meiotic division) แต่จะพบ PMC แบ่งนิวเคลียสในระยะที่สอง (second meiotic division) โดยเฉพาะระยะที่โลไฟฟ์ส่อง (telophase II) หรือ microspore quartet (กันยาธัน ไชยสุ, 2532)

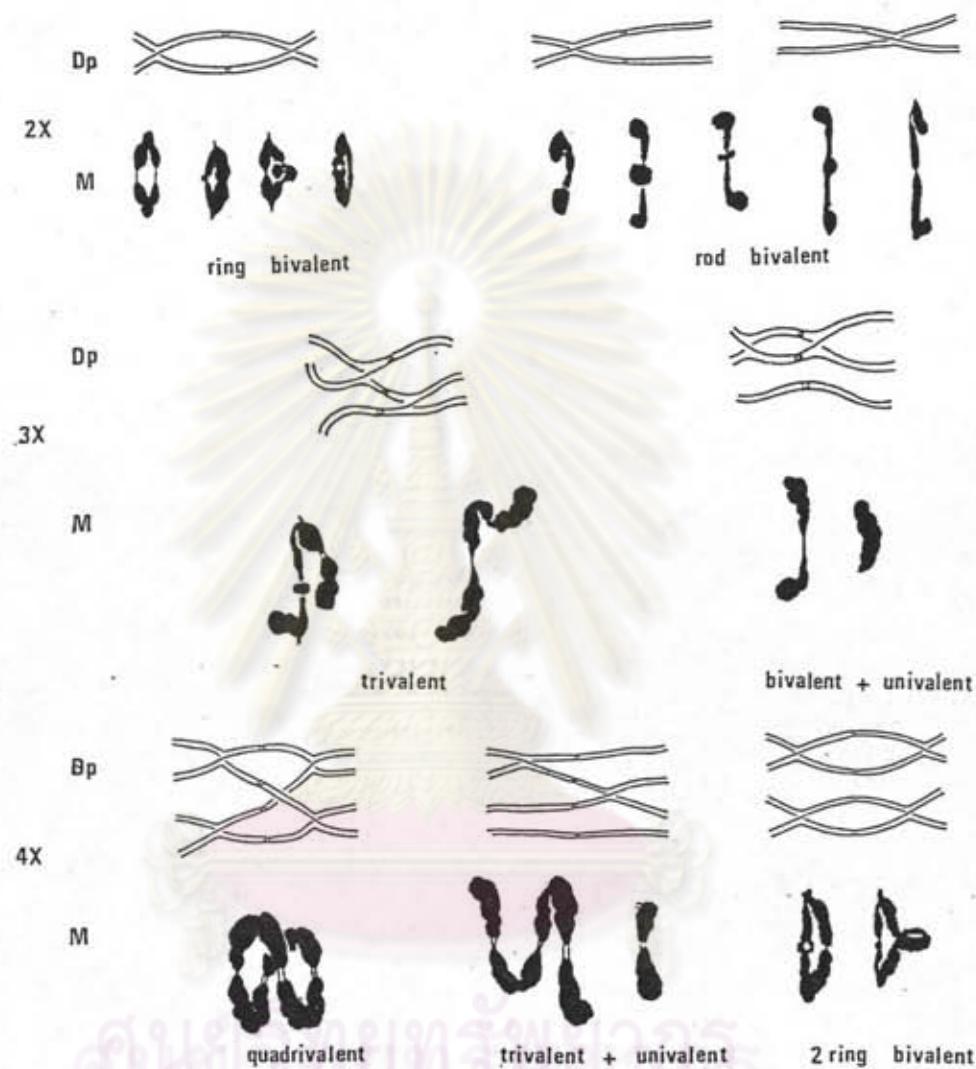
จากการศึกษาโครโนมในพืชพบว่า การติดสีของโครโนมของพืชแต่ละชนิดแตกต่างกันไป แม้ว่าจะใช้วิธีเตรียมเซลล์แบบเดียวกัน พืชในวงศ์ Liliaceae และ Gramineae โครโนมติดสีง่าย ส่วนพืชในวงศ์ Malvaceae และ Onagraceae โครโนมติดสีได้ยากมาก (Stebbins, 1971)



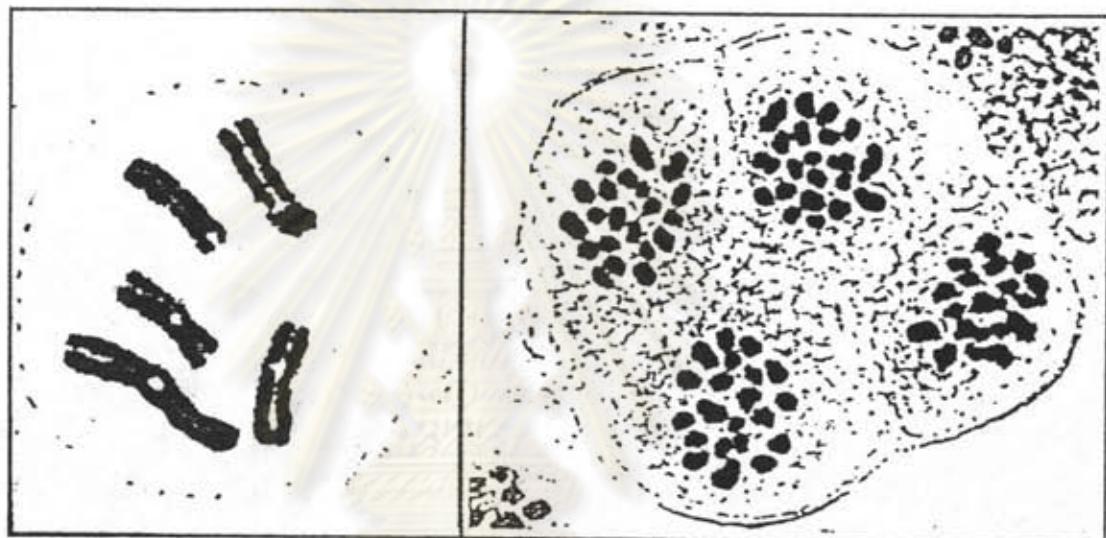
ภาพที่ 2 แสดงการจับคู่ ของโครโนโซมในระยะเมiosisแรก ของบัวเงินดอกชบาเล็ก (Zephyranthes rosea) $2N=24$ ประกอบด้วย 12 bivalent และ ทานตะวัน (Helianthus annuus) $2N=68$ ประกอบด้วย 7 quadrivalent+1trivalent +18bivalent+1univalent (กันยาภรณ์ ไชยสุต, 2532)



ภาพที่ 3 ไดอะแกรมแสดงการจับคู่ของโครโนไนโตรที่เหมือนกันในระยะ first metaphase แบบต่าง ๆ bivalent(II) trivalent(III) quadrivalent(IV) sexivalent (VI) และ octavalent (VIII) ส่วนโครโนไนโตรที่ไม่มีการจับคู่อยู่ในส่วน univalent (I) (ตัดแปลงจาก Darlington, 1965)



ภาพที่ 4 ไดอะแกรมแสดงการจับคู่ของโครโมโซมที่เหมือนกันในระยะ diplotene (Dp) และ first metaphase (M) ของ diploid (2X) triploid (3X) และ tetraploid (4X) (กันยาธน์ ไชยสุต, 2532 ตัดแปลงจาก Darlington, 1965 และ Riley, 1967)



ภาพที่ 5 แสดงโครงไมโครโนมชนิดต่าง ๆ ที่ได้จากการเตรียมเชลล์ แบบ smear ภาพชี้ชัยคือ microspore และ mitotic metaphase ของ Trillium erectum (N=5) ภาพชัวคือ microspore quartet ของ Orchis purpurea (N=21) (Brown, 1972 และ กันยาภรณ์ ไชยสุค, 2532)

ลิ่งมีชีวิตแต่ละชนิดมีจำนวนโครโน่ไซมแตกต่างกันมาก บางชนิดมีโครโน่ไซมเพียง 2 แท่งในเซลล์ร่างกาย ได้แก่ Geratic hermaphoditus ส่วน Ophioglossum reticulatum มีจำนวนโครโน่ไซมถึง 1260 แท่ง พืชบางชนิดที่เป็นผลลัพธ์พบว่ามีจำนวนชุดของโครโน่ไซมสูงได้ถึง 42 ชุด สัตว์แต่ละชนิดก็พบว่า มีจำนวนโครโน่ไซมแตกต่างกันมาก เช่นเดียวกับพืช คือ Ascaris megalcephala มี somatic number = 4 แต่พืชเลือด Lycaenid (Lysandra atlantica) จากเทือกเขาแอกลาสม์โครโน่ไซม 446 แท่ง (ดิพลอยด์) (Ninan, 1958; Sinha and sinha, 1982) นอกจากนี้ยังพบว่า ในลิ่งมีชีวิตส่วนใหญ่มีจำนวนโครโน่ไซมในเซลล์ร่างกายเฉลี่ยระหว่าง 10-100 แท่ง แต่ลิ่งมีชีวิตพวงกุญแจโครโน่ไซมขนาดใหญ่มีจำนวนโครโน่ไซมเฉลี่ยระหว่าง 10-24 แท่ง ส่วนลิ่งมีชีวิตที่มีโครโน่ไซมขนาดเล็กจะมีจำนวนโครโน่ไซมแตกต่างกันไป เช่น ในราและมอสมีจำนวนโครโน่ไซมน้อย แต่สัตว์ในวงศ์ decapod crustaceae มีจำนวนโครโน่ไซมมาก (Brown, 1972) ในพืชดอก พบว่า มีจำนวนโครโน่ไซม $2N=4-264$ (Moore, 1976) พืชดอกที่มีจำนวนโครโน่ไซมน้อยที่สุด ออยู่ในวงศ์ Compositae คือ Haplopappus gracilis ในอเมริกาเหนือ และ Brachycome lineariloba ในออสเตรเลียมีจำนวนโครโน่ไซม $2N=4$ และ $X=2$ (White, 1972) พืชดอกที่มีจำนวนโครโน่ไซมมากที่สุดคือหญ้า (Poa litorosa) ในประเทศนิวซีแลนด์ $2N=263-265$ และ $X=7$ ระดับผลอดีต = 38 (Hair and Beuzenberg, 1961)

การศึกษาโครโน่ไซมสามารถนำไปใช้ประโยชน์ในด้านต่าง ๆ เช่น อนุกรรมวิชาน เซลล์แห่งชีวศาสตร์ การหาสายสัมพันธ์และวิถีของการระหว่างลิ่งมีชีวิต และใช้ในการปรับปรุงพันธุ์พืชและสัตว์

ประโยชน์ในด้านอนุกรรมวิชาน

De Robertis and De Robertis (1980) กล่าวว่า ลิ่งมีชีวิตชนิดเดียวกันนอกจากมีจำนวนโครโน่ไซมเท่ากันแล้ว ยังมีรูปร่างลักษณะของโครโน่ไซมเหมือนกันอีกด้วย ซึ่งสามารถนำความรู้มายังการจัดกลุ่มของพืชในลำดับ (taxon) ต่าง ๆ ได้ถูกต้องแน่นอน กว่าที่ใช้ลักษณะทางสัณฐานวิทยาเพียงอย่างเดียว Stebbins (1950) พบว่า โดยทั่วไป พืชไม้ไม่ใช้ลักษณะทางสัณฐานวิทยาลักษณะที่มีรูปร่างลักษณะโครโน่ไซมลักษณะที่ตัวพืชได้ศึกษาพืชออกชนิดต่าง ๆ และสรุปว่า พืชดอกที่มีเนื้อไม้ (woody plants) มีโครโน่ไซมจำนวนมากแต่โครโน่ไซมมีขนาดเล็ก ส่วนพืชดอกที่เป็นพืชล้มลุก (herbaceous plants) มักจะมีโครโน่ไซมขนาดใหญ่และมีจำนวนน้อย

ประโยชน์ในด้านเชลล์พันธุศาสตร์

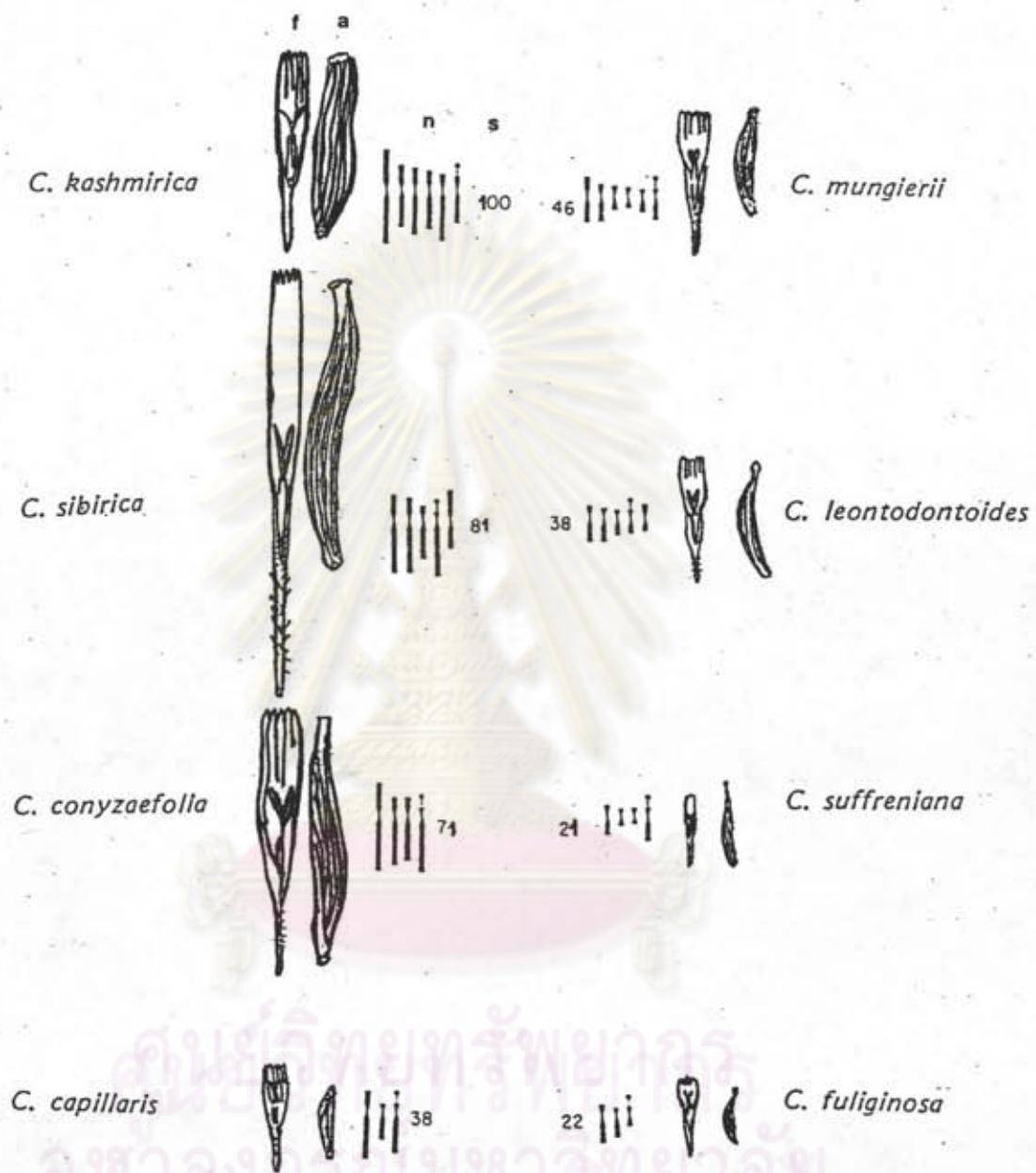
จากการเตรียมสไลต์แบบ squash สามารถศึกษารายละเอียดของโครโนไซมแต่ละแท่งใน chromosome complement ได้ แล้วนำมาจัดทำคาร์บอโนไทป์ (karyotype) ส่วนการเตรียมสไลต์แบบ smear ช่วยในการศึกษารูปร่างลักษณะการจับคู่ของโครโนไซม (meiotic configuration) ทำให้รู้ถึงระดับเพลย์อฟ และสามารถกำหนดการเจริญพันธุ (fertility) ของลิงมีชีวิตชนิดนี้ได้ถ้าการเจริญพันธุ่มีความสัมพันธ์กับโครโนไซมนอกจากนี้จำนวนโครโนไซม และการสมรรถนะทางสายพันธุ สามารถนำมาใช้ วิเคราะห์ชุดของโครโนไซม (genome analysis) เพื่อหาต้นกำเนิดของสายพันธุ์ได้ เช่น Kihara and Tanaka (Kihara, 1982) ศึกษาเชิงในสกุล Triticum $X=7$ แล้วแบ่งพืชสกุลนี้ตามอีโนเมและจำนวนโครโนไซม เป็น 4 กลุ่ม กลุ่มแรก Einkorn เป็นพิพล้อยด์ ได้แก่ T. boeoticum ($2X=14$) และ T. monococcum ($2X=14$) กลุ่มที่สอง Emmer wheat เป็นเทกราพล้อยด์ ($4X=28$) ได้แก่ T. dicoccoides ($4X=28$) และ T. turgidum ($4X=28$) กลุ่มที่สาม Timopheevi wheat ประกอบด้วยเทกราพล้อยด์และເຊກ່າພລອຍດໍ ພວກທີ່ເປັນເທກຣາພລອຍດໍ ໄດ້ແກ່ T. araraticum ($4X=28$) และ T. timopheevi ($4X=28$) ส่วนພວກເຊກ່າພລອຍດໍ ໄດ້ແກ່ T. zhukovskyi ($6X=42$) กลุ่มสุดท้าย Common wheat มີອຸ່ນນິດເຕືອງ T. aestivum (T. vulgare $6X=42$) ທີ່ເປັນພັນຍົງທີ່ໃຫ້ປຸກເປັນພື້ນເທຣະຮູຈີຈ ເມື່ອນຳພື້ນໃນສຸກ Triticum ຖັນລືກລຸ່ມມາພຳນັກນັບຈຳນວນโครโนไซມແລະດູກາຈັບคຸ້ຂອງโครโนໄໂສມແກ່ມີຄວາມສັມພັນຍົງກັບโครโนໄໂສມ ສຳເນົາກັບຄວາມສັມພັນຍົງຂອງພັນຍົງທີ່ໃຫ້ປຸກພຳນັກໃຫ້ສາມາດນອກຈຸດຂອງອື່ນແລະສຽງພາຍໃຕ້ ພວກທີ່ເປັນເທກຣາພລອຍດໍ ໄດ້ແກ່ T. araraticum ($4X=28$) และ T. timopheevi ($4X=28$) ສ່ວນພວກເຊກ່າພລອຍດໍ ໄດ້ແກ່ T. zhukovskyi ($6X=42$) ກຸລຸ່ມສຸດທ້າຍ Common wheat ມີອຸ່ນນິດເຕືອງ T. aestivum (T. vulgare $6X=42$) ທີ່ເປັນພັນຍົງທີ່ໃຫ້ປຸກເປັນພື້ນເທຣະຮູຈີຈ ເມື່ອນຳພື້ນໃນສຸກ Triticum ຖັນລືກລຸ່ມມາພຳນັກນັບຈຳນວນโครโนໄໂສມແລະດູກາຈັບคຸ້ຂອງโครโนໄໂສມແກ່ມີຄວາມສັມພັນຍົງກັບโครโนໄໂສມ ສຳເນົາກັບຄວາມສັມພັນຍົງຂອງພັນຍົງທີ່ໃຫ້ປຸກພຳນັກໃຫ້ສາມາດນອກຈຸດຂອງອື່ນແລະສຽງພາຍໃຕ້ ພວກທີ່ເປັນເທກຣາພລອຍດໍ ໄດ້ ໂດຍກຸລຸ່ມ Einkorn ມີຈຸດຂອງโครโนໄໂສມ ເປັນ AA ກຸລຸ່ມ Emmer wheat ມີຈຸດຂອງโครโนໄໂສມເປັນ AABB ກຸລຸ່ມ Timopheevi wheat ມີຈຸດຂອງโครโนໄໂສມເປັນສອງແນວຕີ ພວກທີ່ມີโครโนໄໂສມ $2n = 28$ ມີຈຸດຂອງโครโนໄໂສມເປັນ AAGG ແຕ່ນວກທີ່ມີโครโนໄໂສມ $2n = 42$ ດີວ T. zhukovskyi ມີຈຸດຂອງโครโนໄໂສມເປັນ AAGGGG ແລະ ກຸລຸ່ມ Common wheat ດີວ T. aestivum ມີຈຸດຂອງโครโนໄໂສມເປັນ AABBDD

ประโยชน์ในด้านการหารายสາຍສັມພັນຍົງແລະວິວັດນາກາຮອງໜີ້

Stebbins (1971) ພນວ່າ ຂະດາມແລະຈຳນວນโครโนໄໂສມຈະປັບປຸງພິບພລິດຂອງຂຶ້ນ ດີວ ໄປຮັດຂອງລົງມີ້ວິດນີ້ ຈຶ່ງຈະແສດງອອກທາງສັຫງານວິທີກາ ກາຮງຮາຍທາງໝົມມີຄ່າສົດ ແລະ ຈຳນວນโครโนໄໂສມຂອງພື້ນ ຈະເປັນຫຼວບ່າງໜີ້ ແນວໄຟທາງວິວັດນາກາຮອງພື້ນນີ້ນີ້ ຈຶ່ງ ເຊັ່ນ Haplopappus gracilis ($X=2$) ວິວັດນາກາມມາຈາກ H. ravenii ($X=4$) ແຕ່ H. gracilis ຫັນໃນດີແລ້ມໄດ້ຕີກວ່າ H. ravenii (Swanson, 1981) ນອກຈາກນີ້ຍັງມີກາຮງຮາຍວ່າ ພື້ນທີ່ພົມມາກີ່ສຸດບຣິເວນນີ້ໄລກົກ່າມີອາກາສ໌ທ່າງເຢັ້ນ ມີຈຳນວນโครโนໄໂສມມາກ ຈຶ່ງຈະມີ ປົກນາດຕີເອນເອ (DNA) ສູງ ກຳໄຟພື້ນວກນີ້ທີ່ອອກາສ໌ທ່າງເຢັ້ນ ມີອັດຕາມແບບອລິສົມ

(metabolism) ต่อ และมีวงชีพยืนยาวกว่าพืชในเขตวอน หรือเขตอบอุ่น (Pearson and Lewis, 1974)

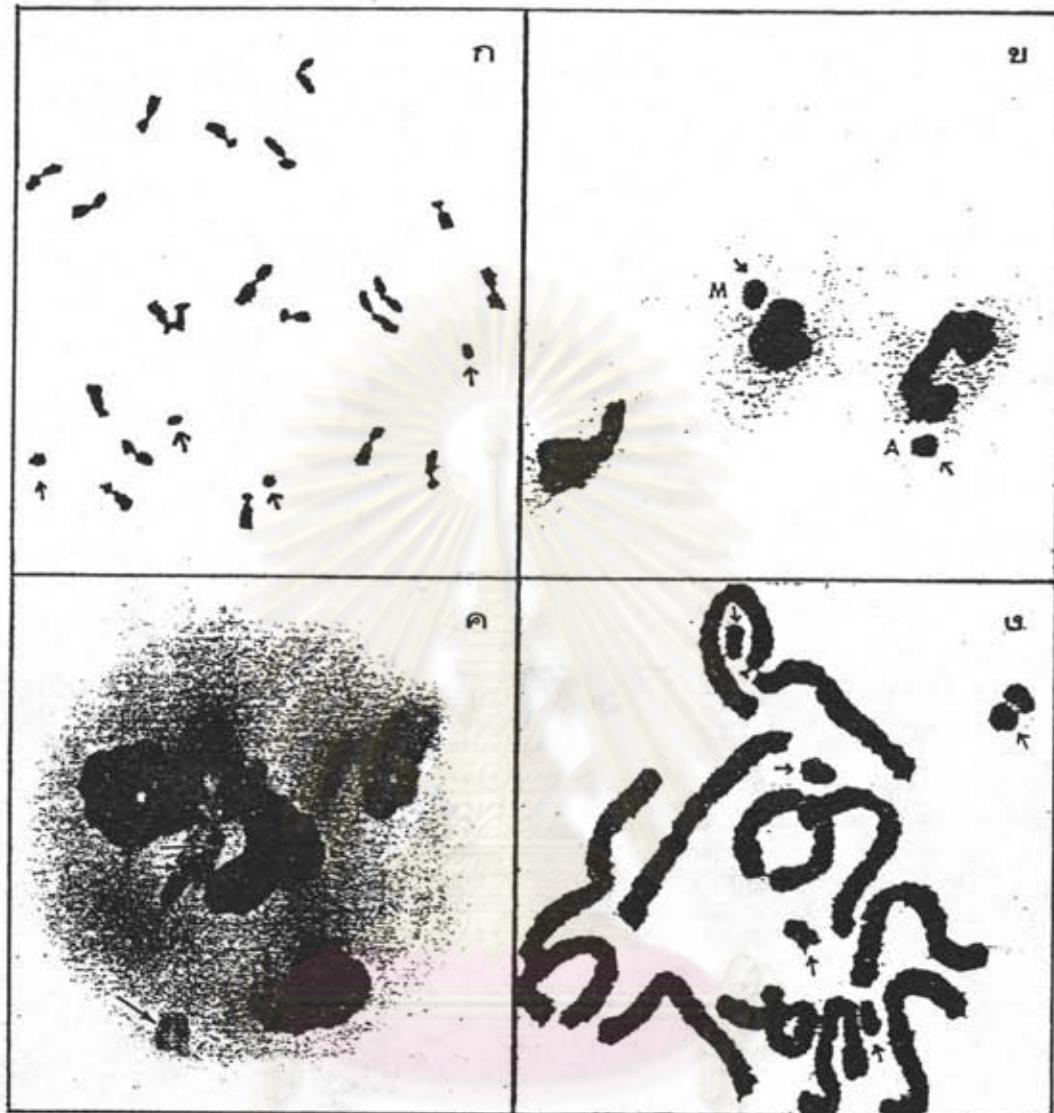
Swanson (1981) พบว่าพืชใบเลี้ยงเดียวมีโครงโน้มโฉมใหญ่กว่าพืชใบเลี้ยงคู่ พืชแบบดั้งเดิม (primitive) มีโครงโน้มโฉมใหญ่กว่าพืชที่พัฒนาแล้ว (advanced) เช่นพืชใบเลี้ยงเดียวพืช Liliales จะมีโครงโน้มโฉมใหญ่กว่า Orchidales พืชใบเลี้ยงคู่พืช Ranales ซึ่งเป็นแบบดั้งเดิมที่สุดจะมีโครงโน้มโฉมใหญ่กว่า Campanulales หรือ Compositae ในเดิร์น ดั้งเดิม Osmundaceae และ Hymenophyllaceae มีโครงโน้มโฉมใหญ่กว่า Salviniaceae ส่วน Polypodiaceae มีโครงโน้มขนาดกลาง นอกจากนี้ในช่วงที่มีวัฒนาการ พืชยังมีการเปลี่ยนแปลงลักษณะนิสัย จากพืชที่มีเนื้อไม้เป็นพืชล้มลุก และจากพืชอายุยืนหลายฤดูปลูก (perennial) เป็นพืชฤดูปลูก (annual) พืชที่มีเนื้อไม้ปกติมีโครงโน้มจำนวนมากแต่มีขนาดเล็ก พืชปลูกฤดูเดียวจะมีโครงโน้มขนาดใหญ่และจำนวนน้อย พืชในสกุลหนึ่ง ๆ มีหลายชนิดที่มีลักษณะทางสัณฐานวิทยาและถั่นที่อยู่แตกต่างกัน พืชที่มีการพัฒนามากกว่า จะมีลักษณะทางสัณฐานวิทยาที่มีความจำเพาะต่อสภาพแวดล้อมมากขึ้น และมีจำนวนโครงโน้มน้อยกว่าพืชที่ไม่พัฒนา เช่นในวงศ์ Compositae พืชที่มีเนื้อไม้และพืชไม้ล้มลุกอายุยืน (herbaceous perennial) ได้แก่ Haplopappus solidago (golden rod) Aster crysopsis (golden aster) และ Helianthus (sunflower) มี basic number $X=9$ ส่วนพืชที่เป็นไม้ล้มลุกขนาดกลางและไม้ล้มลุกอายุยืนในสกุล Haplopappus บางชนิดมีค่าของ basic number เป็น 6 และ 5 ส่วนพืชไม้ล้มลุกฤดูเดียว เช่น H. gracilis จะมี $X=2, 3$ หรือ 4 นอกจากนี้ในสกุล Crepis มีความแตกต่างกันในขนาดและจำนวนโครงโน้มโฉม ซึ่งสัมพันธ์กับลักษณะทางสัณฐานวิทยา และลักษณะนิสัยที่มีวัฒนาการมา ดังภาพที่ 6 จะเห็นว่าจำนวนโครงโน้มและความหลากหลายของโครงโน้มทั้งหมดใน chromosome complement เป็นเครื่องที่ถึงความสัมพันธ์ระหว่าง ปริมาณดีเอ็นเอกับขนาดของคอกรอย ขนาดของผลและลักษณะนิสัยของพืช คือ Crepis ที่จัดเป็นพืชหลายฤดูได้แก่ C. kashmirica ($X=6$) C. sibirica ($X=5$) C. conyzæfolia ($X=4$) และ C. mungierii ($X=6$) มีดอกย่อยและผลขนาดใหญ่ ยกเว้น C. mungierii อีกสองชนิดอยู่ในระหว่างวิวัฒนาการยังไม่สมบูรณ์ จะแสดงลักษณะนิสัยถ้าเกิด 2 ลักษณะ คือ C. leontodontoides ($X=5$) พบว่าขนาดของโครงโน้มลดลงกว่ากลุ่มแรก เป็นพืชล้มลุกหลายฤดูและอาจบนส่องฤทธิ์ ดอกย่อยและผลมีขนาดเล็กลง และ C. capillaris ($X=3$) มีความหลากหลายของโครงโน้มทั้งหมดใน chromosome complement เท่ากับ C. leontodontoides แต่จำนวนโครงโน้มโฉมลดลง เป็นพืชล้มลุกฤดูเดียวหรือสองฤดู ขนาดของคอกรอยและผลเล็กลง ส่วน C. suffreniana ($X=4$) และ C. fuliginosa ($X=3$) เป็นชนิดที่มีวัฒนาการมากที่สุด มีจำนวนโครงโน้มน้อยและขนาดของโครงโน้มเล็กที่สุด เป็นพืชล้มลุกฤดูเดียว มีดอกย่อยและผลขนาดเล็กที่สุด



ภาพที่ 6 เปรียบเทียบลักษณะทางลักษณ์วิทยาของดอกช่อ (f=floret) และ (a=achene) gametic number (n) และความกว้างของโครโนไมครอนั้งหนดใน chromosome complement (s) ของ Crepis ชนิดต่าง ๆ (ตัดแปลงจาก Swanson, 1981)

Sharp (1943) กล่าวว่า พืชชนิดเดียวกันอาจมีจำนวนโครโน่ไซม์ต่างกัน ซึ่งเกิดจากการขาดหรือเพิ่มจำนวนโครโน่ไซม์ก็ได้ เช่น Hyacinth orientalis ในธรรมชาติพบว่า มี somatic number = 16 แต่อาจพบต้นที่มีโครโน่ไซม์ 2N เป็น 17 19 20 21 และ 23 ได้

ในช่วงเวลาที่ลิงมีชีวิตมีวัฒนาการมาแล้วอาจเกิดการเปลี่ยนแปลงของโครโน่ไซม์ ทั้ง รูปร่างและจำนวน สาเหตุที่ทำให้รูปร่างหรือโครงสร้างของโครโน่ไซม์เปลี่ยนไปอาจเกิดมาจาก เนื้อโครโน่ไซม์บางส่วนหายไป (deletion) หรือเนื้อโครโน่ไซม์บางส่วนเพิ่มขึ้นมา (duplication) หรือยื่นบนโครโน่ไซม์มีลำดับกลับกันลำดับเดิม (inversion) หรือเกิดการ แลกเปลี่ยนส่วนของโครโน่ไซม์ที่ไม่เหมือนกัน (translocation) หรือเกิดการแบ่งโครมาติด ผิดปกติ (misdivision) จึงเกิดโครโน่ไซม์ใหม่ที่แต่ละแท้วยังมีอันเดิมอยู่และแท้วยาวเท่ากัน (isochromosome) หรือเกิดการแลกเปลี่ยนส่วนของโครมาติดภายในโครโน่ไซม์แห่งเดียวกัน (sisterchromatid exchange) ส่วนการเปลี่ยนแปลงจำนวนโครโน่ไซม์ อาจเกิดได้ทั้ง ด้านเพิ่มและลดจำนวน ในกรณีที่มีการเพิ่มจำนวนโครโน่ไซม์ อาจเพิ่มทั้งชุดของยีโนเมเดิมเกิด เป็นยูพโลยดี (euploidy) หรือเพิ่มแห่งใดแห่งหนึ่งภายในยีโนเมเดิมก็ได้เป็นอนิวพโลยดี (aneuploidy) หรือเพิ่มโดยมีโครโน่ไซม์จากยีโนเมอื่น ซึ่งเป็นบี-โครโน่ไซม์ (B-chromosome หรือ supernumerary chromosome หรือ accessory chromosome) บี-โครโน่ไซม์ที่พบส่วนใหญ่จะมีขนาดเล็ก และไม่จับคู่กับโครโน่ไซม์ของยีโนเมเดิม จะมีการถ่ายทอดบี-โครโน่ไซม์จึงไม่เป็นไปตามการถ่ายทอดแบบ Mendelian มีการศึกษาใน Lilium callosum Plantago serraria และ Tradescantia grandiflorum พบว่า บี-โครโน่ไซม์ในไนโตรสปอร์โรไรซ์จะเคลื่อนที่แบบกลุ่ม แต่ในเมกาสปอร์โรไรซ์บี-โครโน่ไซม์จะ เคลื่อนที่ไปด้านในโครโน่ไฟล์ (micropyle) (Pearson and Lewis, 1974 and Moore, 1976) บี-โครโน่ไซม์จำนวนไม่แน่นอนอาจมีได้ตั้งแต่ 1-30 แห่ง พบได้ทั้งในเซลล์ร่างกาย เอิร์มไลน์เซลล์ และเซลล์สืบพันธุ์ ส่วนใหญ่บี-โครโน่ไซม์เป็นเอกเทกโน่โครมาติน (heterochromatin) และเป็นที่โลเซนทริกโครโน่ไซม์ (telocentric chromosome) หรือ ไอโซโครโน่ไซม์ บีจูบีพีบี-โครโน่ไซม์ในไนโตรสปอร์โรไรซ์มากกว่า 219 สกุล 591 ชนิด (Agarwal, 1983) และนอกจากนี้ Swanson (1981) พบว่าลิงมีชีวิตพากัดพโลยดีบี-โครโน่ไซม์มากกว่า พอลิพโลยด์ มีการศึกษาถึงผลของบี-โครโน่ไซม์ที่ต่อพืช เช่น ข้าวโพด ข้าวไรซ์ ข้าวฟ่าง และ พืชพากหัวชนิดต่าง ๆ พบว่า ถ้ามีบี-โครโน่ไซม์จำนวนมาก จะทำให้การเจริญเติบโตลดลง นอกจากนี้บี-โครโน่ไซม์ใน Plantago coronopus ซึ่งมีผลต่อการออกซองเมล็ดคือทำให้เมล็ดงอก น้อยลง ความแข็งแรงของต้นลดลง แต่ระยะเวลาของวงชีวเซลล์เพิ่มขึ้นตามจำนวนบี-โครโน่ไซม์ ในข้าวไรซ์และข้าวโพด พบว่า บี-โครโน่ไซม์ควบคุมเกี่ยวกับ non-disjunction คือทำให้การ แยกของโครมาติดช้าลง นอกจากนี้ยังพบว่าบี-โครโน่ไซม์ในข้าวโพด และหญ้า Cymbopogon martinii ช่วยเพิ่ม genetic recombination ทำให้ลูกน้ำนมีความแปรผัน (variation)



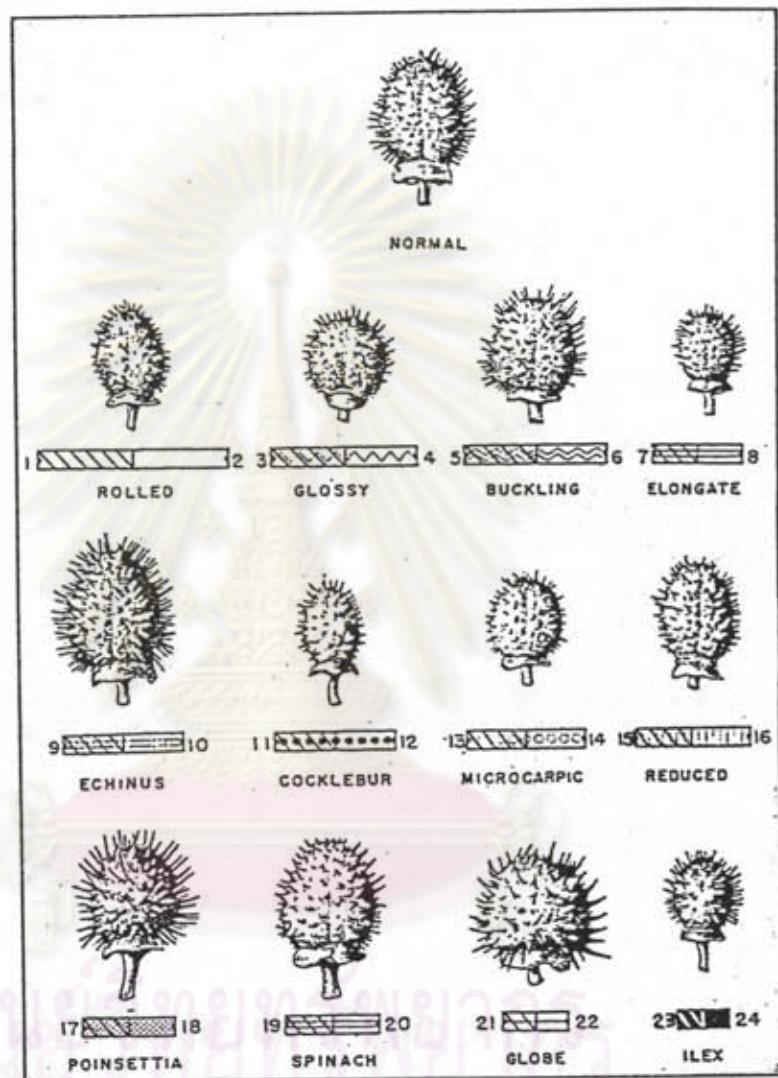
- ภาพที่ 7 แสดงนิ-โครโนไซม์ (ลูกศรีษะ) ที่พบในเซลล์ต่าง ๆ ของพืชแต่ละชนิด
- นิ-โครโนไซม์ในเซลล์รากหัวโพด
 - นิ-โครโนไซม์ใน microsporocyte ระหว่าง first metaphase (M) และ first anaphase (A) ของ Haplopappus gracilis สังเกตว่า นิ-โครโนไซม์ที่เคลื่อนไปมีรูปเดียวกันหนึ่งของเซลล์
 - นิ-โครโนไซม์ใน microsporocyte ระหว่าง first metaphase ของ Tradescantia edwardsiana มีขนาดเล็ก บางและติดสีจางกว่าโครโนไซม์มาตรฐาน
 - นิ-โครโนไซม์ ในเซลล์รากของ Tradescantia edwardsiana (กันยารัตน์ ไชยสุต, 2532 และ Brown, 1972)



มากขึ้น แต่โดยทั่วไปแล้วนี่-โครโนไซม์ไม่มีผลต่อสัณฐานวิทยาของลิงมีชีวิต Verma (1985) ศึกษาพืชสกุล Cymbopogon พบว่าปริมาณน้ำมันไม่เปลี่ยนแปลงแม้จะมีน้ำ-โครโนไซม์เป็นจำนวนมาก นอกจากรากนี้ ก้านยาวยัตน์ ไซอสุต (2532) พบว่านี่-โครโนไซม์ของ Zephyranthes tubispatha ไม่มีผลต่อสัณฐานวิทยา แต่อาจมีผลต่อการเจริญเติบโต เนื่องจากไม่เคยพบเมล็ดที่เกิดจากการผสมตัวเองในธรรมชาติ หรือจากการซ้ายผสมให้

ประโยชน์ในการปรับปรุงพันธุ์

จากจำนวนโครโนไซม์ ทำให้รู้แนวโน้มที่จะสร้างลูกหลานให้มีลักษณะตามที่ต้องการได้ การสร้างพันธุ์ให้มีจำนวนโครโนไซม์ต่างไปจากต้นปกติ โดยการเพิ่มหรือลดโครโนไซม์เป็นพักร่อง หรือเป็นชุดจะได้พันธุ์ที่มีลักษณะแตกต่างกันออกไป และจากการคัดเลือกต้นที่น่าสนใจก็สามารถนำไปใช้ประโยชน์ได้ การเพิ่มหรือลดจำนวนโครโนไซม์เป็นพักร่อง มีผลต่อการแสดงออกทางสัณฐานวิทยา ที่นักปรับปรุงพันธุ์อนุยมนำไปใช้ในการหาตำแหน่งยีนที่ควบคุมลักษณะต่าง ๆ Blakeslee (Sybenga, 1972) ศึกษาใน Datura stramonium ($2N=24$) โดยสร้างไครโนซีม (trisomy หมายถึงลิงมีชีวิตที่มีโครโนไซม์ในเชื้อไม่เพียงชั้น 1 แห่งเป็น $2N+1$) ขั้น 12 แบบ เท่ากับจำนวน basic number ไครโนซีมแต่ละแบบให้ผล (fruit) ที่มีขนาด รูปร่าง และหนามบงเบลือกหุ้มผลแตกต่างกันดังภาพที่ 8 และจากการศึกษารูปร่างของโครโนไซม์ (carico type) บอกได้ว่าโครโนไซม์แต่ละแห่งมีขั้นควบคุมลักษณะของผลแตกต่างกันไป ส่วนการสร้างพันธุ์ให้มีจำนวนโครโนไซม์เพิ่มขึ้นหรือลดลงเป็นชุด เช่น ในโโนเพลอดอยด์ (monoploidy) สามารถใช้ประโยชน์ในการปรับปรุงพันธุ์ คือได้สายพันธุ์บริสุทธิ์ โดยการเพิ่มยีนที่เหมือนกันเป็น 2 เท่า ส่วนโโนเพลอดอยด์ระดับทริเพลอดอยด์ (triploid) เทไครเพลอดอยด์ (tetraploid) หรือเพลอดอยด์ที่สูงกว่านี้ นิยมมีขนาดเซลล์ ขนาดดอก ขนาดเมล็ด ในชั้น มีปริมาณสารเคมีสีส้ม ในส่วนต่าง ๆ มากขึ้น ใบหนาและมีลักษณะเข้มขึ้น เช่น กล้วยไม้ที่เป็นโโนเพลอดอยด์จะมีกลีบดอกหนาทำให้หันหน้าไม่เที่ยวง่าย (ชนบาน อ้าว่าไฟ, 2527) ผักกาดหวาน (sugar beet) ที่เป็นทริเพลอดอยด์ จะมีขนาดหัวใหญ่และให้ปริมาณน้ำตาลสูงสุด (Allard, 1960) แผนพายฝรั่ง (Catharanthus roseus G. Don) ที่เป็นไครเพลอดอยด์ จะมีใบกว้างและหนาขึ้น เซลล์คุณมากไป มีขนาดใหญ่ขึ้น และอัลคาโลดอยด์ (alkaloid) ที่สังกัดจากการกินปริมาณสูงขึ้นเกือบสองเท่าของต้นเพลอดอยด์ (ชนบาน อ้าว่าไฟ, 2527; Dnyansagar และ Sudhagaran, 1970) นอกจากนี้ช้าไวร์ ที่เป็นไครเพลอดอยด์มีเมล็ดขนาดใหญ่ขึ้น และคุณภาพดีขึ้น (Allard, 1960) ฉะนั้นการคัดเลือกลักษณะที่ต้องการนำไปใช้ประโยชน์และสร้างพันธุ์ให้มีจำนวนโครโนไซม์เพิ่มขึ้นหรือลดลง จึงเป็นการทำให้พันธุ์มีความต้านทานต่อโรค แมลง และสิ่งแวดล้อม ได้ดีขึ้น ส่วนการสร้างสายพันธุ์ที่มีเซลล์ลีบดันทึบ เป็นพันธุ์ (male sterile) ก็เนื่องจากในการผสมพันธุ์โดยใช้เป็นต้นแม่น นอกจากนี้เมื่อพิจารณาจากจำนวนโครโนไซม์ร่วมกับลักษณะทางสัณฐานวิทยา จะทำให้



ภาพที่ 8 เปรียบเทียบขนาด รูปร่างผล และหนามบน pericarp ของ *Datura stramonium* ($2N=24$) ที่เป็น primary trisomy ($2N+1$) ทั้ง 12 แบบ (ตัดแปลงจาก Darlington, 1965 และ Sybenga, 1972)

รู้ว่า เมื่อนำมาผสมกับแล้วลูกผสมที่ได้จะเป็น apomixis หรือไม่ เช่น การศึกษาในบัวจีนลูกผสมระหว่าง บัวจีนดอกชมูใหญ่ ($2N=48$) กับบัวจีนดอกชมูเล็ก ($2N=24$) พบว่าลูกผสมมีจำนวนโครโนไซม์เท่ากับต้นแม่ ($2N=48$) แต่ลักษณะทางสัณฐานวิทยาระหว่างลูกผสมที่ได้นั้นไม่เหมือนกัน จึงสรุปได้ว่าบัวจีนลูกผสมนั้นไม่ได้เกิดจาก apomixis (นุชกร อารยางกูร, 2529)

การตรวจสอบสาร

การศึกษาจำนวนโครโนไซม์ของพืชดอกในประเทศไทย มีรายงานไว้ดังนี้

Darlington and Wylie (1955) ได้รวบรวมผลงานการศึกษาจำนวนโครโนไซม์ในประเทศไทยไว้ทั้งหมด 7 วงศ์ 8 สกุล 8 ชนิด ได้แก่ Dipterocapaceae 2 ชนิด คือ Hopea odorata $2N=20$ ($X=10$) และ Anisoptera cochinchinensis $2N=20$ ($X=10$) Guttifereae 1 ชนิด คือ Garcinia hanburyi $2N=44$ ($X=?$) Sterculiaceae 1 ชนิด คือ Sterculia (Firmiana) colorata $2N=40$ ($X=8$ 10) Euphorbiaceae 1 ชนิด คือ Baliospermum axillare (montanum) $2N=28$ ($X=7$) Phyllanthoideae 1 ชนิด คือ Putranjiva roxburghii $2N=14$ ($X=7$) Rubiaceae 1 ชนิด คือ Ixora finlaysoniana $2N=22$ ($X=11$) และ Gesneriaceae 1 ชนิด คือ Streptocarpus orientalis $2N=30$ ($X=15$ 16)

Larsen (1963 1966 และ 1968) ได้เก็บตัวอย่างเมล็ดแห้งและดอกอ่อนพืชบางชนิดในประเทศไทย ไปศึกษาโครโนไซม์ในประเทศไทยเด่นมาก รวมรวมไว้ทั้งหมด 31 วงศ์ 131 สกุล 188 ชนิด ส่วนใหญ่ศึกษาจากพืชดอกกว่าครึ่ง 1-2 ชนิด ดังนี้ Amaranthaceae ($2N=46-48$) Alismataceae ($2N=22$) Araceae ศึกษาจาก 14 สกุล 23 ชนิด พบว่า มีจำนวนโครโนไซม์ระหว่าง $2N=24-44$ ($X=6$ 7 8 9 10 11 และ 13) Burmanniaceae ($2N=32=136$) Butomaceae ($2N=20$) Capparidaceae ($2N=20$) Centrolepidaceae ($2N=40$) Chenopodiaceae ($2N=18$) Combretaceae ($2N=26$) Cycadaceae ($2N=22$) Droseraceae ($2N=20-32$) Eriocaulaceae ($2N=30-90$) Gramineae วงศ์ที่มีจำนวนโครโนไซม์แตกต่างกันมาก บางชนิดพบว่า โครโนไซม์ ศึกษาจาก 56 สกุล 88 ชนิด มีจำนวนโครโนไซม์อยู่ระหว่าง $2N=12-108$ มีผลอยู่ตั้งแต่ 2 ถึงสูงกว่า 10 Halorrhagidaceae ($2N=12$) Hydrocharitaceae ($2N=16-44$) Iridaceae ($2n=40$) Juglandaceae ($2N=32$) Liliaceae ศึกษาจาก 10 สกุล 14 ชนิด มีจำนวนโครโนไซม์อยู่ระหว่าง $2N=12-112$ Menispermaceae ($2N=26$) Moraceae ($2N=24-26$) Najadaceae ($2N=12$) Orchidaceae ศึกษาจาก 17 สกุล 27 ชนิด มีจำนวนโครโนไซม์

อยู่ระหว่าง $2N=28-72$ Plantaginaceae ($2N=24$) Sanvadoraceae ($2N=20$) Smilaceae ($2N=32$) Sphenocleaceae ($2N=40$) Trilliaceae ศึกษาจากพืชชนิดเดียว คือ Paris polyphylla และพมี-โครโนไซม ($2N=10+2B$) Triuridaceae ($2N=28$) Xyridaceae ($2N=34$) Vacciniaceae ($2N=24-48$) และ Valerianaceae ($2N=14$)

กันยาธัตน ไชยสุต (2505) ศึกษาจำนวนโครโนไซมจากการกัดออกอ่อนของกล้วยไม้พันเนื่อง 12 สัก 25 ชนิด โดยเตรียมเซลล์แบบ Feulgen squash และ smear สรุปผลการศึกษาไว้ดังนี้ Calanthe ($2N=40$ และ 42) Coelogyne ($2N=40$) Dendrobium ($2N=38$) Eria ($2N=38$) Bulbophyllum ($2N=38$) Cymbidium สัก นี้จำนวนโครโนไซมแตกต่างกันมาก ตั้งแต่ $2N=40-94$ มีทั้งคิพลอยด์และพอลิพลอยด์ Eulophia ($2N=32$ 44 และ 56) Pomatocalpa ($2N=38$) Sarcanthus ($2N=36$) Phalaenopsis ($2N=38$) Luisia ($2N=38$) Ascocentrum ($2N=52$)

สมิตา ชาตุกรณี (2505) ศึกษาจำนวนโครโนไซมของกล้วย 23 สายพันธุ์ (variety) โดยศึกษาจากการตัววิธี Feulgen squash พบว่า 8 สายพันธุ์เป็นคิพลอยด์ ($2N=22$) ได้แก่ กล้วยไช่ กล้วยร้อนหัว กล้วยเล็บมือนาง กล้วยดำเนี กล้วยน้ำไท กล้วยกุ้ง กล้วยหอมจันทร์ และกล้วยสา 13 สายพันธุ์ เป็นกริพลойด์ ($2N=33$) ได้แก่ กล้วยหอมทอง กล้วยหอมเชีย กล้วยหอมค่อน กล้วยนา ก กล้วยเมสสา กล้วยขม กล้วยกองเงย กล้วยเบรี้ยว กล้วยน้ำวัว กล้วยน้ำว้าขาว กล้วยน้ำวัวเชีย กล้วยหักมูก และ กล้วยส้ม และมีเพียง 2 สายพันธุ์ คือ กล้วยเทพรส และกล้วยบลีหาย เป็นเทกราพลอยด์ ($2N=44$)

วันย สุพัฒนา (2524) ศึกษาทางใช้โถแทกไชโนในของพันธุ์ไม้ในวงศ์ อะลิสเมเนีย (Alismaceae) บัวโตเมเชือ (Butomaceae) และไชโตรคาเรเตเชือ (Hydrocharitaceae) ที่พบในประเทศไทยจำนวน 16 สัก 20 ชนิด โดยศึกษาจำนวนโครโนไซมจากการกัดออกอ่อนตัววิธี Feulgen squash และ smear พบว่า วงศ์อะลิสเมเนีย มี somatic number $2N=22$ และ 42 วงศ์บัวโตเมเชือ มีจำนวนโครโนไซม $2N=16$ และ 20 วงศ์ไชโตรคาเรเตเชือมีจำนวนโครโนไซมแตกต่างกันมาก คือ $2N=16$ ถึง 72

ประวัติ สมเป็น (2526) ศึกษาจำนวนโครโนไซมจากปลารากกล้วย 30 สายพันธุ์ โดยวิธี squash สรุปว่า กล้วยป่าเบอร์ 1 กล้วยป่าเบอร์ 3 กล้วยอ่างช้าง กล้วยแม้ กล้วยไช่ กล้วยไชโนราม กล้วยดำเนี กล้วยกองขี้แมว กล้วยป่าเบอร์ 22 กล้วยໄล และกล้วยมาก มีโครโนไซม $2N=22$ เป็นคิพลอยด์ กล้วยครัวว กล้วยน้ำมือนาง กล้วยน้ำกาบคำ กล้วยกุ้งเชีย

กล้วยน้ำ กล้วยตีบ กล้วยตีบคำ กล้วยเล็บมังกร กล้วยชมเนา กล้วยชมพู กล้วยน้ำว้าเหลือง กล้วยกุ้ง กล้วยคลองจั่ง กล้วยพม่าแหกคูก กล้วยนางกล้าย กล้วยหอมเตี้ย กล้วยน้ำว้าค้อม และ กล้วยไช่บอง มีโครโน่ไข่ม 2N=33 เป็นทวินพอลอยด์ และมีเพียงชนิดเดียว คือ กล้วยเทพรสที่เป็น เทගราพอลอยด์ (2N=44)

อัมพิกา บุญเจต (2526) ศึกษา *Floral Biology* และจำนวนโครโน่ไข่มของท่อ เก้าพันธุ์ ได้แก่ อ่างชางขาว (Ang Khang White, AKW) จากประเทศไทย อ่างชางแดง (Ang Khang Red, AKR) จากประเทศไทย Earli Grade (EG) Flordabelle (FB) Flordared (FR) และ Flordasun (FS) จากประเทศสหรัฐอเมริกา Swollen Grebel (SG) จากอิสราเอล Ying Ku (YK) และ Semi Luyeh (SL) จากไต้หวัน ศึกษาจำนวน โครโน่ไข่มจากใบอ่อนและปลายรากโดยวิธี squash พบว่าท่อทั้ง 9 พันธุ์ มีจำนวนโครโน่ไข่ม เท่ากัน คือ 2N=16 แต่มีขนาดของโครโน่ไข่มเล็กมาก ทึ้งน้ำอาจเนื่องมาจากการใช้ส่วนใบอ่อน (immature leaf) ศึกษาจำนวนโครโน่ไข่มจะได้โครโน่ไข่มที่มีขนาดเล็กกว่าที่พบในปลายราก ประกอบกับการที่โครโน่ไข่มของท่อมีขนาดเล็กอยู่แล้ว จึงทำให้การจำแนกลักษณะทางสัณฐาน วิทยาของโครโน่ไข่มท่อทำได้ยากมาก ตรงกับรายงานของ Jalenkovic and Harrington (1972) จึงกล่าวได้ว่า การที่ท่อมีจำนวนโครโน่ไข่มเท่ากัน ก็ยังไม่อาจสรุปได้ว่ารูปร่างของ โครโน่ไข่มเหมือนกัน (อัมพิกา บุญเจต, 2526)

นงลักษณ์ อินกองงาม (2527) ศึกษาลักษณะทางสัณฐานวิทยาและเซลล์วิทยาของบอน สี 8 สายพันธุ์ โดยศึกษาจำนวนโครโน่ไข่มจากปลายรากด้วยวิธี squash พบว่า พวกที่เป็น ตินพอลอยด์ (2N=30) จะมีลักษณะเด่นชัด คือ ในบาง ได้แก่พันธุ์ตะละแมมินปู เกรชวด ในไฟ และพันธุ์อาจารย์จุ ส่วนพวกที่เป็นเทกราพอลอยด์ (2N=60) จะมีใบหนาทึ้งหมวด ได้แก่ พันธุ์ จ.สุวินทร์ ปูเจ้าสมิงพราย หมอดแดง และหมากผ้า สรุปว่าบนอนสมี basic number (X) = 15 แต่อาระบ X=13 และ 17 ได้ด้วย

อุ๊ลลี่ บักชาตร (2531) ศึกษาลักษณะทางชีววิทยาของดอกและจำนวนโครโน่ไข่มของ กีฟรุต (*Actinidia chinensis* planch.) 6 สายพันธุ์ เป็นพันธุ์เนคผู้สองพันธุ์ คือ Tomuri และ Matua พันธุ์เนคเมียลล์พันธุ์ คือ Bruno Abbott Monty และ Hayward โดยศึกษาโครโน่ไข่มจากปลายรากด้วยวิธี squash สรุปว่า โครโน่ไข่มมีขนาดเล็กไม่สามารถ จำแนกลักษณะได้ และมีจำนวนมากการนับจำนวนโครโน่ไข่มจึงเป็นค่าประมาณไม่ใช่จำนวนที่แท้จริง ทั้ง 6 สายพันธุ์มีจำนวนโครโน่ไข่มเท่ากันคือ 2N=166 แต่จากการศึกษาของ Jie and Beuzenberg (1983) และ Fraser and Harvey (1986) พบว่า มีโครโน่ไข่ม 2N=170 และนอกจากนี้ Beuzenberg (1983) รายงานว่า *Actinidia* spp. เป็นพอลิพอลอยด์ที่มี



basic number = 29 A. chinensis var. chinensis มีจำนวนโครโนไซม์ 2N=58 ส่วน A. chinensis var. hispida 2N=170

กันยาเรตน์ ไชยสุต (2532) ศึกษาจำนวนโครโนไซม์ คาริโอไทป์ และ meiotic configuration ของพืชดอกสกุล Zephyranthes 6 ชนิดที่พบในประเทศไทย โดยศึกษาจากปลายน้ำและดอนดิน ด้วยวิธี Feulgen squash และ smear พบว่ามีบัวจันดอกซึ่งมีลักษณะเด่นๆ คือ บัวจันดอกสกุล Z. rosea มี somatic number = 24 คาริโอไทป์เป็นแบบ asymmetrical karyotype และค่า meiotic figure เป็น 9 ringII + 3 rodII ชนิดที่สองได้แก่บัวจันดอกขาว (Z. tubispatha) 2N=25 มีโครโนไซม์แบบเมทาเซนทริก (metacentric) 6 คู่ ชั้บเมทาเซนทริก (submetacentric) 6 คู่ และบี-โครโนไซม์ที่มีเนินโตรเมียร์อยู่ตรงกลาง 1 แท่ง คาริโอไทป์เป็นแบบ symmetrical karyotype และ meiotic figure มีค่าเป็น 6 ring II + 4 rodII + 5I ชนิดที่สามบัวจันดอกซึ่งมีลักษณะเด่นๆ คือ (Z. candida) 2N=42 43 หรือ 43+f (fragment) เชลล์ที่บัวจันดอก (Z. grandiflora) มีคาริโอไทป์แบบ symmetrical karyotype และค่า meiotic figure เป็น 2IV+1III+15II+1I ชนิดที่สี่บัวจันดอกสีเหลืองหรือบัวจันดอกซึ่งมีลักษณะเด่นๆ คือ (Z. ajax) 2N=42 43 และ 44 ศึกษาคาริโอไทป์จากเชลล์ที่มีโครโนไซม์ 44 แท่ง พบว่าเป็นแบบ asymmetrical karyotype ชนิดที่ห้าบัวจันดอกสีเหลือง (Z. citrina) 2N=48 มีคาริโอไทป์เป็นแบบ asymmetrical karyotype

สำหรับการศึกษาครั้งนี้มีจุดประสงค์ เพื่อ นับจำนวนโครโนไซม์ของพืชดอกบางชนิดที่ปลูกในบ้านเราทั่วไป โดยเลือกจากไม้ขึ้นต้นเป็นส่วนใหญ่ ศึกษาเทคนิคทางเชลล์พันธุศาสตร์ที่นำมาใช้กับพืชต่างๆ เหล่านี้ให้ได้ผลดี และเปรียบเทียบจำนวนโครโนไซม์ของพืชที่อยู่ในวงศ์เดียวกัน พืชที่เลือกมาศึกษาทั้งหมด 8 วงศ์คือ Amaryllidaceae Bignoniaciae Caesalpiniaceae Convolvulaceae Liliaceae Malpighiaceae Moringaceae และ Fabaceae จำนวน 26 สกุล 43 ชนิด 49 ตัวอย่าง เป็นพืชสมุนไพร 24 ชนิด โดยศึกษาโครโนไซม์จากการเตรียมเชลล์แบบ Feulgen squash หรือ smear วิธีได้วิธีหนึ่งที่ได้ผลดี เพราะไม้ขึ้นต้นไม่สามารถจะตัดรากมาศึกษาได้ จึงต้องนำเมล็ดมาเผาและเมล็ดส่วนใหญ่จะงอกขึ้นหรือไม่งอกเลย ส่วนดอกที่จะนำมาศึกษาโครโนไซม์นั้น ต้นไม้บางชนิดมีดอกเฉพาะฤดูร้อนหรือฤดูหนาว ทำให้การศึกษามีข้อ不便 จำพวกอยู่ในช่วงที่มีดอกเท่านั้น จึงได้พยายามนำเอาใบอ่อนมาศึกษาโครโนไซม์ตัวอย่าง ประโยชน์ที่คาดว่าจะได้รับจากการศึกษาครั้งนี้คือ ทราบจำนวนโครโนไซม์ของพืชดอกที่เป็นไม้ขึ้นต้นบางชนิด และสามารถนำข้อมูลที่ได้ไปประกอบการศึกษา เชลล์พันธุศาสตร์ การปรับปรุงพันธุ์ การจัดจำแนกพันธุ์ การหาสายสัมภพ

และวิัฒนาการของพีชคอกชนิดนี้ ๆ นอกจากนี้ยังสามารถนำเทคโนโลยีทางเชลล์พันธุ์ศาสตร์ที่ได้จากการศึกษาครั้งนี้ไปใช้กับพีชชนิดอื่นให้ได้ผลดีต่อไป

