

โสมโมไลย์ของ *bod* GENES ในแบคทีเรียครึ่งในโตรเจนแบบอยู่ร่วม



นางสาว เนตรนภิส ชินานนท์เวช

วิทยานิพนธ์นี้เป็นส่วนหนึ่งของการศึกษาตามหลักสูตรปริญญาวิทยาศาสตรมหาบัณฑิต

ภาควิชาชีวเคมี

บัณฑิตวิทยาลัย จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

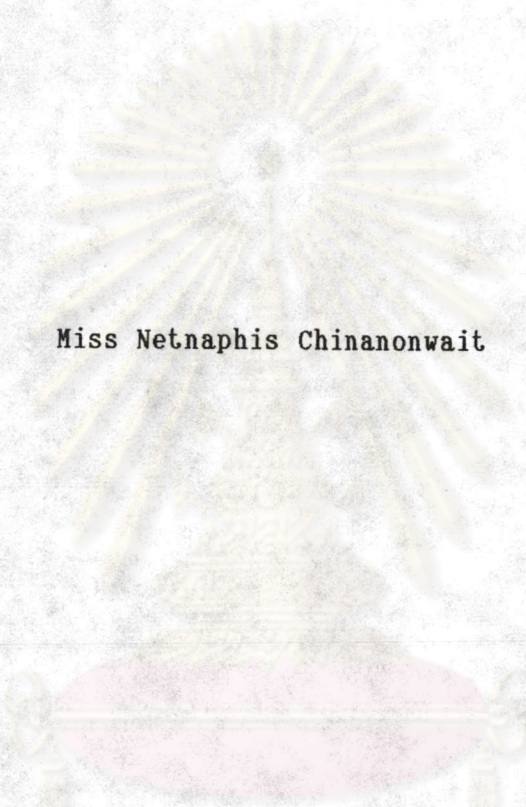
พ.ศ. 2537

ISBN 974-631-019-4

ลิขสิทธิ์ของบัณฑิตวิทยาลัย จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

T1690669X

HOMOLOGY OF *nod* GENES IN ASSOCIATIVE NITROGEN-FIXING BACTERIA



Miss Netnaphis Chinanonwait

A Thesis Submitted in Partial Fulfillment of the Requirements

for the Degree of Master of Science

Department of Biochemistry

Graduate School

Chulalongkorn University

1994

ISBN 974-631-019-4

Thesis Title Homology of *nod* genes in associative nitrogen-fixing
bacteria
By Miss Netnaphis Chinanonwait
Department Biochemistry
Thesis Advisor Associate Professor Jariya Boonjawat, Ph.D.



Accepted by the Graduate School, Chulalongkorn University
in Partial Fulfillment of the Requirements for the Master's Degree/

Santi Thoongsuwan
.....Dean of Graduate School
(Associate Professor Santi Thoongsuwan, Ph.D.)

Thesis Committee

Tipaporn Limpaseni
.....Chairman
(Assistant Professor Tipaporn Limpaseni, Ph.D.)

Jariya Boonjawat
.....Thesis Advisor
(Associate Professor Jariya Boonjawat, Ph.D.)

Siriporn Sittipraneed
.....Member
(Associate Professor Siriporn Sittipraneed, Ph.D.)

J. Limpananont
.....Member
(Associate Professor Jiraporn Limpananont, Ph.D.)



เนตรนภิส ชินานนท์เวช : โฮโมโลยีของ *nod* GENES ในแบคทีเรียตรึงไนโตรเจนแบบอยู่
ร่วม (HOMOLOGY OF *nod* GENES IN ASSOCIATIVE NITROGEN-FIXING BACTERIA)

อ.ที่ปรึกษา : รศ.ดร.จรรยา บุญญวัฒน์, 107 หน้า. ISBN 974-631-019-4

Klebsiella oxytoca สายพันธุ์ R15, R17 และ NG13 เป็นแบคทีเรียตรึงไนโตรเจนที่ยึด
เกาะบนผิวรากข้าว โดยมีเลกตินที่หลั่งออกมาจากรากข้าว โดยเลกตินจะจับกับ N-acetylglucosamine
(GlcNAc) ซึ่งเป็นคาร์โบไฮเดรตชนิดเดียวกันกับที่พบในปัจจัยก่อปม (nodulation factor) ใน
Rhizobium meliloti สารนี้มีความสำคัญขั้นต้นในการอิงอาศัยระหว่างไรโซเบียมกับพืชตระกูลถั่ว โดย
สารเหนียวจำพวก isoflavonoid ที่หลั่งจากพืช ไปมีผลกระตุ้นการทำงานของยีนก่อปมสามัญ
(common nodulation genes, *nodDABC*) จุดมุ่งหมายของงานวิจัยนี้คือ การนำยีน *nodD1 ABC*
ของ *R. meliloti* มาใช้เป็นตัวติดตามหาความคล้ายคลึงกันในระหว่าง *Klebsiella* สายพันธุ์ที่ยึด
เกาะกับข้าว เปรียบเทียบกับ *Azospirillum brasilense* Sp7 แบคทีเรียที่ยึดเกาะกับรากข้าว
และ *Klebsiella pneumoniae* M5a1 สายพันธุ์อิสระ โดยใช้ไรโซเบียมสายพันธุ์ต่างๆ เป็นสายพันธุ์
อ้างอิงในการทดลอง และใช้ *nifHDK* จาก *K. pneumoniae* M5a1 เป็นตัวติดตาม เพื่อศึกษาการ
จัดกลุ่มของยีน *nod* และ *nif* โดยนำยีนติดตามมาติดคลากด้วยสารปลอดครึ่งสี digoxigenin ทำการ
ตัดโครโมโซมที่เอ็นเอของแบคทีเรียตรึงไนโตรเจนแต่ละชนิดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ตัดจำเพาะ และ
นำมาไฮบริดกับตัวติดตามทั้งหมด พบว่าเมื่อตัดโครโมโซมที่เอ็นเอด้วย *BamHI* แล้วนำมา
ไฮบริดกับ *nodD1* พบความคล้ายคลึงในแถบที่เอ็นเอขนาด 4.0 และ 4.9 กิโลเบส ใน
Klebsiella สายพันธุ์ที่ยึดกับข้าว *A. brasilense* Sp7 และไรโซเบียมทุกสายพันธุ์ยกเว้น
Klebsiella สายพันธุ์อิสระ แต่ไม่พบส่วนของที่เอ็นเอที่คล้ายคลึงกับ *nodAB* และ *nodC* และเมื่อ
เปรียบเทียบกับยีนที่เอ็นเอที่ไฮบริดกับ *nifHDK* ไม่พบหลักฐานว่ามีการจัดเรียงใกล้เคียงกันระหว่าง *nodD1*
และ *nifHDK* ทำการตัดต่อยีนที่เอ็นเอขนาด 4.0 และ 4.9 กิโลเบส จาก *K. oxytoca* NG13
ที่ตัดด้วย *BamHI* กับ pUC18 ได้ recombinant plasmids R1 และ R2 ที่คล้ายคลึงกับ *nodD1*
นอกจากนั้นประโยชน์ของการใช้ *nod* และ *nif* เป็นตัวติดตามคือทำให้สามารถจำแนกชนิดของเชื้อ
ไรโซเบียมได้ด้วย

ภาควิชา.....ชีวเคมี
สาขาวิชา.....ชีวเคมี
ปีการศึกษา.....2537

ลายมือชื่อนิติ.....ในดวงนภิส ชินานนท์เวช
ลายมือชื่ออาจารย์ที่ปรึกษา.....
ลายมือชื่ออาจารย์ที่ปรึกษาร่วม.....

C425801: MAJOR BIOCHEMISTRY

KEYWORD: *Klebsiella oxytoca* / *nif* GENES / *nod* GENES / *Rhizobium* spp. / RICE
NETNAPHIS CHINANONWAIT : HOMOLOGY OF *nod* GENES IN ASSOCIATIVE
NITROGEN-FIXING BACTERIA. THESIS ADVISOR : ASSOC. PROF. JARIYA
BOONJAWAT, Ph.D. 107 pp. ISBN 974-631-019-4

Klebsiella oxytoca strain R15, R17 and NGL3 are nitrogen-fixing bacteria that associate on the rice root surface with secretory root lectin as mediator. Since rice lectins bind specifically with N-acetylglucosamine (GlcNAc), the carbohydrate moiety of the nodulation factor of *Rhizobium meliloti*, which mediate the first step of *Rhizobium*-legume interaction, and its induction was known to be involved with the common nodulation genes (*nodDABC*) in response to the plant signal, isoflavonoid. The objective of this research is to use these *nodD1* ABC genes from *R. meliloti* to search for homology of these *nod* genes in the local strains of associative *K. oxytoca* in comparison with other associative *Azospirillum brasilense* Sp7 and free-living *K. pneumoniae* strain M5a1, by using rhizobia strains as references. Plasmids containing *nifHDK* genes, from *K. pneumoniae* M5a1 was also used as probe to study *nod* and *nif* organization. After labeling with DIG-DNA labeling kit, Southern hybridization was performed with digested chromosomal DNA from these N₂-fixing bacteria. The *Bam*HI digested DNA from associative *K. oxytoca* strain R15, R17 and NGL3 show two DNA fragments of 4.0 and 4.9 kb that hybridize with *nodD1* probe, which resemble other rhizobia strains and associative *A. brasilense* Sp7, except the free-living *K. pneumoniae* M5a1. However, there was no DNA fragment that were homologous with *nodAB* and *nodC*, and no evidence for closely related organization between *nifHDK* and *nodD1* by restriction fragment length polymorphism. The *nodD1*-liked gene was therefore cloned from strain NGL3 and harboured in pUC18, resulted in two recombinant plasmids: R1 and R2 carrying 4.0 and 4.9 kb of *Bam*HI internal fragment hybridized with *nodD1* probe. In addition, the results indicate the potential of using *nod* and *nif* probes in the identification of rhizobia.

ศูนย์วิทยุทรัพยากร
จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

ภาควิชา.....ชีวเคมี.....

สาขาวิชา.....ชีวเคมี.....

ปีการศึกษา..... 2537.....

ลายมือชื่อนิสิต..... นนตรณิณี..... ชินานนท์เวท.....

ลายมือชื่ออาจารย์ที่ปรึกษา.....

ลายมือชื่ออาจารย์ที่ปรึกษาร่วม.....



ACKNOWLEDGEMENT

I would like to express my deepest sense of gratitude to my advisor, Assoc.Prof.Dr. Jariya Boonjawat for her encouragement, valuable suggestions, constructive criticism of the manuscript and supports throughout my study. I am especially indebted to Assist. Prof.Dr. Tipaporn Limpaseni, Assoc.Prof.Dr. Siriporn Sittipraneed and Assoc.Prof.Dr. Jiraporn Limpananont for serving as thesis committee, helpful discussions and interpretation, and also for valuable suggestions about the data in this study. My thank is extended to all staff members and students of the Biochemistry Department for their sincerity and friendship.

I would like to express my sincere thanks to Dr. Ann M. Hirsch, UCLA Los Angeles, for supplying plasmids: pE39, pRmSL42 and their descriptions, and many thanks to all the people in the BNF Resource Center, Division of Soil Science, Department of Agriculture, Bangkok for supplying strains of N_2 -fixing bacteria. This work was supported in part by the National Center for Genetic Engineering and Biotechnology, the Rockefeller Foundation, the Graduate School, Chulalongkorn University and the University Development Committee (UDC) scholarship of the Ministry of University Affairs.

Finally I would like to express my deepest appreciation to my parents and members of my family for their love, kindness and understanding throughout my study.



CONTENTS

	Page
THAI ABSTRACT.....	iv
ENGLISH ABSTRACT.....	v
ACKNOWLEDGEMENT.....	vi
CONTENTS.....	vii
LIST OF TABLES.....	ix
LIST OF FIGURES.....	xi
ABBREVIATION.....	xiv
CHAPTER	
I INTRODUCTION.....	1
II MATERIALS AND METHODS.....	26
2.1 Bacterial strains, plasmid DNA and standard DNA.....	26
2.2 Media for bacterial culture.....	29
2.3 Cultivations of bacterial strains and plasmid.....	30
2.4 Reagents.....	30
2.5 Amplification, isolation and purification of plasmid DNA.....	31
2.6 Isolation and purification of chromosomal DNA.....	33
2.7 Restriction endonucleases digestion.....	35
2.8 Agarose gel electrophoresis.....	37
2.9 Recovery of DNA fragments from low-melting temperature agarose gel electrophoresis.....	38

2.10	Dot hybridization technique.....	38
2.11	Southern blot transfer.....	39
2.12	Labeling of DNA probes with DIG-dUTP by random primer.....	42
2.13	Hybridization and washing.....	44
2.14	Chemiluminescent detection with Lumigen™ PPD.....	45
2.15	Stipping and reprobing chemiluminescence-detected membrane.....	46
2.16	Cloning.....	46
III	RESULTS.....	48
3.1	Analysis of DNA purity.....	48
3.2	Restriction endonuclease digestion of chromosomal DNA.....	51
3.3	Preparation of purified DIG-labeled DNA probes by random primer.....	55
3.4	Dot hybridization by <i>nodD1</i> , <i>nodAB</i> , <i>nodC</i> and <i>nifHDK</i> probes.....	55
3.5	Comparison of RFLPs by <i>nod</i> genes and <i>nif</i> genes.....	58
3.6	Cloning of 4.0-4.9 kb fragments of chromosomal DNA from <i>K. pneumoniae</i> NG13 into <i>Bam</i> HI site of pUC18....	71
IV	DISCUSSION.....	75
	REFERENCES.....	84
	APPENDIX.....	97
	BIOGRAPHY.....	107

LIST OF TABLES

Table	Page
1.1 Some organisms from which active nitrogenase has been extracted.....	4
1.2 The products and functions of the <i>nif</i> genes of <i>Klebsiella pneumoniae</i>	7
1.3 The functions and properties of <i>nod</i> genes of <i>Rhizobium meliloti</i>	14
1.4 Size of DNA fragments of <i>Azospirillum</i> and <i>Rhizobium meliloti</i> 2011 which show homology when probed with common <i>nod</i> genes (<i>nodABC D</i>), and host specific <i>nod</i> genes (<i>nodEFGH</i>) after digestion with <i>EcoRI</i> , <i>SalI</i> and <i>BglIII</i>	23
2.1 Bacterial strains and plasmids.....	27
2.2 Recognition sequences of type II restriction endonucleases.....	36
2.3 The amount of synthesized DIG labeled DNA depends on the amount of template DNA in the labeling reaction and on the length of the incubation time at 37 °C.....	43
3.1 RFLP of <i>nodD1</i> gene hybridized to 10 strains of N_2 -fixing bacteria.....	63
3.2 RFLP of <i>nodAB</i> gene hybridized to 10 strains of N_2 -fixing bacteria.....	65

Table	Page
3.3 RFLP of <i>nodC</i> gene hybridized to 10 strains of N_2 -fixing bacteria.....	67
3.4 RFLP of <i>nifHDK</i> gene hybridized to 10 strains of N_2 -fixing bacteria.....	70



ศูนย์วิทยทรัพยากร
จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

LIST OF FIGURES

Figure	Page
1.1 The <i>nif</i> gene cluster of <i>Klebsiella pneumoniae</i> and plasmid pSA30.....	6
1.2 The <i>nod</i> gene cluster of <i>Rhizobium meliloti</i> and plasmid pE39 and pRmSL42.....	12
1.3 Structure of plant signal: flavonoids in legume and rice.....	17
1.4 Structure of nodulation factor or nod signal in <i>Rhizobium meliloti</i>	19
2.1 Diagram of Southern blot transfer.....	41
3.1 Electrophorogram of purified plasmid pE39, pRmSL42 and pSA30 after digestion with restriction enzymes.....	49
3.2 High molecular weight chromosomal DNA from various strains of <i>Klebsiella</i> , <i>Azospirillum</i> , <i>Rhizobium</i> , and <i>Bradyrhizobium</i>	50
3.3 Suitable condition for cutting chromosomal DNA of 10 strains of N_2 -fixing bacteria digested with 8 restriction enzymes.....	52
3.4 Electrophorogram of 3 μ g chromosomal DNA of 10 strains of N_2 - fixing bacteria digested with 8 restriction enzymes (40 units/ 4 μ g DNA) on 0.7% agarose gel (100 x 90 x 6 mm) and electrophoresed in Tris-borate buffer, pH 8.3 at 80 volts for 3 hr.....	54

Figure	Page
3.5 Electrophorogram of <i>nod</i> gene and <i>nif</i> gene fragments obtained by cutting pE39 with <i>Bam</i> HI, cutting pRmSL42 with <i>Bam</i> HI, <i>Eco</i> RI and <i>Hind</i> III and cutting pSA30 with <i>Eco</i> RI and recovering from low-melting temperature agarose gel electrophoresis.....	56
3.6 Dot hybridization experiment to evaluate the specific activity of labeled probe.....	57
3.7 Dot hybridization between 30 ng/ml of digoxigenin labeled <i>nod</i> D1, <i>nod</i> AB, <i>nod</i> C and <i>nif</i> HDK and 2.0-3.0 μ g of total chromosomal DNA of N_2 -fixing bacteria.....	59
3.8 Southern hybridization of <i>nod</i> D1, <i>nod</i> AB, <i>nod</i> C and <i>nif</i> HDK probes with nonlabeled genes, which were used as probe.....	60
3.9 Southern hybridization of 8 restriction enzymes digested bacterial chromosomal DNA from 10 strains of N_2 -fixing bacteria with <i>nod</i> D1 probe.....	62
3.10 Southern hybridization of 8 restriction enzymes digested bacterial chromosomal DNA from 10 strains of N_2 -fixing bacteria with <i>nod</i> AB probe.....	64
3.11 Southern hybridization of 8 restriction enzymes digested bacterial chromosomal DNA from 10 strains of N_2 -fixing bacteria with <i>nod</i> C probe.....	66
3.12 Southern hybridization of 8 restriction enzymes digested bacterial chromosomal DNA from 10 strains of N_2 -fixing bacteria with <i>nif</i> HDK probe.....	69

Figure	Page
3.13 Electrophorogram of recombinant plasmid: R1-R11 after ligation between <i>Bam</i> HI fragment of pUC18 and <i>Bam</i> HI digested chromosomal DNA from <i>K. oxytoca</i> NG13.....	72
3.14 Dot hybridization between labeled <i>nodD1</i> probe and recombinant plasmids: R1-R11 1.0 μ g comparing with nonlabeled <i>nodD1</i> 100 ng and vectors 100 ng.....	73
3.15 Southern hybridization between <i>nodD1</i> probe and DNA from recombinant plasmids: R1 and R2 digested with <i>Bam</i> HI.....	74

ศูนย์วิจัยทรัพยากร
จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

ABBREVIATION

A	Absorbance
Ap ^r	Ampicillin resistance
bp	Base pair
cm	Centimetre
cpm	Count per minute
°C	Degree Celcius
DNA	Deoxyribonucleic acid
DpI	Deoxyribonucleic acid polymerase I
dUTP	Deoxyuridine 5' triphosphate
DIG	Digoxigenin
EDTA	Ethylene diamine tetraacetic acid
g	Gram
hr	Hour
kb	Kilobase
l	Litre
μg	Microgram
μl	Microlitre
mg	Milligram
ml	Millilitre
mm	Millimetre
mM	Millimolar
mmole	Millimole
min	Minute

M	Molar
ng	Nanogram
<i>nif</i> genes	Nitrogen fixation genes
<i>nod</i> genes	Nodulation genes
NaCl	Sodium chloride
NaOH	Sodium hydroxide
rpm	Revolution per minute
RNase A	Ribonuclease A
SDS	Sodium dodecyl sulfate
Tc ^r	Tetracycline resistance
Vol	Volume

ศูนย์วิทยทรัพยากร
จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย