

การเพิ่มเซลลูเลสแอกทิวิตีของ *Trichoderma reesei* TISTR 3081 โดยการกลায์พันธุ์ที่ถูก
เห็นยังไงด้วยเอทิลเมทีนซัลโฟเนต รังสีอัลตราไวโอเลต และคลอรีน

นางสาวมหาชนี กิญโภ

วิทยานิพนธ์เป็นส่วนหนึ่งของการศึกษาตามหลักสูตรปริญญาวิทยาศาสตรมหาบัณฑิต
สาขาวิชาเทคโนโลยีชีวภาพ
คณะวิทยาศาสตร์ จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย
ปีการศึกษา 2551
ลิขสิทธิ์ของจุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

CELLULASE ACTIVITY ENHANCEMENT OF *Trichoderma reesei* TISTR 3081 BY
INDUCED MUTATION WITH ETHYLMETHANESULFONATE ULTRAVIOLET RADIATION
AND COLCHICINE

Miss Mahattanee Phinyo

A Thesis Submitted in Partial Fulfillment of the Requirements
for the Degree of Master of Science Program in Biotechnology

Faculty of Science

Chulalongkorn University

Academic Year 2008

Copyright of Chulalongkorn University

หัวข้อวิทยานิพนธ์ การเพิ่มเซลลูเลสเอกทิวิตีของ *Trichoderma reesei*
โดย TISTR 3081 โดยการกลยุทธ์ที่ถูกเนินร่องนำด้วย
สาขาวิชา เอกทิลเมทีนอลฟ์เนต รังสีอัลตราไวโอเลต และโคลชีน
อาจารย์ที่ปรึกษาวิทยานิพนธ์หลัก นางสาวหทัยนี กิญญา
โดย เทคโนโลยีชีวภาพ
รองศาสตราจารย์ ดร. วรุณิ จุฬาลักษณ์มนูกุล

คณบดีคณะวิทยาศาสตร์ จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย อนุมัติให้นับวิทยานิพนธ์ฉบับนี้เป็นส่วนหนึ่ง
ของการศึกษาตามหลักสูตรปริญญามหาบัณฑิต

..... คณบดีคณะวิทยาศาสตร์
(ศาสตราจารย์ ดร. สุจันทร์ หวานองบัว)

คณบกรุณาตรวจสอบวิทยานิพนธ์

..... ประธานกรรมการ
(รองศาสตราจารย์ ดร. ปรีดา บุญ-หลง)

..... อาจารย์ที่ปรึกษาวิทยานิพนธ์หลัก
(รองศาสตราจารย์ ดร. วรุณิ จุฬาลักษณ์มนูกุล)

..... กรรมการ
(อาจารย์ ดร. ปกรณ์ วินัยานุวัติคุณ)

..... กรรมการ
(ดร. กิตินันท์ โภมลภิส)

..... กรรมการภายนอกมหาวิทยาลัย
(ดร. วรกันต์ บูรพาธนະ)

มหัทธนี ภิญโญ : การเพิ่มเซลลูเลสแอกทิวิตี้ของ *Trichoderma reesei* TISTR 3081 โดยการกลายพันธุ์ที่ถูกเน้นด้วยเอทิลเมเทนซัลฟเโนต รังสีอัลตราไวโอเลต และโคลชิซีน (CELLULASE ACTIVITY ENHANCEMENT OF *Trichoderma reesei* TISTR 3081 BY INDUCED MUTATION WITH ETHYLMETHANESULFONATE ULTRAVIOLET RADIATION AND COLCHICINE) อ.ที่ปรึกษาวิทยานิพนธ์หลัก : วงศ. ดร. วราภรณ์ จุฬาลักษณานุกูล, 124 หน้า.

ลิกไนเซลลูโลไซด์ เอกทานออกเป็นพลังงานหมุนเวียนทางเลือกหนึ่งที่กำลังได้รับความสนใจโดย อาศัยเซลลูเลสในการย่อยสลาย แต่ในขณะเดียวกันเองไชม์ก็ยังคงมีราคาที่สูงอีกทั้งเชื้อ *Trichoderma reesei* ยังมีเอกทิวิต์ไม่สูงมาก ในงานวิจัยนี้นำเชื้อ *Trichoderma reesei* TISTR 3081 มาขักนำให้เกิดการกลายพันธุ์ด้วยสารอีเม็มເຂສ รังสีอัลตราไวโอเลต และสารโคลชิซีน เพื่อ เพิ่มเอกทิวิต์จำเพาะของเซลลูเลส หลังจากทำการกลายพันธุ์ด้วยสารอีเม็มເຂສและกลไกพันธุ์เข้าด้วย รังสีอัลตราไวโอเลต พบร่วมกับเชื้อ E45-UV26 มีเอกทิวิต์จำเพาะของเอนโดกลูคานเคน เอกไซกูลูคานเคน และเบตา-กลูโคซิเดส สูงกว่าสายพันธุ์ตั้งต้น 1.41, 1.69 และ 2.53 เท่า ตามลำดับ โดยทดสอบความสามารถในการผลิตเซลลูเลสในอาหารเหลวสูตรของเมนเดล ที่มีแอลfa-เซลลูโลส เป็นแหล่งคาร์บอน และจากการนำ E45-UV26 มาทดสอบลำดับเบสในนิวคลีโอไทด์ของ *cbh1* และ *cbh2* พบร่วมกับเชื้อ *cbh1* มีการเปลี่ยนแปลงของลำดับเบส 4 ตำแหน่ง คือบริเวณอินทรอน ตำแหน่งเบสที่ 710 และ 734 ในส่วนเอกสารอนตำแหน่งเบสที่ 812 และ 924 การที่มีตำแหน่งเบสที่ บริเวณเอกสารอนทำให้มีการสังเคราะห์กรดอะมิโนเปลี่ยนแปลงหนึ่งตัว คือเปลี่ยนจาก Asparagine ไป เป็น Threonine และหลังจากการใช้ 0.1 เมอร์เซ็นต์ สารโคลชิซีนในเชื้อ E45-UV24, E45-UV26 และ E45-UV39 เป็นเวลา 20 วัน พบร่วมกับเชื้อ EV39-C69 มีเอกทิวิต์จำเพาะในหน่วยยูนิตต่อมิลลิกรัม โปรตีนของเอนโดกลูคานเคน เอกไซกูลูคานเคน สูงกว่าสายพันธุ์ตั้งต้น 2.16 และ 1.35 เท่า ตามลำดับ แต่เนื่องจากเชื้อที่ผ่านการใช้โคลชิซีนส่วนใหญ่จะมีการผลิตโปรตีนที่เพิ่มสูงขึ้น ถ้าคำนวนเป็นค่า เอกทิวิต์ในหน่วยยูนิตต่อมิลลิกรัม พบร่วมกับเชื้อ EV24-C46 มีเอกทิวิต์ของเอนโดกลูคานเคน เอกไซกูลูคานเคน และ เบตา-กลูโคซิเดส สูงกว่าสายพันธุ์ตั้งต้น 2.09, 2.20 และ 1.21 เท่า ตามลำดับ จากการศึกษาครั้งนี้พบว่าการกลายพันธุ์ด้วยสารอีเม็มເຂສ ร่วมกับการใช้รังสีอัลตราไวโอเลตสามารถ ใช้ในการเพิ่มการผลิตเซลลูเลสได้อย่างมีประสิทธิภาพมากกว่าการใช้สารอีเม็มເຂສเพียงอย่างเดียว ในเชื้อ *T. reesei* TISTR 3081

สาขาวิชา.....	เทคโนโลยีชีวภาพ.....	ลายมือชื่อนิสิต.....
ปีการศึกษา.....	2551.....	ลายมือชื่อ อ.ที่ปรึกษาวิทยานิพนธ์หลัก.....

4972440223 : MAJOR BIOTECHNOLOGY

KEYWORDS : CELLULOLYTIC FUNGI / CELLULASE / MUTATION / *Trichoderma reesei*

MAHATTANEE PHINYO : CELLULASE ACTIVITY ENHANCEMENT OF *Trichoderma reesei* TISTR 3081 BY INDUCED MUTATION WITH ETHYLMETHANESULFONATE ULTRAVIOLET RADIATION AND COLCHICINE. ADVISOR: ASSOC. PROF. WARAWUT CHULALAKSANANUKUL, Ph.D., 124 pp.

Lignocellulosic ethanol is one of the most promising renewable energy, but the high cost of enzyme is one of the major barriers. The enzyme cellulase from wild type *Trichoderma reesei* must be improved to make bioethanol more economical due to its low activity and concentration. To resolve this issue this research project aims to improve the cellulose activity by induce mutation on *Trichoderma reesei* TISTR 3081 via ethylmethanesulfonate (EMS), ultraviolet radiation (UV) and colchicine. After induced for double mutation with EMS treatment and ultraviolet radiation mutation, it was found that isolate E45-UV26 had higher specific activities of endoglucanase, exoglucanase, and β -glucosidase than those of wild type by 1.41, 1.69, and 2.53 times, respectively. Cellulase-producing ability was tested in Mandels' medium containing alpha-cellulose as the sole carbon source. Nucleotide base sequencing of *cbh1* and *cbh2* revealed that the base order of *cbh1* had mutations in 4 positions, i.e. base orders 719 and 734 of the intron and base orders 812 and 924 of the exon. The base order of the exon caused a change in the synthesis of an amino acid, from Asparagine to Threonine. After treating isolates E45-UV24, E45-UV26, and E45-UV39 with colchicine for 20 days, it was found that isolate EV39-C69 had higher specific activities than those of wild type by milligram of protein of endoglucanase and exoglucanase by 2.16 and 1.35 times, respectively. However, as most isolates would have higher protein production after treatment with colchicine, if the activities were calculated as units per millilitre, EV24-C46 would be revealed that the activities of endoglucanase, exoglucanase, and β -glucosidase were 2.09, 2.20, and 1.21 times higher than those of the wild type, respectively. This study found that mutation with EMS together with ultraviolet radiation can increase the production of cellulase more effectively than using EMS alone in *T. reesei* TISTR 3081.

Field of Study :BIOTECHNOLOGY..... Student's Signature

Academic Year :2008..... Advisor's Signature

กิตติกรรมประกาศ

วิทยานิพนธ์ฉบับนี้สำเร็จลุล่วงไปด้วยดีด้วยความสนับสนุน และช่วยเหลือ จาก รองศาสตราจารย์ ดร. วรรูษิ จุฬาลักษณานุฤทธิ อาจารย์ที่ปรึกษาวิทยานิพนธ์ที่กรุณาให้คำแนะนำ ให้ความช่วยเหลือและตรวจทานรายละเอียดต่าง ๆ ในการทำวิทยานิพนธ์เสมอมา

ขอกราบขอบพระคุณ รองศาสตราจารย์ ดร. ปรีดา บุญ-หลง ประธานกรรมการสอบ วิทยานิพนธ์ อาจารย์ ดร. ปกรณ์ วินะยานุวัติคุณ ดร. กิติันันท์ โภมลภิส และ ดร. วรกันต์ บุราพาธนະ ที่กรุณาสละเวลา มาเป็นกรรมการสอบวิทยานิพนธ์ พร้อมให้ข้อเสนอแนะ รวมถึง ข้อคิดเห็นที่มีส่วนสำคัญในการปรับปรุงวิทยานิพนธ์ พร้อมทั้งให้ข้อเสนอแนะ ข้อคิดเห็นที่มีส่วน สำคัญการปรับปรุงวิทยานิพนธ์ให้มีความสมบูรณ์มากยิ่งขึ้น

ขอขอบคุณทุนสนับสนุนการวิจัยจากสถาบันวิจัยและเทคโนโลยีการปีตระเลียมแห่งประเทศไทย และหน่วยปฏิบัติการวิจัยการผลิตเชื้อเพลิงชีวภาพด้วยตัวเร่งปฏิกิริยาชีวภาพ รวมถึง จำนวนความสะอาดในด้านสถานที่ อุปกรณ์ และสารเคมีต่าง ๆ ในการวิจัยครั้งนี้ รวมถึงทีมงาน ด้านการวิจัยของสถาบันวิจัยและเทคโนโลยี ปตท. ที่ให้คำแนะนำที่ดี และเป็นประโยชน์ต่อ งานวิจัย

นอกจากนี้ขอบคุณพี่ ๆ เพื่อน ๆ และน้อง ๆ ในหน่วยปฏิบัติการวิจัยการผลิตเชื้อเพลิง ชีวภาพด้วยตัวเร่งปฏิกิริยาชีวภาพ ที่เคยเอื้อเฟื้อ และช่วยเหลือ ตลอดการทำงานวิจัย

ท้ายสุดนี้ขอกราบขอบพระคุณ คุณพ่อ คุณแม่ และครอบครัว ที่เคยให้ความรัก และ กำลังใจ ห่วงใย และสนับสนุนเงินทุน รวมทั้งพี่สาว และน้องสาว ที่ให้กำลังใจ และคอยช่วยเหลือ ข้าพเจ้าเสมอมา

สารบัญ

	หน้า
บทคัดย่อภาษาไทย.....	๔
บทคัดย่อภาษาอังกฤษ.....	๖
กิตติกรรมประกาศ.....	๗
สารบัญ.....	๘
สารบัญตราสาร.....	๙
สารบัญภาพ.....	๑๐
บทที่	
1. บทนำ.....	1
วัตถุประสงค์.....	3
ประโยชน์ที่คาดว่าจะได้รับ.....	3
วิธีดำเนินการวิจัย.....	3
2. เอกสารและงานวิจัยที่เกี่ยวข้อง.....	4
2.1 เชลลูโลส.....	4
2.1.1 ลักษณะโครงสร้างของเชลลูโลส.....	4
2.1.2 ปริมาณเชลลูโลสในพืชชนิดต่าง ๆ	5
2.1.3 การแยกอย่างสวยงามเชลลูโลส.....	6
2.2 เชลลูเลส.....	8
2.2.1 ปัจจัยที่เกี่ยวข้องต่อการทำงานของเชลลูเลส.....	10
2.2.2 จุลทรรศน์ที่สามารถผลิตเชลลูเลส.....	10
2.3 เชื้อรา <i>T. reesei</i>	12
2.4 การแยกพันธุ์.....	13
2.4.1 ระดับของการแยกพันธุ์.....	14
2.4.2 การเนี่ยนนำไปใช้เกิดการแยกพันธุ์ด้วยสารอีเอมेस.....	15
2.4.3 การเนี่ยนนำไปใช้เกิดการแยกพันธุ์โดยใช้รังสีอัลตราไวโอเลต.....	16
2.4.4 การคัดเลือกสายพันธุ์โดยจากกราฟความอยู่รอด.....	19
2.4.5 ลักษณะสายพันธุ์โดยที่นิยมใช้ศึกษาทางพันธุศาสตร์.....	19

	หน้า
2.5 การเห็นยานำให้เกิดการกลایพันธุ์โดยใช้สารคลีชีน.....	20
2.6 เอกสารและงานวิจัยที่เกี่ยวข้อง.....	21
3. วัสดุอุปกรณ์ สารเคมี และวิธีดำเนินการวิจัย.....	25
3.1 ศึกษาลักษณะทางสัณฐานวิทยา.....	28
3.2 เห็นยานำให้เกิดการกลัยพันธุ์ด้วยสารอีโคเม็กซ์.....	28
3.3 เห็นยานำให้เกิดการกลัยพันธุ์ช้าด้วยรังสีอัลตราไวโอเลต.....	30
3.3.1 กล้ายพันธุ์ช้าด้วยรังสีอัลตราไวโอเลตของไอโซเลต EMS11.....	30
3.3.2 กล้ายพันธุ์ช้าด้วยรังสีอัลตราไวโอเลตของไอโซเลต EMS45.....	30
3.4 การทดสอบความต้านทานยาปฏิชีวนะเพื่อใช้คัดเลือกสายพันธุ์กลัย.....	30
3.5 ศึกษาเปรียบเทียบทางสัณฐานวิทยาของ <i>T. reesei</i> TISTR 3081 และ E45-UV26.....	31
3.6 การเปรียบเทียบลำดับเบสของยีน <i>cbh1</i> และ <i>cbh2</i> ระหว่าง <i>T. reesei</i> TISTR 3081 และ E45-UV26.....	31
3.7 การเพิ่มประสิทธิภาพการผลิตเซลลูโลสของสายพันธุ์กลัยโดยใช้คลีชีน.....	33
4. ผลการทดลอง.....	34
4.1 ศึกษาลักษณะทางสัณฐานวิทยา.....	34
4.2 การเห็นยานำให้เกิดการกลัยพันธุ์ด้วยสารอีโคเม็กซ์.....	35
4.3 การเห็นยานำให้เกิดการกลัยพันธุ์ช้าด้วยรังสีอัลตราไวโอเลต.....	39
4.3.1 การกลัยพันธุ์ช้าด้วยรังสีอัลตราไวโอเลตของไอโซเลต EMS11.....	39
4.3.2 การกลัยพันธุ์ช้าด้วยรังสีอัลตราไวโอเลตของไอโซเลต EMS45.....	44
4.4 การทดสอบความต้านทานยาปฏิชีวนะเพื่อใช้คัดเลือกสายพันธุ์กลัย.....	50
4.5 ศึกษาเปรียบเทียบทางสัณฐานวิทยาของ <i>T. reesei</i> TISTR 3081 และ E45-UV26.....	52
4.6 ศึกษาความแตกต่างลำดับเบสระหว่าง <i>T. reesei</i> TISTR 3081 กับ E45-UV26.....	55
4.7 การเพิ่มประสิทธิภาพการผลิตเซลลูโลสของสายพันธุ์กลัยโดยใช้คลีชีน.....	57
5. วิเคราะห์ผลการทดลอง.....	69
6. สรุปผลการทดลอง.....	78

	หน้า
รายการอ้างอิง.....	80
ภาคผนวก.....	88
ภาคผนวก ก.....	89
ภาคผนวก ข.....	93
ภาคผนวก ค.....	96
ภาคผนวก ง.....	98
ภาคผนวก จ.....	100
ภาคผนวก ฉ.....	107
ภาคผนวก ช.....	109
ภาคผนวก ซ.....	112
ประวัติผู้เขียนวิทยานิพนธ์.....	124

สารบัญตาราง

ตารางที่		หน้า
2-1	บริมาณเซลลูโลสในพีซและส่วนต่าง ๆ ของพีซ.....	6
2-2	การเปรียบเทียบข้อดีและข้อเสียของการถ่ายถอดลายเซลลูโลสด้วยสารเคมี.....	7
2-3	การเปรียบเทียบข้อดีและข้อเสียของการถ่ายถอดลายเซลลูโลสด้วยเอนไซม์.....	8
2-4	ตัวอย่างจุลทรรศน์ที่สามารถผลิตเซลลูโลส.....	11
2-5	ตัวอย่างเชื้อราที่มีการใช้คลอโรฟิล.....	21
4-1	ความสามารถในการผลิตเซลลูโลสบนอาหาร CMC agar ของ <i>T. reesei</i> TISTR 3081 ที่ผ่านการเหนี่ยวนำให้เกิดการถ่ายพันธุ์ด้วยสารอีเมกอส.....	36
4-2	ความสามารถในการผลิตเซลลูโลสบนอาหาร CMC agar ของ EMS 11 ที่ถ่ายพันธุ์ขึ้นด้วยรังสีอัลตราไวโอเลต.....	41
4-3	ความสามารถในการผลิตเซลลูโลสบนอาหาร CMC agar ของ EMS 45 ที่ถ่ายพันธุ์ขึ้นด้วยรังสีอัลตราไวโอเลต.....	45
4-4	การเปรียบเทียบค่าเอกพารามิเตอร์ที่จำเพาะของสายพันธุ์ตั้งต้นกับไฮโซเลต E45-UV26	50
4-5	ความสามารถในการผลิตเซลลูโลสบนอาหาร CMC agar ของ E45-UV24 ที่เพิ่มประสิทธิภาพการผลิตเซลลูโลสด้วยคลอโรฟิล 0.1 เปอร์เซ็นต์ (W/V)	58
4-6	ความสามารถในการผลิตเซลลูโลสบนอาหาร CMC agar ของ E45-UV26 ที่เพิ่มประสิทธิภาพการผลิตเซลลูโลสด้วยคลอโรฟิล 0.1 เปอร์เซ็นต์ (W/V).....	59
4-7	ความสามารถในการผลิตเซลลูโลสบนอาหาร CMC agar ของ E45-UV39 ที่เพิ่มประสิทธิภาพการผลิตเซลลูโลสด้วยคลอโรฟิล 0.1 เปอร์เซ็นต์ (W/V).....	60
4-8	การเปรียบเทียบค่าเอกพารามิเตอร์ที่จำเพาะของสายพันธุ์ตั้งต้นกับไฮโซเลต EV39-C69	63
4-9	การเปรียบเทียบค่าเอกพารามิเตอร์ที่จำเพาะของสายพันธุ์ตั้งต้นกับไฮโซเลต EV24-C46	66

สารบัญภาพ

ภาพที่	หน้า
2-1 การจัดเรียงตัวของเซลลูโลส และโมเลกุลของกลูโคสในผนังเซลล์พืช.....	5
2-2 กลไกการทำงานของเซลลูโลสที่ผลิตจาก <i>Trichoderma sp.</i>	9
2-3 ผลของเอทิลเมเทนซัลฟอเนตต่อโมเลกุลของเบสก์วีน.....	16
2-4 การเกิดไทดีเมอร์เมื่อได้รับวังสีอัลตราไวโอเลต.....	17
2-5 ขั้นตอนการซ่อมแซมโดยไม่ใช้แสงในตำแหน่งที่เกิดไทดีเมอร์ของดีเอ็นเอ....	18
4-1 ลักษณะสัณฐานวิทยาของโคลินี <i>T. reesei</i> TISTR 3081 บนอาหารเลี้ยงเชื้อกึ่ง แข็ง PDA.....	34
4-2 ลักษณะสัณฐานวิทยา เส้นใย และสปอร์ของ <i>T. reesei</i> 3081 ภายใต้กล้อง ^{จุลทรรศน์ที่เจริญบนอาหารกึ่งแข็ง PDA อุณหภูมิ 26 องศาเซลเซียส.....}	34
4-3 ความสัมพันธ์ระหว่างความเข้มข้นของสารอีเอมเอสกับเปอร์เซ็นต์ความอยู่รอด.	35
4-4 ความสัมพันธ์ระหว่างไอโซเลตกับแยกทิวติจำเพาะเนอนโคลูคานะสของราที่ถูก เหนี่ยวนำให้เกิดการกลยุพันธุ์ด้วยสารอีเอมเอส.....	37
4-5 ความสัมพันธ์ระหว่างไอโซเลตกับแยกทิวติจำเพาะเอกโซกลูคานะสของราที่ถูก เหนี่ยวนำให้เกิดการกลยุพันธุ์ด้วยสารอีเอมเอส	38
4-6 ความสัมพันธ์ระหว่างไอโซเลตกับแยกทิวติจำเพาะเบต้า-กลูโคซิเดสของราที่ถูก เหนี่ยวนำให้เกิดการกลยุพันธุ์ด้วยสารอีเอมเอส.....	38
4-7 ความสัมพันธ์ระหว่างเวลาที่ได้รับวังสีอัลตราไวโอเลตกับเปอร์เซ็นต์ความอยู่ รอด.....	40
4-8 ความสัมพันธ์ระหว่างไอโซเลตกับแยกทิวติจำเพาะเนอนโคลูคานะสของราที่ถูก เหนี่ยวนำให้เกิดการกลยุพันธุ์ด้วยวังสีอัลตราไวโอเลต.....	42
4-9 ความสัมพันธ์ระหว่างไอโซเลตกับแยกทิวติจำเพาะเอกโซกลูคานะสของราที่ถูก เหนี่ยวนำให้เกิดการกลยุพันธุ์ด้วยวังสีอัลตราไวโอเลต.....	43
4-10 ความสัมพันธ์ระหว่างไอโซเลตกับแยกทิวติจำเพาะเบต้า-กลูโคซิเดสของราที่ถูก เหนี่ยวนำให้เกิดการกลยุพันธุ์ด้วยวังสีอัลตราไวโอเลต.....	43
4-11 ความสัมพันธ์ระหว่างเวลาที่ได้รับวังสีอัลตราไวโอเลตกับเปอร์เซ็นต์ความอยู่ รอด.....	44

ภาคที่	หน้า
4-12 ความสัมพันธ์ระหว่างไอโซเลตกับแอกทิวิตี้จำเพาะเอนโดกลูคานेशของราที่ถูก เหนี่ยวนำให้เกิดการกลایพันธุ์ช้าด้วยรังสีอัลตราไวโอเลต.....	47
4-13 ความสัมพันธ์ระหว่างไอโซเลตกับแอกทิวิตี้จำเพาะเอกโซกลูคานेशของราที่ถูก เหนี่ยวนำให้เกิดการกลัยพันธุ์ช้าด้วยรังสีอัลตราไวโอเลต.....	47
4-14 ความสัมพันธ์ระหว่างไอโซเลตกับแอกทิวิตี้จำเพาะเบต้า-กลูโคซิเดสของราที่ถูก เหนี่ยวนำให้เกิดการกลัยพันธุ์ช้าด้วยรังสีอัลตราไวโอเลต.....	48
4-15 แผนผังการกลัยพันธุ์ของเชื้อ <i>T. reesei</i> TISTR 3081 ที่เหนี่ยวนำให้เกิดการ กลัยพันธุ์ด้วยสารอีเม็มเอส และกลัยพันธุ์ช้าด้วยรังสีอัลตราไวโอเลต.....	49
4-16 อัตราการเจริญเติบโตของเส้นใยเหลี่ยมของเชื้อรา <i>T. reesei</i> TISTR 3081 บน อาหาร PDA ที่มีแอมโพเทอโรชิน บี.....	50
4-17 ลักษณะโคลนีเชื้อราที่เลี้ยงบนอาหารกึ่งแข็ง PDA ที่มีความเข้มข้น แอมโพเทอโรชิน บี 40 ไมโครกรัมต่อมิลลิลิตร.....	51
4-18 ลักษณะโคลนีเชื้อราที่เลี้ยงบนอาหารกึ่งแข็ง PDA.....	53
4-19 ลักษณะเส้นใยและสปอร์เชื้อราที่ย้อมด้วยสีย้อมแลคโตฟีนอลคอดตอนบดู.....	53
4-20 อัตราการเจริญเติบโตของรา <i>T. reesei</i> TISTR 3081 และ E45 UV 26 ที่เจริญใน อาหารเหลว PDB เป็นเวลา 24 วัน โดยเก็บน้ำหนักแห้งทุก ๆ 3 วัน.....	54
4-21 ชั้นส่วนดีเย็นเอกสารยืน <i>cbh1</i> และ <i>cbeh2</i>	55
4-22 ความสัมพันธ์ระหว่างไอโซเลตกับแอกทิวิตี้จำเพาะเอนโดกลูคานेशของราที่เพิ่ม ประสิทธิภาพการผลิตเซลลูเลสด้วยโคลชีซีน 0.1 เปอร์เซ็นต์ (W/V).....	61
4-23 ความสัมพันธ์ระหว่างไอโซเลตกับแอกทิวิตี้จำเพาะเอกโซกลูคานेशของราที่เพิ่ม ประสิทธิภาพการผลิตเซลลูเลสด้วยโคลชีซีน 0.1 เปอร์เซ็นต์ (W/V).....	62
4-24 ความสัมพันธ์ระหว่างไอโซเลตกับแอกทิวิตี้จำเพาะของเบต้า-กลูโคซิเดส ของรา ที่เพิ่มประสิทธิภาพการผลิตเซลลูเลสด้วยโคลชีซีน 0.1 เปอร์เซ็นต์ (W/V).....	62
4-25 ความสัมพันธ์ระหว่างไอโซเลตกับแอกทิวิตี้เอนโดกลูคานेशของราที่เพิ่ม ประสิทธิภาพการผลิตเซลลูเลสด้วยโคลชีซีน 0.1 เปอร์เซ็นต์ (W/V).....	64
4-26 ความสัมพันธ์ระหว่างไอโซเลตกับแอกทิวิตี้เอกโซกลูคานेशของราที่เพิ่ม ประสิทธิภาพการผลิตเซลลูเลสด้วยโคลชีซีน 0.1 เปอร์เซ็นต์ (W/V).....	64
4-27 ความสัมพันธ์ระหว่างไอโซเลตกับแอกทิวิตี้ของเบต้า-กลูโคซิเดส ของราที่เพิ่ม ประสิทธิภาพการผลิตเซลลูเลสด้วยโคลชีซีน 0.1 เปอร์เซ็นต์ (W/V).....	65

ภาคที่		หน้า
4-28	แผนผังการกล่ายพันธุ์ของเชื้อ <i>T. reesei</i> TISTR 3081 ในงานวิจัย.....	66
4-29	ความสัมพันธ์ระหว่างไอโซเลตกับปริมาณโปรตีนระหว่างชั่วโมงที่ 1 และชั่วโมงที่ 5 ของสายพันธุ์กล่ายที่ผ่านการเพิ่มประสิทธิภาพการผลิตเซลลูโลสตัวอย่างคลิชิน กับสายพันธุ์ตั้งต้น และสายพันธุ์กล่าย.....	67
4-30	อัตราการเจริญเติบโตของรา <i>T.reesei</i> TISTR 3081, E45-UV26 และ EV26-C37 ที่เจริญในอาหารเหลว PDB เป็นเวลา 24 วัน โดยเก็บน้ำหนักแห้งทุก ๆ 3 วัน.....	68

บทที่ 1

บทนำ

ความเป็นมาและความสำคัญของปัจจุบัน

การทำanol เป็นผลิตภัณฑ์ทางเดื่อกหนึ่งที่กำลังได้รับความสนใจ โดยการทำanol สามารถผลิตได้โดยอาศัยกระบวนการทางชีวเคมีจากการใช้วัตถุดิบทางการเกษตร หรือวัสดุที่เหลือใช้จากธรรมชาติ เช่น พืช หรือวัชพืช วัสดุเหลือทิ้งจากการเกษตรมาใช้ในการเป็นวัตถุดิบในการผลิต ethanol ในพืชและวัชพืชต่าง ๆ มีองค์ประกอบหลักเป็นเซลลูโลส มีปริมาณเซลลูโลสมากถึง 35-50 เปอร์เซ็นต์ โดยเซลลูโลสสามารถเป็นสารตั้งต้นเพื่อเปลี่ยนเป็นน้ำตาลกลูโคสสำหรับนำไปหมักเป็น ethanol ซึ่งการย่อยสลายเซลลูโลสสามารถทำได้ 2 วิธี คือ การย่อยสลายโดยใช้สารเคมี ปฏิกิริยาที่เกิดขึ้นจากการใช้สารเคมีเป็นตัวย่อยสลายจะมีความไม่จำเพาะเจาะจง (nonspecificity) ต่อเซลลูโลส และน้ำตาลกลูโคสที่ได้จะมีปริมาณน้อย อีกทั้งยังได้ผลิตภัณฑ์ร่วมที่ไม่จำเป็นเกิดขึ้นด้วย ส่วนการย่อยสลายด้วยเอนไซม์ ผลิตภัณฑ์ที่ได้จะมีความบริสุทธิ์สูงกว่าเนื่องจากเอนไซม์จะทำปฏิกิริยาจำเพาะเจาะจงกับชั้บสเตรท (Sivers และ Zacchi, 1995) เอนไซม์ที่ทำการย่อยสลายเซลลูโลสจะประกอบด้วยเอนไซม์ที่สำคัญ 3 ชนิด ได้แก่ เอกโซกลูคานาส (exoglucanase) จะทำปฏิกิริยาบริเวณที่ไม่เกิดการรีดิวซ์ของเซลลูโลส ส่วนเอนโดกลูคานาส (endoglucanase) จะตัดพันธะ β -glucosidic ของเซลลูโลส และ เปตา-กลูโคซิเดส (β -glucosidase) จะทำหน้าที่ในการย่อยสลายเซลลูโลสที่ได้จากการย่อยสลายด้วยเอนโดกลูคานาส และเอกโซกลูคานาสให้เป็นน้ำตาลกลูโคส (Domingues และ Queiroz, 2000)

ในส่วนของการย่อยสลายโดยใช้เอนไซม์จะนิยมใช้เชื้อรา ซึ่งสามารถหลังเซลลูโลสออกนอกเซลล์ โดยในการศึกษานิยมใช้ *Trichoderma* sp. เชื้อราชนิดนี้สามารถพบมากในดิน เจริญได้ง่ายและรวดเร็ว (Saddler Hogan และ Louis, 1985) อีกทั้งมีประสิทธิภาพในการผลิตเซลลูโลสสูง เมื่อเปรียบเทียบกับเชื้อราและแบคทีเรียชนิดอื่น ๆ เซลลูโลสที่ผลิตได้จะมีความเสถียร และเนื่องจาก *T. reesei* สามารถเจริญได้รวดเร็ว และมีการผลิตเซลลูโลสที่เสถียร จึงนิยมนิยมนำมาหนี่ยวนำให้เกิดสายพันธุ์กล้ายโดยใช้มิวท่าเจนเพื่อเพิ่มแอกทิวิตีการผลิตเซลลูโลสให้สูงขึ้น รวมถึงมีการใช้เทคนิคทางพันธุวิศวกรรมในการตัดต่อยีนที่เกี่ยวข้องกับการสร้างเซลลูโลสเพื่อเพิ่มประสิทธิภาพการผลิตเซลลูโลสให้เพิ่มมากขึ้นด้วย (Toyama Yamagishi และ Toyama, 2002)

การกลายพันธุ์ของจุลินทรีย์สามารถเกิดได้ 2 วิธี คือการกลายพันธุ์ที่เกิดขึ้นเอง (spontaneous mutation) โดยการกลายพันธุ์แบบนี้อาจเกิดจากการได้รับสารเคมี หรืออุณหภูมิที่มีอยู่ตามธรรมชาติเป็นตัวกระตุ้นทำให้เกิดการกลายพันธุ์ซึ่งโอกาสเกิดการกลายพันธุ์ที่เกิดขึ้นเอง มีน้อยมาก ส่วนการกลายพันธุ์ที่เกิดจากการเห็นຍ່ວນ (induced mutation) ซึ่งสามารถแบ่งได้เป็น 2 ประเภท คือการเห็นຍ່ວນทางกายภาพโดยใช้รังสีเป็นตัวกระตุ้น รังสีที่ใช้แบ่งออกเป็น 2 ประเภท ได้แก่ รังสีที่ก่อให้เกิดไอออน (ionizing radiation) รังสีชนิดนี้จะมีพลังงานสูง ทำให้เกิดการแตกหักของโครโมโซม เกิดการขาดหายส่วนใดส่วนหนึ่งของโครโมโซมทำให้ยีนบริเวณนั้นขาดหายไป การใช้รังสีที่ก่อให้เกิดไอออนมักกรุณแรงและส่วนใหญ่จุลินทรีย์จะมีอัตราการตายที่สูง ส่วนรังสีที่ไม่ก่อให้เกิดไอออน (nonionizing radiation) ได้แก่ รังสีอัลตราไวโอเลต รังสีชนิดนี้จะให้พลังงานต่ำและไม่แตกตัว นิยมนำมาใช้ในการป้องกันสายพันธุ์ในจุลินทรีย์เนื่องจากเป็นวิธีที่ง่าย และสะดวก มีประสิทธิภาพสูง และไม่ก่อให้เกิดการตายของจุลินทรีย์มากนัก ส่วนการเห็นຍ່ວນโดยใช้สารเคมีให้ก่อการกลายพันธุ์จะนิยมใช้สารเอ็นทีจี (*N*-methyl-*N'*-nitro-*N*-nitrosoguanidine) และเอทิลเมเทนชัลฟเเนต ซึ่งเป็นสารเคมีในกลุ่ม Alkylating agent โดยการใช้เอ็นทีจี จะมีการเติมหมู่เมทิล ของเบสกวนีน ส่วนอีเม็มเอสจะมีการเติมหมู่เอทิลของเบสกวนีน ซึ่งสารทั้งสองชนิดจะทำให้ขณะเกิดการสังเคราะห์ดีเอ็นเอเข้ามามากขึ้นและจะเกิดการจับเบสผิดไปจากเดิม (Gadgil และคณะ, 1995)

สารโคลชีซีนมีคุณสมบัติเป็นสารที่มีฤทธิ์เป็นด่างอ่อน ๆ สามารถละลายได้ในคลอร์ฟอร์ม และออกไซด์ แอลกอฮอล์ และน้ำ ทำให้มีจำนวนชุดโครโมโซมเพิ่มขึ้น 2 เท่าหรือมากกว่าเนื่องจากสารจะมีผลต่อสปินเดลไลฟ์เบอร์ในระยะที่เซลล์มีการแบ่งตัว โดยสปินเดลไลฟ์เบอร์ไม่สามารถทำงานได้ ทำให้โครโมโซมไม่ถูกดึงไปยังขั้วของเซลล์ ทำให้เกิดเป็นโพลิพloid โดยนิวเคลียสมีขนาดใหญ่ขึ้น และทำให้เกิด genetic diversity ซึ่งมีผลในการเปลี่ยนแปลงยีนภายในเซลล์ (Toyama และ Toyama, 2000)

จากการศึกษาที่ผ่านมาได้มีการนำເຂົາເອົນໄຊມຈາກເຫຼືອ *T. reesei* มาอยู่ສລາຍເໜລູໂລສเนื่องจากເໜລູໂລສທີ່ຜົດໄດ້ມີຄວາມເສດຖຽດຕ່ອກນໍາໄປໃຫ້ໃນກາຍ່ອຍສລາຍເໜລູໂລສ ซຶ່ງເຫຼືອ *T. reesei* ສາຍພັນຖຸດັ່ງເດີມຢັ້ງມີແອກທິວິຍັງສູງໄມ່ມາກັດດັ່ງນັ້ນໃນການວິຈີຍນີ້ຈຶ່ງສັນຈະໃນເຫຼືອ *T. reesei* TISTR 3081 ມາເໜີຍ່ວນໃຫ້ເກີດກາຍາພັນຖຸໂດຍໃຫ້ສາຣອີເມເສ ວ່າມກັບຮັງສີອັດຕາໄວ້ໂລເລຕ ແລະ ໂຄລູຈີ່

วัตถุประสงค์ของการวิจัย

เพื่อเพิ่มแอกทิวิตีเซลลูเลสจาก *T. reesei* TISTR 3081 โดยการกลยุทธ์ที่ถูกเหนี่ยวนำด้วยเอทิดีเมทีฟเเนต รังสีอัลตราไวโอเลต และโคลชีน

ประโยชน์ที่คาดว่าจะได้รับ

ได้สายพันธุ์กลยุทธ์ของ *T. reesei* ที่มีประสิทธิภาพในการผลิตเซลลูเลสสูง

วิธีดำเนินการวิจัย

1. การศึกษาลักษณะทางสัณฐานวิทยา
2. การเหนี่ยวนำให้เกิดการกลยุทธ์ด้วยสารอีเมอส
3. การเหนี่ยวนำให้เกิดการกลยุทธ์ข้าด้วยรังสีอัลตราไวโอเลต
4. การทดสอบความต้านทานยาปฏิชีวนะเพื่อใช้คัดเลือกสายพันธุ์กลยุทธ์
5. การศึกษาเบรียบเทียบลักษณะทางสัณฐานวิทยาของ *T. reesei* TISTR 3081 และ E45-UV26
6. การเปรียบเทียบลำดับเบสของยีน *cbh 1* และ *cbh2* ระหว่าง *T. reesei* TISTR 3081 กับ E45-UV26
7. การเพิ่มประสิทธิภาพการผลิตเซลลูเลสของสายพันธุ์กลยุทธ์โดยใช้โคลชีน
8. วิเคราะห์ข้อมูล สรุปผล และเขียนวิทยานิพนธ์

บทที่ 2

เอกสารและงานวิจัยที่เกี่ยวข้อง

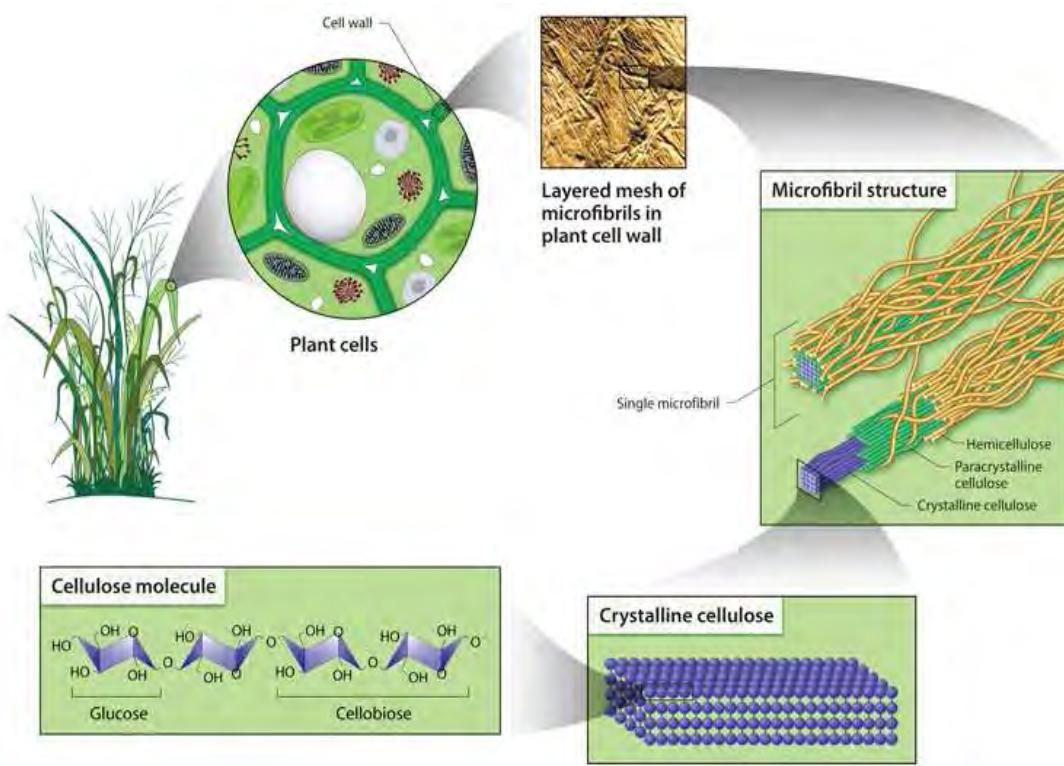
แนวคิดและทฤษฎี

2.1 เชลลูโลส (cellulose)

เชลลูโลสเป็นสารประกอบประเภทคาร์บไฮเดรตที่มีปริมาณมากที่สุดในเซลล์พืช โดยพบมากที่ผนังเซลล์ของพืช มีหน้าที่ช่วยให้พืชมีโครงสร้างแข็งแรง ซึ่งอาจมีมากถึง 35-50 เปอร์เซ็นต์ และเป็นส่วนที่สามารถนำกลับมาใช้ใหม่ได้ เนื่องจากเราสามารถปลูกพืชเพื่อทดแทนได้ในเวลาอันรวดเร็ว โดยมีการนำเชลลูโลสไปใช้ประโยชน์มากมายหลายด้าน อาทิ เช่น ใช้ในอุตสาหกรรมสิ่งทอ อุตสาหกรรมกระดาษ อีกทั้งยังเป็นสารตั้งต้นในการกระบวนการผลิตเชลลูโลสิกออกanol ใน การผลิตเชื้อเพลิง

2.1.1 ลักษณะโครงสร้างของเชลลูโลส

เชลลูโลสประกอบไปด้วยกลูโคสประมาณ 100-20,000 หน่วยเรียงต่อกันคล้ายลูกโซ่ แต่ละโมเลกุลจะจับกันด้วยพันธะไกลดิสิดิก (glycosidic bond) โดยคาร์บอนตำแหน่งที่ 1 จะจับกับคาร์บอนตำแหน่งที่ 4 ของโมเลกุลต่อไป เนื่องจากหมู่ไฮดรอกซิล (-OH) ของคาร์บอนตำแหน่งที่ 1 อยู่ในตำแหน่งเบต้า จึงเรียกพันธะนี้ว่า β -1, 4 glycosidic bond (ดังภาพที่ 1) ซึ่งรูปแบบของการจัดเรียงตัวของหน่วยกลูโคสจะอยู่ในลักษณะรูปเก้าอี้ (chair-from) การเรียงตัวของโมเลกุลของเชลลูโลสมีลักษณะโครงสร้างตรงไม่มีแขนงย่อย โดยเชลลูโลสมีการจัดเรียงตัวภายในของโมเลกุล 2 แบบ ได้แก่ ส่วนที่เป็น crystalline เป็นส่วนของเชลลูโลสที่มีการเรียงตัวต่อกันแบบเป็นระเบียบยึดกันด้วยพันธะไฮโดรเจนหนาแน่น ซึ่งเป็นส่วนที่ยากต่อการสลาย และส่วนที่เป็น amorphous เป็นส่วนเชลลูโลสเรียงตัวต่อกันแบบไม่เป็นระเบียบยึดกันด้วยพันธะไฮโดรเจนหนาแน่นน้อย สามารถสลายได้ง่าย (Sun และ Cheng, 2002)



ภาพที่ 2-1 การจัดเรียงตัวของเซลลูโลส และโมเลกุลของกลูโคสในผนังเซลล์พืช
(Rose และ Bennett, 1999)

2.1.2 ปริมาณเซลลูโลสในพืชนิดต่าง ๆ

ในพืชแต่ละชนิดจะมีเซลลูโลสเป็นส่วนประกอบที่แตกต่างกันออกไป ซึ่งแล้วแต่ว่าเป็นพืชชนิดใด และอยู่ส่วนใดบ้างในพืช ตัวอย่างเซลลูโลสที่พบในพืชชนิดต่าง ๆ ดังแสดงในตารางที่ 2-1

ตารางที่ 2-1 ปริมาณเซลลูโลสในพืชและส่วนต่าง ๆ ของพืช

ชนิดหรือส่วนต่าง ๆ ของพืช	ปริมาณเซลลูโลส (ร้อยละโดยน้ำหนัก)
พืชเนื้อแข็ง	40-45
พืชเนื้ออ่อน	45-50
ซั่งข้าวโพด	45
หญ้า	25-40
ฟางข้าว	30
ไยผ้ายาย	80-95
ไม้ไผ่	26-43
ข้าวโถดี	31-37
ขานอ้อย	32-44
ข้าวบาร์เลย์	31-34
ข้าวไร่น์	33-35

(Reshamwala Shawky และ Dale, 1995; Howard และคณะ, 2003)

2.1.3 การย่อยสลายเซลลูโลส

การย่อยสลายเซลลูโลสเป็นการทำให้สลายของเซลลูโลสสันลง โดยเมื่อมีการย่อยสลายอย่างสมบูรณ์แล้วผลิตภัณฑ์ที่เกิดขึ้นจะมีเพียงชนิดเดียว ได้แก่ กลูโคส แต่ถ้าเกิดการย่อยสลายไม่สมบูรณ์จะได้เซลลูโลโซส หรือ ออลิโกแซคคาไรด์มาปะปนอยู่ด้วย ซึ่งกระบวนการย่อยสลายเซลลูโลสสามารถทำได้ 2 วิธี ได้แก่

1. การย่อยสลายด้วยสารเคมี (chemical hydrolysis) เป็นการอาศัยกรดหรือด่างในย่อยสลาย กรดที่นิยมใช้ ได้แก่ กรดไฮโดรคลอริก (hydrochloric acid) หรือกรดซัลฟิวริก (sulfuric acid) ส่วนด่างที่นิยมใช้ ได้แก่ สารละลายน้ำไดยมไฮดรอกไซด์เจือจาง และโมโนนิยม (ammonia) หรือเอทิลีนไดอะมีน (Sivers และ Zacchi, 1995)

2. การย่อยสลายด้วยเอนไซม์ (enzymatic hydrolysis) โดยเอนไซม์ที่ใช้ในปฏิกรรมการย่อยสลายเซลลูโลส คือเซลลูโลสต์ โดยสามารถผลิตได้จากเชื้อราก และแบคทีเรีย ในการย่อยสลาย

เซลลูโลสนั้นจะต้องใช้เอนไซม์อย่างน้อย 3 ชนิด ทำงานร่วมกัน ได้แก่ เอกโซกลูคานเอนไซม์เดกูลูคาน และเปตา-กลูโคซิเดส ซึ่งจะกล่าวในหัวข้อถัดไป (Kim และคณะ, 1993; Duff และ Murray, 1996)

ตารางที่ 2-2 การเปรียบเทียบข้อดีและข้อเสียของการย่อยสลายเซลลูโลสด้วยสารเคมี

ข้อดี	ข้อเสีย
1. สะดวกต่อการนำไปใช้	1. ต้องใช้คุณภาพมิสูงช่วยในสภาพที่ใช้กรด
2. สารเคมีหาได้ง่ายและมีราคาถูก	หรือด่างอ่อน
3. เกิดปฏิกิริยารวดเร็ว	2. ในกรณีที่ใช้กรดอ่อน ผลจากการย่อยจะได้
4. วัตถุที่ไม่ต้องผ่านการปรับสภาพ	เซลลูโลสที่ยังคงมีโครงสร้างเป็นเส้นใยอยู่
5. สามารถเกิดปฏิกิริยาเกิดได้ที่คุณภาพมิต่ำในสภาพที่ใช้กรดเข้มข้น	3. เกิดสารประกอบชนิดอื่นที่ไม่ต้องการปนเปื้อนมากับผลิตภัณฑ์
6. หลังการย่อยสลายได้บริมาณน้ำตาลสูง	4. ปฏิกิริยาที่เกิดขึ้นไม่เฉพาะเจาะจง ทำให้ผลิตภัณฑ์ที่ได้ไม่บริสุทธิ์
	5. อุปกรณ์มีราคาสูง เนื่องจากต้องทนต่อการกัดกร่อนของกรด
	6. เกิดของเสียที่เป็นสารเคมีมีสภาพเป็นพิษต่อสิ่งแวดล้อม

(Parisi, 1989; Blazej kosik และ Spilda, 1990)

ตารางที่ 2-3 การเปรียบเทียบข้อดีและข้อเสียของการย่อยสลายเซลลูโลสด้วยเอนไซม์

ข้อดี	ข้อเสีย
1. สภาวะที่ใช้ห้องคุณภาพและความเป็นกรด ด่างไม่รุนแรง	1. เอนไซม์มีราคาสูง
2. การทำปฏิกิริยามีความเฉพาะเจาะจงทำให้ ผลิตภัณฑ์ได้มีความบริสุทธิ์สูง	2. ถูกยับยั้งปฏิกิริยาโดยผลิตภัณฑ์ที่เกิดขึ้น
3. ผลิตภัณฑ์ที่เกิดขึ้นไม่เปลี่ยนเป็นสารอื่น	3. จำเป็นต้องมีการปรับสภาพวัตถุดิบก่อน นำมาอยู่สลาย
4. ไม่จำเป็นต้องใช้อุปกรณ์ที่ทนต่อการกัด กร่อน	4. เอนไซม์รวมอยู่กับผลิตภัณฑ์ทำให้ยากต่อ ^{การนำมายieldใหม่ โดยบางส่วนอาจสูญเสีย^{ไปกับการติดในวัสดุ}}
	5. ต้องควบคุมสภาวะที่เหมาะสมแก่การทำ หน้าที่ของเอนไซม์
	6. ถูกขัดขวางการทำปฏิกิริยาของเอนไซม์ที่ เกิดจากบางองค์ประกอบในเซลลูโลส เช่น ลิกนิน

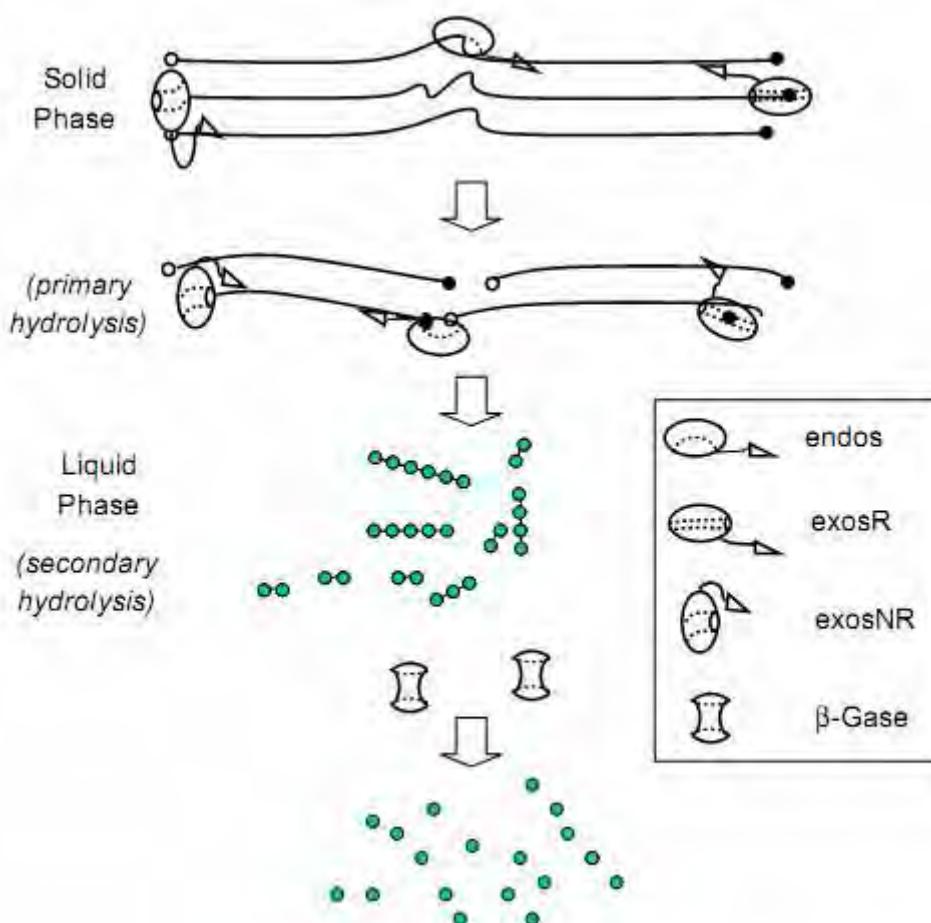
(Presscott และ Dunn, 1959; Parisi, 1989)

จากการเปรียบเทียบจะพบว่าการใช้สารเคมี และการใช้เอนไซม์มีข้อดีและข้อเสียแตกต่างกันออกไประบในกรณีการย่อยสลายด้วยเอนไซม์ ถ้าสามารถหาเชื้อจุลินทรีย์ที่เหมาะสมต่อการย่อยสลายเซลลูโลส และสามารถพัฒนาสายพันธุ์ให้มีความสามารถในการย่อยสลายได้ดีขึ้น จะเป็นการลดต้นทุนการผลิตอย่างมาก และได้ผลิตภัณฑ์ที่มีความบริสุทธิ์มากกว่าการย่อยสลายด้วยสารเคมี

2.2 เซลลูเลส

เซลลูเลส เป็นเอนไซม์ที่ทำหน้าที่ในการย่อยสลายเซลลูโลส โดยจะทำหน้าที่ในการเร่งปฏิกิริยาการย่อยสลายพันธุ์ β -1, 4 glucosidic ภายในเมล็ดของเซลลูโลส ซึ่งผลิตมาจากจุลินทรีย์จำพวก เชื้อรา และแบคทีเรีย หลายชนิด ซึ่งจะมีการผลิตเซลลูเลสออกสู่นอกเซลล์ (extracellular enzyme) โดยเซลลูเลสมีเอนไซม์ทำงานร่วมกันอย่างน้อย 3 ชนิด ได้แก่

1. เอกโซกลูคานเอนส (exoglucanase) หรือ cellobiohydrolase ทำหน้าที่ตัดพันธะ β -1, 4 glucosidic ของสายเซลลูโลส จากปลายด้าน non reducing ของ crystalline cellulose ทำให้ได้ผลิตภัณฑ์เป็นน้ำตาลโมเลกุลที่สั้นขึ้น เช่น ได้เป็นเซลโลไบโอล หรือถ้าเอกโซกลูคานเอนสทำงานอย่างสมบูรณ์จะทำให้ได้กลูโคสเป็นผลิตภัณฑ์ (Eveleigh, 1987)
2. เอ็นโดกลูคานเอนส (endoglucanase) หรือ CM-cellulase ทำหน้าที่เร่งปฏิกิริยาในการย่อยสายเซลลูโลสโดยตัดที่พันธะ β -1, 4 glucosidic บริเวณที่เป็น amorphous cellulose อย่างสุ่ม ทำให้ได้ผลิตภัณฑ์เป็นน้ำตาลโมเลกุลสั้น ๆ เช่น ได้เป็นเซลโลไบโอล หรือถ้าเอ็นโดกลูคานเอนสทำงานอย่างสมบูรณ์จะทำให้ได้กลูโคสเป็นผลิตภัณฑ์ (Ilmen และคณะ, 1997)
3. เบตา-กลูโคซิเดส (β -glucosidase) หรือ เซลโลไบโอล จะทำหน้าที่ในกระบวนการย่อย เซลโลไบโอลให้ได้เป็นน้ำตาลกลูโคส 2 โมเลกุล (Zhang และ Lynd, 2004)



ภาพที่ 2-2 กลไกการทำงานของเซลลูโลสที่ผลิตจาก *Trichoderma* sp. (Zhang Himmel และ Mielenz, 2006)

โดยขั้นตอนในการทำงานร่วมกันของเอนไซม์ทั้ง 3 ชนิด คือ เอนโดกลูคานสจะเข้าทำปฏิกิริยาต่อส่วนของเซลลูโลสที่เป็น amorphous cellulose ทำให้สายเซลลูโลสขาดออกจากกัน หลังจากนั้นจะเป็นการทำทำงานร่วมกันของเอนโดกลูคานสและเอกโซกลูคานส โดยเอกโซกลูคานสจะเข้าทำปฏิกิริยาริเวณปลายตัว non reducing ของสายเซลลูโลสที่ถูกตัด ทำให้ได้เซลลูลาโรส และเปتا-กลูโคซีเดสจะทำหน้าที่ย่อยสายเซลลูลาโรสให้กลายเป็นกลูโคส (Zhang และคณะ, 2006) (ดังภาพที่ 2-2)

2.2.1 ปัจจัยที่เกี่ยวข้องต่อการทำงานของเซลลูโลส

เซลลูโลสเป็นสารที่สิ่งมีชีวิตพากจุลินทรีย์สร้างขึ้น เป็นสารประเภทโปรตีน ดังนั้นในการทำงานของเซลลูโลสจะต้องมีปัจจัยที่เข้ามาเกี่ยวข้องดังนี้

- อุณหภูมิ ความสามารถของเซลลูโลสสามารถทำงานได้ดีและเสถียรที่อุณหภูมิประมาณ 50 องศาเซลเซียส แต่ทั้งนี้ก็ขึ้นอยู่กับเอนไซม์มาจากจุลินทรีย์ชนิดใด เช่น ถ้าเป็นเซลลูโลสที่มาจากจุลินทรีย์ที่ร้อนอุณหภูมิที่เหมาะสมจะสูงกว่า 50 องศาเซลเซียส (Nevalainen และ Penttila, 1996)

- พีเอช เซลลูโลสสามารถทำงานและคงทนอยู่ในพีเอชซึ่งกว้างประมาณ 4.0-8.0 แต่โดยทั่วไปแล้วจะสามารถทำงานได้ดีในช่วงพีเอช 5-7 (Yamanobe และ Mitsuishi, 1990)

- ไอออน โดยไอออนบางชนิดสามารถยับยั้งการทำงานของเอนไซม์ เช่น ไอออนพาก Hg^{2+} และ Pb^{2+} จะทำให้สามารถยับยั้งการทำงานของเซลลูโลส โดยสารดังกล่าวจะทำการออกซิไดซ์หมู่ฟังก์ชันของโปรตีน เช่น ซีสเทอีน ทริปโตเพน ไทรโธีน ไฮสติดีน และเมทไทดีน ทำให้เสียสภาพการทำงานของเอนไซม์ (Murashima และคณะ, 2002)

การเก็บรักษาเอนไซม์ สามารถเก็บเซลลูโลสที่อุณหภูมิต่ำกว่า 0 และ 4 องศาเซลเซียส ได้เป็นเวลาหลายปี หรือสามารถเก็บด้วยวิธี freeze dry หรือตกตะกอนด้วยอะซิโนน หรือเอทานอลโดยไม่เสียคุณสมบติการเร่งปฏิกิริยา (Ryu และ Mandel, 1980)

2.2.2 จุลินทรีย์ที่สามารถผลิตเซลลูโลส

เซลลูโลสสามารถผลิตได้จากจุลินทรีย์หลายชนิด เช่น แบคทีเรีย เชื้อรา หรือแอคติโนมัยซิส โดยแต่ละชนิดจะมีความสามารถในการผลิตเซลลูโลสแตกต่างกันออกไป ซึ่งขึ้นอยู่กับสายพันธุ์ องค์ประกอบของอาหาร สภาพะในการเลี้ยงจุลินทรีย์และการผลิตเอนไซม์ แต่โดยทั่วไปแล้วจะนิยมใช้เชื้อรา เนื่องจากสามารถเจริญได้ที่สภาพอากาศ กว้าง เจริญเติบโตรวดเร็ว และ

ทันต่อสภาวะการเปลี่ยนแปลงที่สูง และส่วนใหญ่มีการหลังเข็นไชม์ออกมานอกเซลล์ทำให้ง่ายต่อการนำไบไซค์ การที่สามารถผลิตเซลลูโลสให้มีปริมาณ และคุณภาพที่สูง จะต้องมีสภาวะที่เหมาะสม เช่น พีเอช อุณหภูมิ การปั่นเบื้องหนึ่ง ชนิดของสารอาหาร และเวลาต่างๆ ที่จำเป็นต่อเจ้าจุลินทรีย์ (Mandels และ Weber, 1969)

ตารางที่ 2-4 ตัวอย่างจุลินทรีย์ที่สามารถผลิตเซลลูโลส

ชนิด	รายการอ้างอิง
แบคทีเรีย	
<i>Ruminococcus flavefaciens</i>	Kirby และคณะ, 1997
<i>Anaerocellum thermophilum</i>	Svetlichnyi และคณะ, 1990
<i>Clostridium cellulovorans</i>	Shoseyov และ Doi, 1990; Tamaru และคณะ, 2000
<i>Eubacterium cellulolyticum</i>	Anderson และ Blair, 1996
<i>Bacillus</i> sp.	Sun และ Cheng, 2002
<i>Thermomonospora fusca</i>	Sun และ Cheng, 2002
เชื้อรา	
<i>Aspergillus niger</i>	Coral และคณะ, 2002
<i>Aspergillus fumigatus</i>	Dohot และ Noomrio, 1996
<i>Fusarium oxysporum</i>	Kuhad Manchanda และ Singh, 1999
<i>Penicillium junthinellum</i>	Deshpande และคณะ, 1984
<i>Trichoderma reesei</i>	Acebal และคณะ, 1986; Nevalainen Suominen และ Taimisto, 1994
<i>Trichoderma harzianum</i>	Saddler และคณะ, 1985
<i>Myrothecium verrucaria</i>	Whitaker, 1954
<i>Streptomyces</i> sp.	Mikan and Castellanos, 2004
<i>Xylaria hypoxylon</i>	Liers และคณะ, 2006
<i>Fomitopsis palustris</i>	Yoon และคณะ, 2007

จากตารางที่ 2-4 จะเห็นว่ามีจุลินทรีย์จำนวนมากที่สามารถสร้างเซลลูเลสได้ แต่อย่างไรก็ตามในหลายงานวิจัยนิยมที่จะเลือก *T. reesei* โดยเป็นจุลินทรีย์ในกลุ่มนี้อรา มีความทนทานมากกว่าแบคทีเรีย และมีความสามารถในการผลิตเซลลูเลส และไชแลนเนสได้สูง

2.3 เชื้อรา *T. reesei*

เชื้อรา *T. reesei* เป็นเชื้อราขั้นสูงเป็นราที่อาศัยอยู่ในดิน และเศษซากอินทรีย์ตๆ ธรรมชาติ มีการเจริญสร้างเส้นใยสีขาว โดยเส้นใยเจริญแบบราบติดผิวน้ำและแตกกิ่งก้านบนอาหารเลี้ยงเชื้อ ซึ่งเส้นใยมีสองชนิด คือ vegetative mycelium เป็นส่วนที่ทำหน้าที่ยึดเกาะกับอาหาร และ aerial mycelium เป็นเส้นใยที่ยื่นไปในอากาศ ทำหน้าที่นำอาหารไปสู่ส่วนต่างๆ การสืบพันธุ์แบบไม่ออาศัยเพศจะมีการสร้างสปอร์ ซึ่งสปอร์จะมีสีเขียว สามารถเจริญอยู่ในสภาพธรรมชาติได้ดี โดยจะอาศัยอาหารจากอินทรีย์ตๆ เศษซากพืช นอกจากนี้ *T. reesei* มีความสามารถผลิตเอนไซม์กลุ่มเซลลูเลส และไชแลนเนส ที่มีบทบาทสำคัญในการย่อยสลายพืชที่มีเซลลูโลส และไชแลน เป็นองค์ประกอบหลัก โดยเอนไซม์ที่ผลิตได้มีความเสถียร เมื่อเทียบกับเชื้อรา หรือแบคทีเรียชนิดอื่น ๆ โดยเซลลูเลสที่ผลิตได้สามารถแยกออกจากเซลล์ได้ง่าย เนื่องจากมีการผลิตเซลลูเลสหลังออกนอกเซลล์ จึงนิยมนำมาเหนี่ยวนำให้เกิดสายพันธุ์กล้ายโดยใช้มิวทาเจนเพื่อเพิ่มเอก特ิกิตีการผลิตเซลลูเลสให้สูงขึ้น รวมถึงมีการใช้เทคนิคทางพันธุ์วิศวกรรมในการตัดต่อยีนที่เกี่ยวข้องกับการสร้างเซลลูเลส เพื่อเพิ่มประสิทธิภาพการผลิตเซลลูเลสให้เพิ่มมากขึ้นด้วย (Durand และ Clonet, 1987; Saddler และคณะ, 1985)

การจัดจำแนกของเชื้อรา *Trichoderma reesei*

Kingdom: Fungi

Division: Ascomycota

Subdivision: Pezizomycetes

Class: Sordariomycetes

Order: Hypocreales

Family: Hypocreaceae

Genus: *Trichoderma*

Species: *T. reesei*

(Motenecourt, 1983; Domingues และคณะ, 2000)

โดยปกติแล้วจุลินทรีย์ที่แยกได้จากธรรมชาตินั้นจะมีความสามารถในการผลิตสารที่ต้องการค่อนข้างต่ำ เช่นเดียวกับเชื้อ *T. reesei* ดังนั้นก่อนที่จะนำไปใช้ในอุตสาหกรรมจะต้องมีการเพิ่มประสิทธิภาพในการผลิตเพื่อให้มีผลผลิตที่สูงขึ้น โดยทั่วไปมักเลือกอาหาร และสภาวะที่เหมาะสมต่อการเจริญเติบโต รวมถึงการสร้างผลผลิตของจุลินทรีย์ แต่การเพิ่มผลผลิตจะถูกจำกัดโดยขีดความสามารถสูงสุดในการสร้างของจุลินทรีย์แต่ละชนิด ซึ่งจะถูกควบคุมโดยยีน (gene) ดังนั้นในการเพิ่มประสิทธิภาพการผลิตในระดับอุตสาหกรรมควรจะมีการปรับปัจจัยพันธุ์ของจุลินทรีย์ (Baltz, 1986)

เซลลูโลไทดิกอีนของ *T. reesei*

เชื้อรา *T. reesei* เป็นหนึ่งในเชื้อราที่มีความสามารถในการผลิตเอนไซม์เซลลูโลส โดยสามารถผลิตเอนไซม์ที่สามารถถอยถอดลายเซลลูโลสได้ 3 ชนิด คือ เอนโดกลูคานเอนไซม์กลูคานเอน และ เบตา-กลูโคซิเดส จากฐานข้อมูลใน The National Center for Biotechnology Information (NCBI) พบว่าเชื้อราชนิดนี้มีความสามารถในการผลิตเอนไซม์เอนโดกลูคานสอย่างน้อย 8 ชนิด เซลลูโลไซด์เอนไซม์กลูโคซิเดส 2 ชนิด และเบตา-กลูโคซิเดสอย่างน้อย 7 ชนิด ซึ่งเอนไซม์เซลลูโลไซด์เอนไซม์ที่ 1 เป็นเอนไซม์ที่ *T. reesei* ผลิตออกมากที่สุดถึง 60 เปอร์เซ็นต์ ของเอนไซม์เซลลูโลสทั้งหมด รองลงมาเป็นส่วนของเอนโดกลูคานชนิดที่ 1 ผลิตออกมา 20-10 เปอร์เซ็นต์ และเบตา-กลูโคซิเดส ผลิตเพียง 1 เปอร์เซ็นต์ เท่านั้น (Unsitalo และคณะ, 1991) โดยเอนไซม์เซลลูโลไซด์เอนไซม์ที่ 1 เป็นเอนไซม์หลักที่ทำการถอยถอดลายเซลลูโลสในส่วนที่เป็นคริสตัลไลด์เซลลูโลส ที่มีโครงสร้างที่ถอยถอดลายได้ยากในองค์ประกอบของเซลลูโลส (Teeri, 1997)

2.4 การกลายพันธุ์ (mutation)

การกลายพันธุ์ หมายถึง การเปลี่ยนแปลงลำดับนิวคลีโอไทด์ในโมเลกุลดีเอ็นเอ หรือโครงสร้างของสารพันธุกรรมและสามารถถ่ายทอดไปยังรุ่นต่อไป สามารถแบ่งได้เป็น 2 ประเภท ได้แก่ การกลายพันธุ์จากเกิดขึ้นเองในธรรมชาติ และการกลายพันธุ์ที่เกิดจากการเหนี่ยวนำ (Snustad และ Simmons, 2000)

- การกลายพันธุ์ที่เกิดขึ้นเองในธรรมชาติ (spontaneous mutation) เป็นการกลายพันธุ์ชนิดนี้จะมีอัตราการเกิดต่ำมาก ซึ่งอาจเกิดจากการไดร์บิ้งสี สารเคมี อุณหภูมิ ที่มีอยู่ในธรรมชาติ โดยจะเกิดในสิ่งมีชีวิตชั้นสูงมากกว่าสิ่งมีชีวิตชั้นต่ำ แต่ไม่แสดงออกเนื่องจากมีการเข้มข้นคุณค่า ไม่มีการแสดงออก ส่วนในการกลายของจุลินทรีย์ พบร้าจะสามารถเกิดการกลายได้ในช่วงเวลา

หนึ่งของการเจริญ ซึ่งโอกาสเกิดการกลายจะขึ้นกับจำนวนครั้งของการขยายพันธุ์ ถ้ามีการขยายพันธุ์มากขึ้นโอกาสที่จะมีการกลายจะมากขึ้นด้วย เรียกได้ว่าการกลายพันธุ์ที่เกิดขึ้นเองอาจเกิดได้จากความผิดพลาดในการถ่ายแบบดีเอ็นเอ (DNA replication error) เกิดจากเอนไซม์พอลิเมอร์เรสทำงานผิดพลาดมีการนำนิวคลีโอไทด์ผิดเข้าไปในสายดีเอ็นเอทำให้เกิดความผิดปกติ (Ramel, 1989)

2. การกลายพันธุ์ที่เกิดจากการเหนี่ยวนำ (induced mutation) เป็นการกลายพันธุ์ที่ไม่ได้เกิดขึ้นเองตามธรรมชาติ สามารถแบ่งได้ 2 ประเภท การเหนี่ยวนำให้เกิดการกลายพันธุ์ทางกายภาพ ได้แก่ รังสี ซึ่งสามารถจำแนกได้ 2 ประเภท ได้แก่ รังสีที่ก่อให้เกิดไอโอน (ionizing radiation) เช่น รังสีแกรมมา รังสีเอกซ์ นิวตรอน รังสีประภากลางๆ จึงมีอำนาจทะลุทะลวงผ่านเนื้อเยื่อต่าง ๆ 強く ทำให้อิเลคตรอนที่เรียงตัวอยู่ในอะตอมหลุดในโครงสร้างอะตอมหลุดไป ทำให้ได้ไอโอนที่มีประจุบวกเกิดขึ้น อิเลคตรอนที่หลุดออกจากอะตอมที่ด้วยความเร็วสูง จากนั้นอิเลคตรอนที่หลุดออกจากอะตอมจะไปชนกับอิเลคตรอนที่หลุดออกจากอะตอมอื่น ทำให้พลังงานของอิเลคตรอนลดลง อิเลคตรอนที่หลุดออกจากอะตอมจะไปเกาะกับอะตอมอื่น ทำให้เกิดประจุลบ เกิดประจุบวกและประจุลบเกิดขึ้น รังสีที่ก่อให้เกิดไอโอนจะมีการเหนี่ยวนำการเกิดการกลายพันธุ์ที่รุนแรงโดยมีผลทำให้โครโมโซมแตกหัก และรังสีอีกประเภท ได้แก่ รังสีที่ไม่ก่อให้เกิดไอโอน (nonionizing radiation) มีอำนาจทะลุทะลวงต่ำกว่ารังสีที่ก่อให้เกิดไอโอน โดยรังสีประภานี้จะไม่ก่อให้เกิดไอโอนตามทางที่เคลื่อนผ่าน ได้แก่ รังสีอัลตราไวโอเลต และการเหนี่ยวนำอีกชนิดหนึ่งได้แก่ การเหนี่ยวนำให้เกิดการกลายพันธุ์ด้วยสารเคมี โดยจะมีการนำสารเคมีมาช่วยทำให้เกิดการกลายพันธุ์ โดยจะมีผลไปเปลี่ยนลำดับเบสในนิวคลีโอไทด์ ซึ่งจะกล่าวในหัวข้อถัดไป (Drake, 1970)

2.4.1 ระดับของการกลายพันธุ์

ระดับของการกลายพันธุ์ จะขึ้นอยู่กับสิ่งที่ก่อให้เกิดการกลายพันธุ์ แบ่งออกเป็น 2 ชนิด (Snustad และ Simmons, 2000)

1. การกลายพันธุ์ระดับโครโมโซม (Chromosome mutation) เป็นการกลายพันธุ์ที่เกิดจากการเปลี่ยนแปลงของโครโมโซม โดยอาจเกิดจากมีการเปลี่ยนแปลงจำนวนของโครโมโซม หรืออาจเป็นการเปลี่ยนแปลงโครงสร้างของโครโมโซม

2. การกลายพันธุ์ระดับยีน (point mutation หรือ gene mutation) เป็นการเปลี่ยนแปลงรูปแบบของยีนจากอัลลีลหนึ่งไปเป็นอัลลีลหนึ่ง ซึ่งเป็นผลมาจากการเปลี่ยนแปลงของนิวคลีโอไทด์ในสายดีเอ็นเอ สามารถแบ่งออกเป็น 2 ชนิด คือ การแทนที่คู่เบส (base-pair

substitution) เป็นการแทนที่คู่เบสในสายนิวคลีโอไทด์ของสายดีเอ็นเอ และการเกิดเพรอมซิฟท์ มิวเทชัน (frameshift mutation) เป็นการกลายพันธุ์ที่เกิดจากการมีการสูญเสียนิวคลีโอไทด์ 1 นิวคลีโอไทด์หรือมากกว่า หรือ การที่มีนิวคลีโอไทด์เพิ่มขึ้นมา 1 นิวคลีโอไทด์ หรือมากกว่า หรือมีการเพิ่มหรือการขาดของ นิวคลีโอไทด์ ในสายโพลีนิวคลีโอไทด์ของสายดีเอ็นเอ ทำให้กรอบของรหัสพันธุกรรม (genetic code) เปลี่ยนแปลงไป

2.4.2 การเหนีyanนำให้เกิดการกลายพันธุ์ด้วยสารอีเม็มแอกซ์

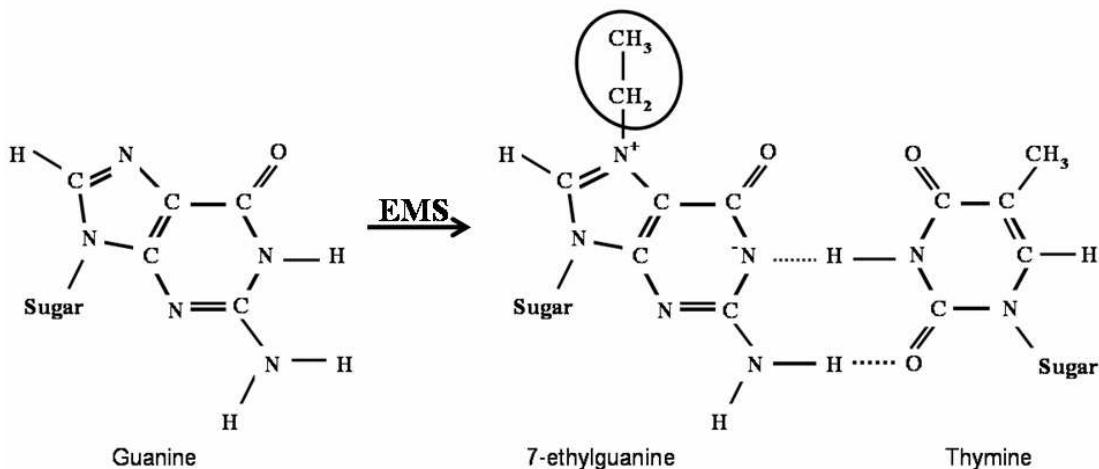
สารเคมีที่ช่วยในการเหนีyanนำให้เกิดการกลายพันธุ์มีหลายกลุ่มด้วยกัน บางชนิดทำหน้าที่คล้ายเบสทำให้สามารถแทนที่เบสในขั้นตอนที่มีการจำลองโมเลกุลของดีเอ็นเอ หรือสารเคมีบางกลุ่มทำให้เกิดการขาดหายหรือเพิ่มระหว่างเบสของสายดีเอ็นเอ ซึ่งแล้วแต่ลักษณะของสารเคมีแต่ละชนิด สุดท้ายแล้วจะก่อให้เกิดการเปลี่ยนแปลงของลำดับเบส (Gardner Simmon และ Snustad, 1991) ส่วนสารอีเม็มแอกซ์จะมีผลต่อโครงสร้างของเบส โดยสารอีเม็มแอกซ์จะมีคุณสมบัติดังนี้

อีเม็มแอกซ์เป็นสารที่มีประสิทธิภาพสูงในการทำให้เกิดการกลายพันธุ์อยู่ในกลุ่มของ alkylating agent อีเม็มแอกซ์มีสูตรโครงสร้างทางเคมี คือ $\text{CH}_3\text{SO}_2\text{OC}_2\text{H}_5$ เป็นของเหลวใสไม่มีสี โดย C_2H_5 จะถูกถ่ายให้กับโมเลกุลของดีเอ็นเอในปฏิกิริยาแอลกิเลชัน (alkylation) อีเม็มแอกซ์สามารถเข้าทำปฏิกิริยากับเบสพิวรีนไพริมิดิน รวมทั้งหมู่ฟอสเฟตของดีเอ็นเอ โดยอีเม็มแอกซ์สามารถทำให้เกิดการกลายพันธุ์ดังวิธีการนี้ (Snustad และ Simmons, 2000)

1. ทำให้เกิดการเข้าแทนที่คู่เบส (Single base substitution) จะเกิดมากที่สุดที่ตำแหน่งที่ N-7 ของเบสกัวนีน จะเกิดเป็น 7-เอтиลกัวนีน ซึ่งสามารถจับคู่กับเบสไทมีนได้ ดังนั้นจึงเกิดการกลายพันธุ์แบบทรานซิชัน (G-C ถูกแทนที่ด้วย A-T) (ดังภาพที่ 2-3)

2. ทำให้เบสพิวรีนหลุดหายไปจากสายดีเอ็นเอ (depurination) เกิดจากหมู่เอทิลเข้าไปจับอยู่ที่เบสพิวรีน เช่น N-7 ของกัวนีน ตำแหน่ง N-3 ของอะดีนีน เป็นต้น จะเกิดการตัดขาดของพันธะเคมีที่เชื่อมระหว่างน้ำตาลกับเบส ทำให้เบสหลุดออกไปจากดีเอ็นเอ เรียกการเกิดปฏิกิริยานี้ว่า depurination และจะเกิดการซ่อมแซมดีเอ็นเอโดยกระบวนการ Base excision repair โดยการเกิดการซ่อมแซมบางครั้งจะเกิดความผิดพลาดในเบสที่แตกต่างไปจากเดิมจะทำให้เกิดการกลายพันธุ์

3. ทำให้เกิดการตัดขาดของดีเอ็นเอ เกิดจากเมื่อเบสพิวีนหลุดหายไป ทำให้น้ำตาลเกิดการไฮโดรไลซิส (hydrolysis) มีการตัดขาดของหมู่ฟอสเฟตและน้ำตาลทำให้ดีเอ็นเอขาดจากกัน ทำให้เกิดการขาดหายไปของดีเอ็นเอและเกิดการกลাযพันธุ์ในที่สุด (Drake, 1970)

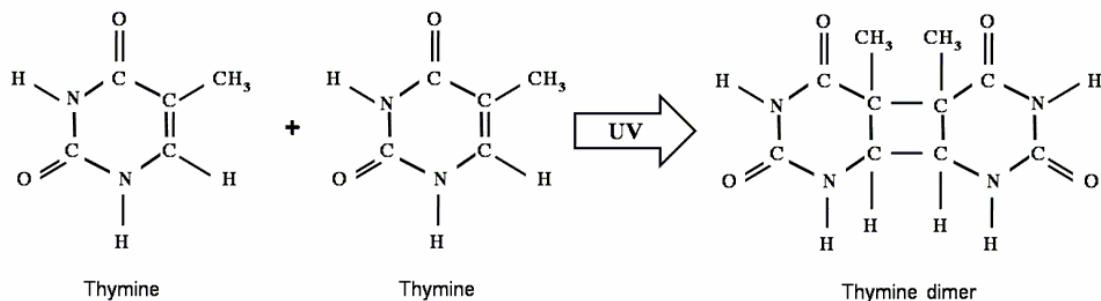


ภาพที่ 2-3 ผลของเอทิลเมทีนซัลฟอเนตต่อโมเลกุลของเบสกัวนีน (Gardner และคณะ, 1991)

2.4.3 การเหนีຍวนำให้เกิดการกลাযพันธุ์โดยใช้รังสีอัลตราไวโอเลต

รังสีอัลตราไวโอเลต (ultraviolet light) เป็นรังสีที่มีพลังงานต่ำ และเป็นชนิดที่ไม่ก่อให้เกิดการแตกตัว นิยมใช้ในจุลินทรีย์เพื่อให้เกิดการกลাযพันธุ์ เพราะไม่ทำให้เกิดการตายของจุลินทรีย์มากนัก โดยสปอร์ของจุลินทรีย์ที่ผ่านการกลাযพันธุ์ด้วยรังสีอัลตราไวโอเลตจะมีการเปลี่ยนแปลงของลักษณะภายนอกได้อย่างชัดเจน เช่นลักษณะของโคโลนี สี และอาจส่งผลให้มีการสร้างสปอร์ลดลงหรือไม่สร้างอีกเลย เมื่อแบ่งรังสีอัลตราไวโอเลตตามช่วงความยาวคลื่นจะมี 3 ชนิด ได้แก่ UV-A (320 nm-visible) UV-B (290-320 nm) และ UV-C (180-290 nm) โดย UV-C เป็นช่วงคลื่นที่นิยมนิยมนำมาใช้ในการเหนีຍวนำให้เกิดมิวเทชัน เนื่องจากมีพลังงานมากพอที่เหนีຍวนำให้เกิดสายพันธุ์กลาวยและไม่ทำให้เชื้อจุลินทรีย์ตาย (Davies, 1964; Russel, 1996) โดยส่วนใหญ่จะใช้แสงช่วงคลื่น 254-260 นาโนเมตร เนื่องจากเบสพิวีน และไพริมิดีนในสายของดีเอ็นเอกามารถดูดซับแสงได้ดีในช่วงคลื่นดังกล่าว โดยผลของการรังสีอัลตราไวโอเลตนี้จะทำให้เกิดพันธะเคมีที่ผิดปกติระหว่างเบสไพริมิดีนที่อยู่ในสายเดียวกันของดีเอ็นเอ ทำให้เกิดเป็นไทมีนไดเมอร์ (ดังภาพที่ 2-4) การเกิด ไทมีนไดเมอร์นี้จะทำให้มีผลต่อการจับคู่ปกติของไทมีนกับเบสอะดีนีน ในสายดีเอ็นเอ

ตรงข้ามกัน สายดีเอ็นเอกิດเป็นวงห่วงและทำให้เกิดพันธะ T=A ในสายตรงข้ามอ่อนตัวลง โดยปกติการเกิดมวاهันที่ทำให้เกิดไทมีนไดเมอร์นี้สามารถถูกซ่อมแซมให้กลับมาเป็นปกติเช่นเดิมได้แต่ในกระบวนการซ่อมแซมอาจเกิดการซ่อมแซมที่ผิดพลาดและความผิดพลาดนั้นส่งต่ออย่างรุนแรงไปทำให้เกิดการกลายพันธุ์ในที่สุด (วรรุณ จุฬาลักษณานุฤทธิ์, 2551)

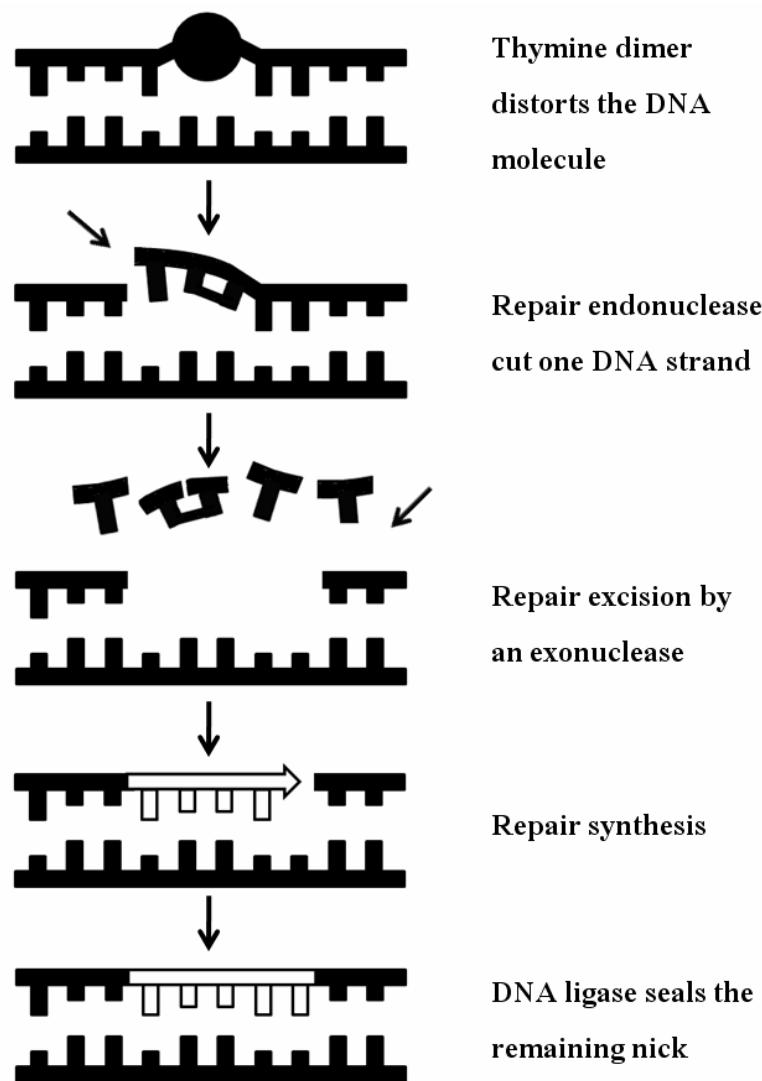


ภาพที่ 2-4 การเกิดไทมีนไดเมอร์เมื่อได้รับรังสีอัลตราไวโอเลต (Gardner และคณะ, 1991)

กระบวนการซ่อมแซมที่บวิเวณที่เกิดไดเมอร์ สามารถทำได้ 2 วิธี

1. กระบวนการซ่อมแซมที่ต้องใช้แสง (photoreactivation) โดยเอนไซม์ DNA photolyase มีหน้าที่ไปแกะตำแหน่งที่เกิดไทมีนไดเมอร์ เมื่อเอนไซม์ดูดซับแสง (ช่วงความยาวคลื่น 320-370 นาโนเมตร) โดยแสงเป็นตัวกระตุ้นให้เอนไซม์ DNA photolyase ไปแกะที่ตำแหน่งที่เกิดไดเมอร์ ทำให้มีการทำลายพันธะโคลาเลนที่ยึดเกาะระหว่างไดเมอร์ให้ขาดออกจากกัน ในกรณีที่เกิดไทมีนไดเมอร์จะทำให้ไทมีนสามารถจับคู่กับอะดีนของสายตรงข้ามได้ปกติ (Sinha และ Hader, 2002)

2. กระบวนการซ่อมแซมโดยไม่ต้องใช้แสง (dark repair หรือ excision repair) เป็นกระบวนการซ่อมแซมความผิดปกติทั่วไปของดีเอ็นเอ เริ่มจากการตัดส่วนของดีเอ็นเอที่ผิดปกติโดยเอนไซม์ endonuclease ไปจับกับไดเมอร์และจะตัดพันธะระหว่างน้ำตาลและหมู่ฟอสฟอสบริเวณก่อนถึงไดเมอร์ จากนั้นเอนไซม์ DNA polymerase I และเอนไซม์ ligase จะสังเคราะห์ดีเอ็นเอที่ถูกต้องแทนส่วนที่ตัดออกไป ซึ่งในขั้นตอนนี้อาจเกิดการเติมเบสผิดพลาดทำให้เกิดการกลายพันธุ์ (ดังภาพที่ 2-5) (Alan Jack และ John, 1999)



ภาพที่ 2-5 ขั้นตอนการซ่อมแซมโดยไม่ใช้แสงในตำแหน่งที่เกิดไทมีนไดเมอร์ของดีเอ็นเอ

การเกิดความเสียหายกับดีเอ็นเอที่ไม่รุนแรงมาก จะสามารถซ่อมแซมให้กลับมาเป็นปกติได้ในขั้นตอนการซ่อมแซมอาจเกิดความผิดพลาดขึ้นได้ การซ่อมแซมที่นำเอานิวคลิโอลิท์ที่ต่างจากเดิมเข้ามา หรือทำให้เกิดการขาดหายของดีเอ็นเอ (deletion) จะทำให้เกิดการเปลี่ยนแปลงทางพันธุกรรมที่เรียกว่าการกลายพันธุ์ แต่ถ้าเกิดความเสียหายกับดีเอ็นเอที่รุนแรงมาก และเป็นความเสียหายที่ซับซ้อนจนเซลล์ไม่สามารถซ่อมให้กลับมาเป็นปกติได้ ซึ่งอาจส่งผลให้เซลล์นั้นตายได้ (Brown, 1992)

2.4.4 การคัดเลือกสายพันธุ์กลาโหมจากการภาพความอยู่รอด (Survival curve)

ในการศึกษาการเรียนรู้นำให้เกิดมิวเทชันในสิ่งมีชีวิต โดยทั่วไปจำเป็นต้องศึกษาความสัมพันธ์ระหว่างปริมาณของมิวทาเจนและอัตราการอยู่รอดของสิ่งมีชีวิต (survival curve) ชนิดนั้น ๆ เพื่อหาปริมาณของมิวทาเจนที่เหมาะสมในการเรียนรู้นำให้เกิดการกลาโหมพันธุ์โดยทำการทดลองเบรียบเทียบระหว่างการได้รับมิวทาเจนและไม่ได้รับมิวทาเจน แล้วนับปริมาณสิ่งมีชีวิตที่สามารถมีชีวิตลดลงจากจำนวนที่ได้รับมิวทาเจน จากนั้นเขียนกราฟความอยู่รอด ซึ่งเมื่อปริมาณของมิวทาเจนเพิ่มขึ้น จำนวนของสิ่งมีชีวิตที่มีชีวิตลดลงจะน้อยลง ในสิ่งมีชีวิตแต่ละชนิดมีความไว (sensitive) ต่อมิวทาเจนแตกต่างกันขึ้นอยู่กับชนิด ปริมาณของมิวทาเจน และชนิดของสิ่งมีชีวิตแต่ละชนิดของส่วนที่นำมาเรียนรู้นำให้เกิดมิวเทชัน โดยวิธีการก่อการกลาโหมพันธุ์ด้วยมิวทาเจนชนิดต่าง ๆ จะมีการทำหนดอัตราการอยู่รอดของเชื้อเพื่อสามารถคัดแยกเชื้อที่มีโอกาสที่สูงที่จะเกิดการกลาโหมพันธุ์

2.4.5 ลักษณะสายพันธุ์กลาโหมที่นิยมใช้ศึกษาทางพันธุศาสตร์

ในการเกิดสายพันธุ์กลาโหมนั้นบางครั้งไม่มีการเปลี่ยนแปลงทางลักษณะภายนอก หรือพีโนไทป์ (phenotype) เนื่องจากเกิดมิวเทชันในบริเวณของยีนที่ไม่เกี่ยวข้องกับลักษณะพีโนไทป์โดยสายพันธุ์กลาโหมที่นิยมใช้ในการศึกษาทางลักษณะทางพันธุศาสตร์ มีดังต่อไปนี้ (Brown, 1992)

- auxotrophic mutants สายพันธุ์กลาโหมชนิดนี้จะขาดยีนที่เกี่ยวข้องกับการสังเคราะห์สารที่จำเป็นในการเจริญ เช่น กรดอะมิโน โดยสายพันธุ์กลาโหมชนิดนี้ยังสามารถเจริญได้ถ้ามีการเติมสารอาหารที่จุลทรรศ์ต้องการลงในอาหาร

- antibiotics resistance mutants สายพันธุ์กลาโหมชนิดนี้จะสามารถต้านทานยาปฏิชีวนะ (antibiotics) ได้โดยปกติจะใช้ยาปฏิชีวนะที่สามารถฆ่าหรือยับยั้งการเจริญของสายพันธุ์ตั้งต้นได้

- condition – lethal mutants สายพันธุ์กลาโหมชนิดนี้จะสามารถเจริญได้ในสภาวะที่เฉพาะเท่านั้น เช่น อาจเจริญได้ในช่วงอุณหภูมิหนึ่งเท่านั้น และจะตายเมื่อได้รับอุณหภูมิที่สูงหรือต่ำกว่านั้น

- regulatory mutants สายพันธุ์กลาโหมชนิดนี้จะสูญเสียความสามารถในการควบคุมการแสดงออก (expression) เช่น ปกติใน *E. coli* ยีน lac operon จะไม่แสดงออกเมื่อขาดแลคโตส (lactose) แต่เมื่อเกิดสายพันธุ์กลาโหมแล้ว *E. coli* จะสามารถย่อยแลคโตสได้อย่างสม่ำเสมอ และมีการสังเคราะห์เอนไซม์เพื่อย่อยแลคโตสอย่างสม่ำเสมอ แม้ว่าในระบบจะไม่มีแลคโตสก็ตาม

2.5 การเนี่ยวนำให้เกิดการกลایพันธุ์โดยใช้สารโคลชีน

การเพิ่มประสิทธิภาพการผลิตเอนไซม์หรือสารที่สนใจ นอกจากการทำให้เกิดสายพันธุ์กล้ายในส่วนของการเปลี่ยนแปลงทางพันธุกรรมแล้ว ยังมีการเนี่ยวนำให้เกิดพอลิพลอยด์เพื่อให้มีการผลิตเอนไซม์ที่เพิ่มขึ้นอีกด้วย โดยการเกิดพอลิพลอยด์นั้นอาจเกิดได้เองตามธรรมชาติ ซึ่งเกิดจากการได้รับสภาพแวดล้อมที่รุนแรงกว่าปกติ เช่น อุณหภูมิสูงหรือต่ำจนเกินไป หรือได้รับဓาตุอาหารที่สูงหรือต่ำมากจนเกินไป แต่จะพบได้น้อยมาก ทำให้มีการนำเอาสารเคมีเข้ามาช่วยทำให้มีการเพิ่มโครโมโซมได้มีหลายชนิด ได้แก่ โคลชีน, อีเทอร์, คลอโรฟอร์ม แต่สารที่ทำให้ได้ผลที่ดีและนิยมใช้กันได้แก่สารโคลชีน โดยสารโคลชีนมีคุณสมบติดังนี้

โคลชีนเป็นสารประเภทอัลคาโลยดเป็นสารไม่มีสี มีลักษณะเป็นผลึกมีสูตรโครงสร้างไมเลกุล $C_{22}H_{25}NO_6$ สามารถละลายได้ดีในแอลกอฮอล์ คลอโรฟอร์ม และน้ำเย็น เป็นสารที่เนี่ยวนำให้เกิดการเพิ่มจำนวนโครโมโซมให้เพิ่มขึ้นเป็นสองเท่าหรือมากกว่า สารโคลชีนมีคุณสมบติในการยับยั้งการสร้าง spindle fiber ในขณะที่นิวเคลียสมีการแบ่งตัวให้เซลล์หยุดอยู่ที่ระยะเมทาเฟส โดยจะเปลี่ยนรูปว่างจากลักษณะเป็นเส้น (fibriform elements) ไปเป็นลักษณะกลม (corpuscular elements) รวมตัวอยู่ที่ข้อเซลล์ ทำให้ไม่เกิดการแยกตัวของโครโมโซมออกเป็นสองส่วน เซลล์จึงมีโครโมโซมเป็นสองเท่าหรือมากกว่า เรียกว่าการเกิดพอลิพลอยด์ซึ่งสามารถส่งทอดไปสู่รุ่นต่อไปได้โดยไม่เกิดความผิดปกติ (Eigsti Dustin และ Gay-Winn, 1949) โดยสารโคลชีนจะมีผลกับเซลล์ที่กำลังแบ่งตัวเท่านั้น ที่ผ่านมาได้มีการนำสารโคลชีนมาใช้กับจุลินทรีย์ในกุ้มเชื้อราหลายชนิด โดยมากจะใช้กับเส้นใย หรือสปอร์ (แสดงตั้งตารางที่ 2-5) และมีการใช้ในพืชโดยส่วนใหญ่เป็นพืชผล และพืชดอก โดยจะใช้กับ เมล็ด ต้นอ่อน จุดเจริญของตายอด หรือตาก้าง จะใช้โคลชีนด้วยวิธีการแช่ยอด ภาชนะด และการป้าย ผลจากการใช้โคลชีนกับพืชจะพบว่าจะมีการแบ่งเซลล์ช้ากว่าปกติ แต่ผลของพืชจะมีขนาดใหญ่ขึ้น (Huskin, 1941)

ตารางที่ 2-5 ตัวอย่างเชื้อราที่มีการใช้คลอสีน

ชนิดเชื้อรา	เซลล์ที่นำมาใช้กับคลอสีน
<i>Allomyces arbuscula</i>	เส้นใย
<i>Allomyces macrogynus</i>	เส้นใย
<i>Achlya klebsiana</i>	สปอร์
<i>Comatricha niger</i>	สปอร์
<i>Didymium eunigripes</i>	สปอร์
<i>Didymium cancellatum</i>	สปอร์
<i>Fuligo septica</i>	สปอร์
<i>Hemitrichia vesparium</i>	สปอร์
<i>Saprolegnia ferax</i>	สปอร์

(Ross, 1960; Roger, 1972)

2.6 เอกสารและงานวิจัยที่เกี่ยวข้อง

Mandel James และ Richard (1971) ได้นำเชื้อ *T. viride* QM 6a มาทำให้เกิดสายพันธุ์กลาญโดยการฉาดด้วยอิเลคตรอนพลังงานสูง (18 กิโลวัตต์) และผลิตเอนไซม์โดยให้เซลลูลอลิส 0.5 เปอร์เซ็นต์ เป็นแหล่งคาร์บอน พบร้าสายพันธุ์กลาญให้ค่าเอกโซกลูคานส์ เท่ากับ 4.95 ยูนิตต่อมิลลิลิตร คิดเป็น 2.15 เท่า เมื่อเทียบกับสายพันธุ์ดังเดิมที่ได้เพียง 2.30 ยูนิตต่อมิลลิลิตร

Hayashida และ Flor (1981) ได้ทำการฉาดสายพันธุ์ *Aspergillus awamori* var. kawashi โดยใช้สปอร์มาเนี่ยวนำให้เกิดสายพันธุ์กลาญด้วยสารสารเรอินทีจี ร่วมกับการฉาดรังสี อัลตราไวโอเลต พบร้าไวโอเลต HF-10 มีการผลิตแยกทิวติของโปรดิเนส เพิ่มขึ้นจากสายพันธุ์ดังตั้น 5 เท่า และเมื่อไวโอเลต HF-15 มีการผลิตแยกทิวติของโปรดิเนสลดลงมากกว่าสายพันธุ์ดังตั้น 93 เปอร์เซ็นต์

Fennington Neubauer และ Stutzenberger (1984) ได้ทำการเนี่ยวนำให้เกิดสายพันธุ์กลาญของเชื้อ *Thermomonospora curvata* โดยใช้สารเอทิลเมเทนชัลฟenenet ร่วมกับรังสี อัลตราไวโอเลต เพื่อเพิ่มประสิทธิภาพการผลิตเอกโซกลูคานส์ และเอนโดกลูคานส์ พบร้า

ไอโซเลต G-11 มีเอกทิวิตีของเอกไซกลูคานส เท่ากับ 0.30 ยูนิตต่อมิลลิลิตร และเอนโดกลูคานส มีเอกทิวิตี เท่ากับ 36.7 ยูนิตต่อมิลลิลิตร ส่วนสายพันธุ์ตั้งต้นมีเอกทิวิตีของเอกไซกลูคานส เท่ากับ 0.26 ยูนิตต่อมิลลิลิตร และเอนโดกลูคานส มีเอกทิวิตีเท่ากับ 25.8 ยูนิตต่อมิลลิลิตร โดย เอกทิวิตีเอกไซกลูคานสสูงจากสายพันธุ์ตั้งต้น 1.15 เท่า และเอกทิวิตีเอนโดกลูคานส สูงจากสายพันธุ์ตั้งต้น 1.42 เท่า

Sheir-Neiss และ Montenecourt (1984) ได้ทำการเหนี่ยวนำให้เกิดสายพันธุ์กล้ายกับ สปอร์ของเชื้อ *T. reesei* QM 6a เพื่อเพิ่มการผลิตเซลลูโลส โดยใช้รังสีอัลตราไวโอเลต และสารสารเอ็นทีจี โดยไอโซเลต *T. reesei* Rut-C30 ได้จากการเหนี่ยวนำให้เกิดสายพันธุ์กล้ายด้วยสารเอ็นทีจี และ *T. reesei* RL-P37 ได้จากการเหนี่ยวนำให้เกิดสายพันธุ์กล้ายด้วยสารเอ็นทีจี ร่วมกับ การใช้รังสีอัลตราไวโอเลต พบว่า *T. reesei* Rut-C30 มีค่าเอกทิวิตีจำเพาะของเอกไซกลูคานส เท่ากับ 0.73 ยูนิตต่อมิลลิกรัมโปรตีน สูงกว่าสายพันธุ์ตั้งต้น 1.04 เท่า และเอนโดกลูคานส มีค่าเอกทิวิตีเท่ากับ 31.4 ยูนิตต่อมิลลิกรัมโปรตีน สูงกว่าสายพันธุ์ตั้งต้น 2.62 เท่า ส่วนไอโซเลต *T. reesei* RL-P37 มีค่าเอกทิวิตีจำเพาะของเอกไซกลูคานส เท่ากับ 1.14 ยูนิตต่อมิลลิกรัมโปรตีน สูงกว่าสายพันธุ์ตั้งต้น 1.63 เท่า และเอนโดกลูคานส มีค่าเอกทิวิตีเท่ากับ 44.7 ยูนิตต่อมิลลิกรัมโปรตีน สูงกว่าสายพันธุ์ตั้งต้น 3.73 เท่า โดยใช้ 5 เปอร์เซ็นต์ Solka floc เป็นแหล่งคาร์บอน ในขณะที่ *T. reesei* QM 6a มีค่าเอกทิวิตีจำเพาะของเอกไซกลูคานส เท่ากับ 0.7 ยูนิตต่อมิลลิกรัมโปรตีน และเอนโดกลูคานส มีค่าเอกทิวิตีเท่ากับ 12.0 ยูนิตต่อมิลลิกรัมโปรตีน

Durand และ Clanet (1987) ได้ทำการเหนี่ยวนำให้เกิดสายพันธุ์กล้ายกับสปอร์ของเชื้อ *T. reesei* QM 9114 ด้วยสารเอ็นทีจี อีเอ็มเอส และกรดไนตรัส โดยเลือกที่ความอุ่นรอดของเชื้อ 5-20 เปอร์เซ็นต์ พบว่าไอโซเลต CL 11 มีค่าเอกทิวิตีของเอกไซกลูคานส เท่ากับ 2.5 ยูนิตต่อมิลลิลิตร และมีเอกทิวิตีของเบตา-กลูโคซิเดส เท่ากับ 0.2 ยูนิตต่อมิลลิลิตร ส่วนสายพันธุ์ตั้งต้นมีค่าเท่ากับ 1.0 ยูนิตต่อมิลลิลิตร และ 0.1 ยูนิตต่อมิลลิลิตร ตามลำดับ ซึ่งสายพันธุ์กล้ายให้ค่าเอกทิวิตีมากกว่าสายพันธุ์ตั้งต้น 2.5 เท่าของเอกไซกลูคานส และมากกว่าสายพันธุ์ ตั้งต้น 2 เท่า ในเบตา-กลูโคซิเดส โดยใช้ 2 เปอร์เซ็นต์เซลลูโลสเป็นแหล่งคาร์บอน

Gokhale และคณะ (1988) ได้ทำการเหนี่ยวนำให้เกิดสายพันธุ์กล้ายกของเชื้อ *Aspergillus niger* NCIM 1207 ด้วยรังสีอัลตราไวโอเลต โดยใช้กับสารละลายสปอร์ที่ความเข้มข้น 10^6 สปอร์ต่อมิลลิลิตร เลือกเชื้อที่มีอัตราการตายมากกว่า 80 เปอร์เซ็นต์ ทำการวัดเอกทิวิตีเอนไซม์ 3 ชนิด

ได้แก่ เอนโดกลูคานส์ ไซแอลนเนส และเบตา-กลูโคซิเดส พบร่วมกับพันธุ์ตั้งต้นมีเอกพิวตี เท่ากับ 0.46, 1.6 และ 0.19 ยูนิตต่อมิลลิตร ตามลำดับ โดยที่ไอโซเลต UV-52 มีเอกพิวตีเท่ากับ 0.75, 14.0 และ 5.0 ยูนิตต่อมิลลิตร ซึ่งมากกว่าสายพันธุ์ตั้งต้น 1.63, 8.75 และ 26.32 เท่าตามลำดับ

Kuhad Kumer และ Singh (1994) ได้ทำการเหนี่ยวนำให้เกิดการกลยุทธ์ของสารละลายสปอร์ในเชื้อ *Fusarium oxysporum* โดยใช้รังสีอัลตราไวโอเลต ที่มีกำลังของหลอด 6 วัตต์ เป็นเวลา 5-30 นาที ร่วมกับการใช้ 100 ไมโครกรัมต่อมิลลิลิตร สารเอ็นทีจีเป็นเวลา 30-60 นาที มีการผลิต เอกไซกลูคานส์ เอนโดกลูคานส์ และเบตา-กลูโคซิเดส คิดเป็น 2.89, 2.3 และ 4.25 เท่า ตามลำดับ ของสายพันธุ์ตั้งต้น

Sarangbin และคณะ (1994) ได้ทำการเหนี่ยวนำให้เกิดโพลิพลอยด์โดยการใช้ 0.3 เปอร์เซ็นต์ สารคลอชีนในเชื้อ *Aspergillus niger* WU-2223L เพื่อเพิ่มประสิทธิภาพการผลิตกรดซีตริกพบว่าสามารถทำให้มีการผลิตกรดซีตริกได้มากกว่าสายพันธุ์ตั้งต้นถึง 1.4 เท่า

Gadgil และคณะ (1995) ได้ทำการเหนี่ยวนำให้เกิดสายพันธุ์กลยุทธ์ของ *T. reesei* QM 9414 โดยใช้ NaNO_2 ที่ความเข้มข้น 1 มิลลิกรัมต่อมิลลิลิตร ร่วมกับการใช้รังสีอัลตราไวโอเลตที่ช่วงความยาวคลื่น 180-210 นาโนเมตร กำลัง 450 วัตต์ กับสารละลายสปอร์ พบร่วม มีเอกพิวตีของเอกไซกลูคานส์ เอนโดกลูคานส์ และเบตา-กลูโคซิเดส เป็น 0.54 ± 0.11 , 6.50 ± 1.30 และ 0.32 ± 0.06 ยูนิตต่อมิลลิลิตร ตามลำดับ ซึ่งมากกว่าสายพันธุ์ตั้งต้น 1.5, 1.81, 1.07 เท่า ตามลำดับ

Chand และคณะ (2004) ได้ทำการเหนี่ยวนำให้เกิดสายพันธุ์กลยุทธ์กับสปอร์ของ *Trichoderma* sp. และ *Aspergillus* sp. ด้วย 100 ไมโครกรัมต่อมิลลิลิตร ของเอ็นดีเย็มบอร์เมด 200 ไมโครกรัมต่อมิลลิลิตร ของสารเอ็นทีจี และรังสีอัลตราไวโอเลตโดยใช้เวลาในการฉายรังสี 30 นาที พบร่วมไอโซเลต CMV1-A3 ซึ่งเป็นเชื้อ *Trichoderma* สายพันธุ์กลยุทธ์ โดยมีเอกพิวตีของเอกไซกลูคานส์ เท่ากับ 0.275 ไมโครโมลต่อมิลลิลิตร ในเวลา 1 นาที โดยมากกว่าสายพันธุ์ตั้งต้น 2.02 เท่า และไอโซเลต CMV5-A10 ซึ่งเป็นเชื้อ *Aspergillus* สายพันธุ์กลยุทธ์ โดยมีเอกพิวตีของเอกไซกลูคานส์เท่ากับ 0.411 ไมโครโมลต่อมิลลิลิตร ในเวลา 1 นาที มากกว่าสายพันธุ์ตั้งต้น 2.02 เท่า

Rajoka (2005) ได้ทำการเหนี่ยวนำให้เกิดการกลایพันธุ์ของเชื้อ *Cellulomonas biazotea* โดยใช้สารเอนทีจีที่ความเข้มข้น 200 ไมโครกรัมต่อมิลลิลิตร และสารอีเม็มเอสที่ระดับความเข้มข้น 160 ไมโครกรัมต่อมิลลิลิตร ที่ทำให้เชื้อที่มีอัตราการตาย 90 เปอร์เซ็นต์ พบร่วงตัวตีนของไซแพนเนส เบตา-ไซโลซิเดส เอกไซกูลูคานेस เบตา-กลูโคซิเดส และเอนโดกลูคานे�ส เท่ากับ 451, 98, 80, 95 และ 143 ยูนิตต่อลิตร ในเวลา 1 ชั่วโมง ตามลำดับ มีค่าเพิ่มขึ้นเมื่อเทียบกับสายพันธุ์ดั้งเดิมมีเพียง 387, 17, 20, 6 และ 38 ยูนิตต่อลิตร ในเวลา 1 ชั่วโมง ตามลำดับ

Adsul และคณะ (2007) ได้ทำการทดลองเห็นว่ามีการเกิดสายพันธุ์กล้ายของ *Penicillium janthinellum* NCIM 1171 โดยใช้สารอีโคเมกอสที่ระดับความเข้มข้น 2 มิลลิกรัมต่อ มิลลิตร ในความเข้มข้นสารละลายน้ำ 10⁷ สปอร์ต่อ มิลลิลิตร ปริมาณ 10 มิลลิลิตร และกล้าย พันธุ์นี้ด้วยรังสีอัลตราไวโอลेटเป็นเวลา 3 นาที พบว่ามีเอกพิวตีของ เอกโซกลูคานส์ เอกโนโดกลูคานส์ เปตา-กลูโคซิเดส และไซแอลนเนส เป็น 3.4, 97, 6.1, 225 ยูนิตต่อ มิลลิลิตร ตามลำดับ โดยมากกว่าสายพันธุ์ตั้งต้นคิดเป็น 2.26, 2.52 และ 1.34 เท่า ส่วนเปตา-กลูโคซิเดส น้อยกว่าสายพันธุ์ตั้งต้น 0.9 ยูนิตต่อ มิลลิลิตร

บทที่ 3

วัสดุอุปกรณ์ สารเคมี และวิธีดำเนินการวิจัย

วัสดุอุปกรณ์

กล้องจุลทรรศน์ (microscopes)	(Olympus, Japan)
กระดาษกรองเบอร์ 1	(Whatmann)
เครื่องเขย่าควบคุมอุณหภูมิ (shaking incubator)	(Vision Scienctific, Korea)
เครื่องกวนแท่งแม่เหล็ก (magnetic stirrer)	(Barnstead, U.S.A.)
เครื่องวัดความเป็นกรดด่าง (pH meter)	(Sartorius, Germany)
เครื่องปั่นเยื่อง (refrigerated centrifuge)	(Hettich, Germany)
เครื่องขั้ง 2 ตำแหน่ง รุ่น BJ 1000C	(Precisa, Switzerland)
เครื่องขั้ง 4 ตำแหน่ง รุ่น AG285	(Mettler Toledo, USA)
เครื่องนึ่งอบฆ่าเชื้อความดันสูง (autoclave)	(Sturdy industrial, Taiwan)
เครื่องดูดสารแบบสูญญากาศ (suction)	(GAST, U.S.A.)
เครื่องเขย่าผสมสาร (vortex mixer)	(Vision Scienctific, Korea)
เครื่องกำเนิดรังสีอัลตราไวโอเลต	(Vilber lourmat, Germany)
เครื่องตรวจสอดลำดับดีเอ็นเอ ยีห้อ ABI รุ่น 3100	(Applied Biosystem U.S.A.)
เครื่องตัดจุกคอร์ก เบอร์ 7 ขนาดเส้นผ่านศูนย์กลาง 4 มิลลิเมตร (cork borer)	
เครื่องตัดจุกคอร์ก เบอร์ 10 ขนาดเส้นผ่านศูนย์กลาง 8 มิลลิเมตร (cork borer)	
ตู้ปั่นเชื้อ (incubator)	(EHRET, Germany)
ตู้อบฆ่าเชื้อ (hot air oven)	(Mammert, Germany)
ตู้ปลอดเชื้อ (laminar flow)	(Clean model, Lab service Ltd)
เครื่องควบคุมอุณหภูมิในน้ำ (water bath)	(Memmert, Germany)
เครื่องอ่านไมโครเพลท (microplate reader)	(Anthos Labtec Instruments GmbH, Austria)
หลอดรังสีอัลตราไวโอเลต	(Sylvania, Japan)
อุปกรณ์นับเม็ดเลือด (haemacytometer)	(Brand, Germany)

สารเคมี

กรดบอริก (bolic acid)	(Fluka, Switzerland)
กรดแอสคอร์บิก (ascorbic acid)	(Sigma, U.S.A.)
กลูโคส (glucose)	(Fisher scientific, UK)
คลอร์ฟอร์ม (chloroform)	(Labscan, Thailand)
โคลชิซีน (Colchicine)	(Fluka, Switzerland)
แคลเซียมคลอไรด์ไฮเดรต ($\text{CaCl}_2 \cdot 2\text{H}_2\text{O}$)	(Merck, Germany)
โคบัลต์คลอไรด์ไฮดราซีนไฮเดรต ($\text{CoCl}_2 \cdot 6\text{H}_2\text{O}$)	(Univar, Australia)
ซิงค์ชัลเฟตไฮเปทาไฮเดรต ($\text{ZnSO}_4 \cdot 7\text{H}_2\text{O}$)	(Scharlau, Spain)
โซเดียมคลอไรด์ (NaCl)	(Univar, Australia)
3-โซเดียมซิเทรต (tri-sodium citrate)	(Univar, Australia)
โซเดียมคาร์บอเนต (Na_2CO_3)	(Univar, Australia)
โซเดียมเมท้าไบปัลลไฟฟ์ ($\text{Na}_2\text{S}_2\text{O}_5$)	(Univar, Australia)
โซเดียมไฮดรอกไซด์ (NaOH)	(Univar, Australia)
ชิ้นส่วนดีเอ็นเอมาตรฐานขนาด 1 kb	(SibEnzyme, U.S.A.)
ไดโพแทสเซียมไฮดรเจนฟอสเฟต (K_2HPO_4)	(Scharlau, Spain)
ไตรตอน เอกซ์-100 (Triton x-100)	(Scharlau, Spain)
ทวีน-80 (Tween 80)	(Merck, Germany)
โบวีนซีรัมอัลบูมิน (bovine serum albumin = BSA)	(Merck, Germany)
เพปตไน (peptone)	(Scharlau, Spain)
โพแทสเซียมไฮดรเจนฟอสเฟต (KH_2PO_4)	(Univar, Australia)
โพแทสเซียมโซเดียมทาร์ตราต ($\text{C}_4\text{H}_4\text{KNaO}_6 \cdot 4\text{H}_2\text{O}$)	(Univar, Australia)
โฟลินฟีโนลรีเอเจนท์ (folin phenol reagent)	(Carlo Erba, Italy)
ฟีโนล ($\text{C}_6\text{H}_5\text{OH}$)	(Merck, Germany)
แมงกานีสชัลเฟตมอนไฮเดรต ($\text{MnSO}_4 \cdot \text{H}_2\text{O}$)	(Univar, Australia)
แมงกานีสโซเดียมคลอไรด์ (MgCl_2)	(Fermentas, USA)
แมงกานีสชัลเฟตไฮเปต้าไฮเดรต ($\text{MgSO}_4 \cdot 7\text{H}_2\text{O}$)	(Merck, Germany)
2-เมอร์แคปโตเอทานอล (2-Mercaptoethanol)	(Sigma, U.S.A.)
ยูเรีย (NH_2CONH_2)	(Univar, Australia)

กุ้นผง (agar)	(กุ้นบริสุทธิ์, ประเทศไทย)
สารละลายน้ำฟอลิโนฟีนอลรีเอเจนท์ (folin phenol reagent)	(Carlo Erba, Italy)
สารสกัดจากเชื้อรา (yeast extract)	(Hi media, India)
สีเย็บมดคนโกเรด (Congo red)	(Fluka, Switzerland)
สีเย็บมดแลตโตฟีนอล คอตตอนบลู (lactophenol cotton blue)	(Sigma, U.S.A.)
อะgarose (agarose)	(Sigma, U.S.A.)
เอทธิลเมทานัลโซเฟโนเนต (ethylmethanesulfonate = EMS)	(Sigma, U.S.A.)
เอนไซม์ย่อยอาชีวเอนไซม์ (RNase)	(Fermentas, USA)
เอทานอล 95 เปอร์เซ็นต์ (C_2H_5OH)	(องค์การสุขา กรมสรรพากร, ประเทศไทย)
เอทานอล 99.9 เปอร์เซ็นต์ (absolute ethanol)	(Merck, Germany)
เอธิดิเมียมบอร์มาيد (ethidium bromide)	(Fermentas, USA)
แอมฟ็อกวอริซิน บี (amphotericin B: $C_{47}H_{73}NO_{17}$)	(Bristol-Myers Squibb, France)
แอมโมเนียมซัลเฟต ($(NH_4)_2SO_4$)	(Scharlau, Spain)
แอลfa-เซลลูโลส (α -cellulose)	(Sigma, U.S.A.)
ไอรอนซัลเฟตไฮเดรต ($FeSO_4 \cdot 7H_2O$)	(Univar, Australia)
ไอโซเอมิล แอลกอฮอล์ (isoamyl alcohol)	(Merck, Germany)
D-Salicin ($C_{13}H_{18}O_7$)	(Fluka, Switzerland)
Carboxymethylcellulose (CMC)	(Fluka, Switzerland)
3,5-Dinitrosalicylic acid (DNS)	(Fluka, Switzerland)
Potato Dextrose Agar (PDA)	(Difco Laboratories, U.S.A.)
Potato Dextrose Broth (PDB)	(Hi media, India)
Polyethylene glycol 6000 (PEG)	(Fluka, Switzerland)
CTAB (Cetyltrimethylammonium bromide)	(Merck, Germany)
EDTA (ethylenediamine tetraacetic acid)	(Merck, Germany)
Deoxy ribonucleoside triphosphate (dNTP)	(Fermentas, USA)
Taq Buffer	(Fermentas, USA)
Taq Polymerase	(Fermentas, USA)

วิธีการดำเนินงานวิจัย

3.1 ศึกษาลักษณะทางสัณฐานวิทยา

ศึกษาลักษณะทางสัณฐานวิทยา ของเชื้อ *T. reesei* TISTR 3081 (ได้จากสถาบันวิจัยวิทยาศาสตร์และเทคโนโลยี) ทำการศึกษาลักษณะเส้นใยและสปอร์ภายในตัวกล้องจุลทรรศน์ บนอาหารเลี้ยงเชื้อแพะ PDA (Potato Dextrose Agar) โดยใช้มีดผ่าตัดตัดอาหารเลี้ยงเชื้อแพะ PDA ขนาด 0.5×0.5 เซนติเมตร นำไปวางบนสไลด์ และนำไปวางในจานแก้วที่มีแผ่นแก้วสามเหลี่ยม และนำกลับที่ผ่านการฆ่าเชื้อแล้ว จากนั้นเย็บเข็มไปวางด้านขอบทั้งสี่ด้านของอาหารแพะ นำไปบ่มที่ 26 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 1-3 วัน นำขึ้นรุ่นออก และนำสไลด์มาหยอดตัวกล้องสีข้อมูลค์ฟีโนลคอตตอนบลู (Lactophenol cotton blue) แล้วนำไปส่องภายใต้กล้องจุลทรรศน์และถ่ายรูปภายใต้กล้องจุลทรรศน์

3.2 เนี่ยวนำให้เกิดการกลایพันธุ์ด้วยสารอีเม็มเอส

- ทำการเนี่ยวนำให้เกิดการกลایพันธุ์ด้วยอีเม็มเอส (ethylmethanesulfonate) โดยใช้วิธีของ Tan และคณะ (2003) ทำการเตรียมสารแขวนลอยสปอร์โดยการเลี้ยงเชื้อราบนอาหารกึ่งแข็งแพะ PDA เป็นเวลา 7 วัน เติมสารละลายฟอกสเปษบัฟเฟอร์ พีเอช 7.0 และทวีน-80 ในอัตราส่วน 5,000:1 เขย่าเพื่อให้สปอร์หลุดออกจากนา นำมากรองด้วยสำลีเพื่อคัดแยกเส้นใยออก นำสารแขวนลอยสปอร์ถ่ายใส่ฟลาสก์ขนาด 250 มิลลิลิตร นำไปเขย่าที่ความเร็ว 200 รอบต่อนาที เป็นเวลา 30 นาที เพื่อให้สปอร์แยกออกจากกัน หลังจากนั้นทำการเนี่ยวนำให้เกิดการกลัยพันธุ์ด้วยสารอีเม็มเอส โดยนำสารแขวนลอยสปอร์ที่มีสปอร์ 10^5 - 10^6 สปอร์ต่อ มิลลิลิตร (นับภายใต้กล้องจุลทรรศน์ด้วยอุปกรณ์นับเม็ดเลือด) มาใส่ในหลอดทดลองที่มีสารอีเม็มเอสที่ผ่านการฆ่าเชื้อ ที่ความเข้มข้นต่าง ๆ ได้แก่ 0, 0.12, 0.24, 0.36, 0.48, 0.60, 0.72 และ 0.84 กรัมต่อมิลลิลิตร ลงในหลอดทดลองโดยทำการทดลอง 3 ชั้น นำไปบ่มที่ 30 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 30 นาที สภาวะเขย่าที่ความเร็ว 150 รอบต่อนาที เพื่อให้สปอร์สัมผัสกับสารอีเม็มเอสอย่างทั่วถึง นำสารแขวนลอยสปอร์ที่ได้รับสารอีเม็มเอสแต่ละความเข้มข้นมา 100 ไมโครลิตร และทำการเจือจางสารแขวนลอยสปอร์ด้วยวิธี 10-fold serial dilution ตั้งแต่ 10^{-1} - 10^{-5} เท่า นำแต่ละความเข้มข้นมา 100 ไมโครลิตร จากนั้นเกลี่ยบนอาหารเลี้ยงเชื้อกึ่งแข็ง PDA บ่มที่ 26 องศาเซลเซียสเป็นเวลา 24 ชั่วโมง นับจำนวนสปอร์ที่อยู่รอด เพื่อนำไปสร้างกราฟความอยู่รอด (survival curve) และนำไป

คำนวนหาความเข้มข้นที่เหมาะสมที่ใช้สำหรับการคัดเลือก และทำการคัดแยกโคลนีลงเลี้ยงบนอาหารกึ่งแข็ง PDA นำไปบ่มที่ 26 องศาเซลเซียส

2. ทดสอบความสามารถในการผลิตเซลลูเลสขั้นต้นบนอาหารกึ่งแข็ง CMC agar

นำเชื้อราที่ได้จากข้อ 3.2.1 ที่เลี้ยงลงบนอาหารกึ่งแข็ง PDA เป็นเวลา 3 วัน ตัดป้ายเส้นใหญ่โดยร์เบอร์ 7 ขนาดเส้นผ่าศูนย์กลาง 4 มิลลิเมตร และย้ายมาเลี้ยงบนอาหารเลี้ยงเชื้อ CMC agar โดยบ่มเชื้อราที่อุณหภูมิ 26 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 5 วัน ราดทับด้วย 1 เปอร์เซ็นต์ของ congo red ทึ้งไว้ 20 นาที แล้วล้างออกด้วย 1 มิลาร์ โซเดียมคลอไครด์ ล้างซ้ำจนกระทั่งสีของ congo red จะไปจะปะรากภูงใส จากนั้นวัดขนาดความกว้างของวงใส และความกว้างของโคลนีนำไปอัตราส่วนระหว่างความกว้างของโคลนีกับความกว้างของวงใส ทำการคัดเลือก ไอโซเลตที่มีอัตราส่วนระหว่างความกว้างของโคลนีต่อความกว้างของวงใสที่มีค่าเข้าใกล้ศูนย์เพื่อเทียบกับสายพันธุ์ตั้งต้น

3. ทดสอบความสามารถในการผลิตเซลลูเลสในอาหารเหลว Mandels' medium

นำเชื้อราที่คัดเลือกได้ไปเลี้ยงบนอาหารกึ่งแข็ง PDA เป็นเวลา 7 วัน หลังจากนั้นตัดป้ายเส้นใหญ่โดยร์เบอร์ 10 ขนาดเส้นผ่าศูนย์กลาง 8 มิลลิเมตร ทำการผลิตเซลลูเลสโดยใช้อาหารเหลวสูตร Mandels' medium ปริมาณ 20 มิลลิลิตร ลงในฟลาสก์ขนาด 50 มิลลิลิตร ปรับพีเอชเท่ากับ 5.0 นำไปนึ่งฆ่าเชื้อ ทำการถ่ายเชื้อ และบ่มเชื้อในสภาวะเยี่ยงที่ความเร็ว 150 รอบต่อนาที อุณหภูมิ 30 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 7 วัน แล้วเก็บตัวอย่างมาปั่นให้ละเอียด 9,000 รอบต่อนาที อุณหภูมิ 4 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 30 นาที นำส่วนในมาวัดแยกทิวิติของเอนไซม์ที่ในกลุ่มของเซลลูเลส ดังนี้ คือวัดแยกทิวิติของ exoglucanase ด้วยวิธี filter paper assay (Ghose, 1987) โดยใช้กระดาษกรอง Whatman เบอร์ 1 เป็นสารตั้งต้น วัดแยกทิวิติของ endoglucanase ด้วยวิธี carboxymethyl cellulase assay (Ghose, 1987) โดยใช้ carboxymethylcellulose (CMC) เป็นสารตั้งต้นและวัดแยกทิวิติของเบตา-กลูโคซิเดส ใช้วิธีของ Sternberg, Vijayakumar และ Reese (1977) โดยใช้ salicin เป็นสารตั้งต้น (ภาคผนวก ๑) (กำหนดให้ 1 หน่วยเอนไซม์ คือปริมาณของเอนไซม์ที่สามารถย่อยสลายสารตั้งต้นให้เป็นน้ำตาลรีดิวช์ 1 ไมโครโมล ในเวลา 1 นาที โดยใช้น้ำตาลกลูโคสเป็นน้ำตาลมาตรฐาน) และหาปริมาณโปรตีนโดยใช้วิธี Micro Lowry's assay โดยใช้วิธีของ Held และ Hurley (2001) และวัดค่าการดูดกลืนแสงที่ 650 นาโนเมตร โดยใช้บีโกร์ฟีรัมอลบูมิน (BSA) เป็นสารละลายมาตรฐาน (ภาคผนวก ๑) และนำค่าน้ำตาลรีดิวช์และค่าโปรตีนที่ได้ไปคำนวนหาปริมาณแยกทิวิติจำเพาะในหน่วยมิลลิกรัมโปรตีน

3.3 เนี่ยวนำให้เกิดการกลยพันธุ์ด้วยรังสีอัลตราไวโอเลต

3.3.1 กลยพันธุ์ด้วยรังสีอัลตราไวโอเลตของไอโซเลต EMS11

3.3.2 กลยพันธุ์ด้วยรังสีอัลตราไวโอเลตของไอโซเลต EMS45

นำไอโซเลต EMS11 และ EMS45 มาทำการเตรียมสารแขวนลอยสปอร์โดยการเลี้ยงเชื้อราบนอาหารกึ่งแข็ง เช่น PDA เป็นเวลา 7 วัน เติมสารละลายฟอกสบับเฟอร์ พีเอช 7.0 และทวิน-80 ในอัตราส่วน 5,000:1 เขย่าเพื่อให้สปอร์หลุดออกจาก การองด้วยสำลีเพื่อคัดแยกเส้นใยออก นำสารแขวนลอยสปอร์ถ่ายใส่ ฟลาสก์ขนาด 250 มิลลิลิตร นำไปเขย่าที่ความเร็ว 200 รอบต่อนาที เป็นเวลา 30 นาที เพื่อให้สปอร์แยกออกจากกัน หลังจากนั้นทำการเนี่ยวนำให้เกิดการกลยพันธุ์ด้วยสารอีโค้มекс โดยนำสารแขวนลอยสปอร์ที่มีสปอร์ 10^5 - 10^6 สปอร์ต่อมิลลิลิตร (นับด้วยอุปกรณ์นับเม็ดเลือด) ทำโดยการดูดสารแขวนลอยสปอร์ที่ผ่านการกรองเส้นใยออกปริมาตร 4 มิลลิลิตร ลงในจานเพาะเชื้อแก้วที่ผ่านการฆ่าเชื้อขนาดเส้นผ่าศูนย์กลาง 5 เซนติเมตร นำไปวางในตู้ซ้ายรังสีอัลตราไวโอเลตที่กำหนดระยะเวลาห่างระหว่างแหล่งกำเนิดรังสีกับจานเพาะเชื้อเป็นระยะ 20 เซนติเมตร ทำการฉายรังสีอัลตราไวโอเลตกำลัง 10 วัตต์ จำนวน 5 หลอด โดยเปิดฝ้าจานเพาะเชื้อออกเพื่อให้สปอร์ได้รับรังสีโดยตรง ขณะทำการฉายรังสีทำการปั่นกวณโดยแท่งแม่เหล็กตลอดเวลา เพื่อให้สปอร์ได้รับรังสีอย่างทั่วถึง ในช่วงระยะเวลาต่าง ๆ ได้แก่ 0, 2, 4, 6, 8 และ 10 นาที นำจานเพาะเชื้อไปปั่นในที่มีดเป็นเวลา 36 ชั่วโมง จากนั้นนำสารแขวนลอยสปอร์ 100 ไมโครลิตร ของแต่ละระยะเวลา ทำการเจือจางสารแขวนลอยสปอร์ด้วยวิธี 10-fold serial dilution ตั้งแต่ 10^{-1} - 10^{-5} เท่า นำแต่ละความเข้มข้นมา 100 ไมโครลิตร เกลี่ยลงบนอาหารเลี้ยงเชื้อกึ่งแข็ง PDA บ่มที่ 26 องศาเซลเซียสเป็นเวลา 24 ชั่วโมง นับจำนวนสปอร์ที่อยู่รอด เพื่อนำไปสร้างกราฟความอยู่รอด (survival curve) และคัดแยกโคลินีที่ขึ้นเดี้ยงบนอาหารแข็ง กึ่ง PDA ทดสอบความสามารถในการผลิตเซลลูเลสขั้นต้นบนอาหารกึ่งแข็ง CMC agar ทำเช่นเดียวกับ 3.2 ข้อ 2 และทดสอบความสามารถในการผลิต เซลลูเลสในอาหารเหลว Mandels' medium ทำเช่นเดียวกับ ข้อ 3.2 ข้อ 3

3.4 ทดสอบความต้านทานยาปฏิชีวนะเพื่อใช้คัดเลือกสายพันธุ์กลย

เพื่อคัดเลือกเชื้อสายพันธุ์กลย ทำการทดสอบความต้านทานต่อสารปฏิชีวนะ โดยนำเชื้อที่เนี่ยวนำให้เกิดการกลยพันธุ์ด้วยสารอีโค้มекс และเชื้อราสายพันธุ์ตั้งต้นมาเลี้ยงบนอาหาร

เลี้ยงเชื้อกึ่งแข็ง PDA เป็นเวลา 7 วัน ถ่ายเชื้อด้วยใช้คอร์กเบอร์ 10 ขนาดเส้นผ่าศูนย์กลาง 8 มิลลิเมตร เจาะปลายเส้นไถายลงอาหารเลี้ยงเชื้อกึ่งแข็ง PDA ที่มีแอมโมนิฟเทอโรชิน ปี ระดับความเข้มข้นที่ 0-50 ไมโครกรัมต่อมิลลิลิตร นำไปบ่มที่ 26 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 7 วัน ทำการรัดขนาดเส้นผ่าศูนย์กลางโคลนี นำไปสร้างกราฟ และเลือกความเข้มข้นของสารปฏิชีวนะที่สามารถนำรากสายพันธุ์ตั้งต้น เพื่อคัดเลือกสายพันธุ์โดย

3.5 ศึกษาเปรียบเทียบทางสัณฐานวิทยาของ *T. reesei* TISTR 3081 และ E45-UV26

ศึกษาลักษณะภายนอก ของเชื้อ *T. reesei* TISTR 3081 เปรียบเทียบกับ E45-UV26 โดยเลี้ยงเชื้อสายพันธุ์ตั้งต้น และ E45-UV26 บนอาหารกึ่งแข็ง PDA เป็นเวลา 7 วัน นั้นตัดปลายเส้นไถวยคอร์กเบอร์ 10 ขนาดเส้นผ่าศูนย์กลาง 8 มิลลิเมตร มาลงเลี้ยงบนอาหารกึ่งแข็ง PDA โดยใช้มีดผ่าตัดตัดอาหารเลี้ยงเชื้อกึ่งแข็ง PDA ขนาด 0.5×0.5 เซนติเมตร นำไปวางบนสไลเดอร์ และนำไปวางในจานแก้วที่มีแท่งแก้วสามเหลี่ยมและน้ำกลันที่ผ่านการฆ่าเชื้อแล้ว จากนั้นเยียเงือไปวางด้านขอบหังสีด้านของอาหารแข็ง นำไปบ่มที่ 26 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 1-3 วัน นำขึ้นวุ่นออก และนำสไลด์มาหยดด้วยสีย้อมแลคโตฟีโนลดอนบลู (Lactophenol cotton blue) และนำไปส่องภายใต้กล้องจุลทรรศน์และถ่ายรูปภายใต้กล้องจุลทรรศน์

3.6 เปรียบเทียบลำดับเบสของยีน *cbh 1* และ *cbh2* ระหว่าง *T. reesei* TISTR 3081 กับ E45-UV26

1. สถิติคุณภาพของ *T. reesei* TISTR 3081 กับ E45-UV26

โดยนำเส้นไยรากมาสถิติคุณภาพโดยวิธี Cetyltrimethylammonium bromide (CTAB) ของ Zhou, Miwa และ Hogetsu (1999) โดยใช้กรงบดเซลล์พร้อมเติมไนโตรเจนเหลวบดจนกว่าเซลล์จะแตก เติมสารละลาย washing buffer ปริมาตร 1,000 ไมโครลิตร บดต่อไปอีกเล็กน้อย หลังจากนั้นถ่ายลงในหลอดไมโครเซ็นติเพิร์ฟิวจ์ (microcentrifuge tube) ขนาด 1.5 มิลลิลิตร ปั่นเรียบที่ความเร็ว 15,000 รอบต่อนาที เป็นเวลา 3 นาที เทของเหลวส่วนบนทิ้ง เติมสารละลาย washing buffer ปริมาตร 1,000 ไมโครลิตร และปั่นเรียบซ้ำเพื่อล้างตัวอย่างจนของเหลวส่วนบนใส เติมสารละลาย 2X CTAB lysis buffer (ภาชนะ ข) ปริมาตร 700 ไมโครลิตร บ่มที่อุณหภูมิ 65 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 1 ชั่วโมง เติมสารละลายคลอร์ฟอร์ม/ไอโซเออมิล แอลกอฮอล์ (chloroform / isoamyl alcohol) ในอัตราส่วน 24:1 (v/v) (ภาชนะ ข) ปริมาตร 700 ไมโครลิตร

ผสมให้เข้ากันโดยใช้เครื่องเขย่าผสมสาร (vortex) ปั่นเหวี่ยงที่ความเร็ว 15,000 รอบต่อนาที เป็นเวลา 8 นาที ถ่ายส่วนใสที่อยู่ขั้นบนใส่ในหลอดไมโครเซ็นทริฟิกหลอดใหม่ เติมสารละลายคลอโรฟอร์ม/ไอโซเอมิล แอ落กอฮอล์ ในอัตราส่วน 24:1 ปริมาตร 700 ไมโครลิตรอีกครั้ง ผสมให้เข้ากันโดยใช้เครื่องเขย่าผสมสาร ปั่นเหวี่ยงที่ความเร็ว 15,000 รอบต่อนาที เป็นเวลา 8 นาที ถ่ายส่วนใสที่อยู่ขั้นบนใส่ในหลอดไมโครเซ็นทริฟิก หลอดใหม่เติมสารละลาย 2-โพรพานอล (isopropanol) ปริมาตร 700 ไมโครลิตร แช่ในน้ำแข็งเป็นเวลา 30 นาที ปั่นเหวี่ยงที่ความเร็ว 8,000 รอบต่อนาที เป็นเวลา 10 นาที ใช้ปิเปตดูดส่วนใสทึบ ให้เหลือแต่ตะกอน เติมเอทานอลเข้มข้น 70 เบอร์เซ่นต์ ปริมาตร 500 ไมโครลิตร ปั่นเหวี่ยงที่ความเร็ว 8,000 รอบต่อนาที เป็นเวลา 5 นาที เทส่วนใสทึบ ทึบตะกอนให้แห้งในอุณหภูมิห้อง เติมน้ำกลั่นปริมาตร 100 ไมโครลิตร เติม 10 มิลลิกรัมต่อมิลลิลิตร RNase ปริมาตร 1 ไมโครลิตร ผสมให้เข้ากันและบ่มที่อุณหภูมิห้อง เป็นเวลา 30 นาที เติมสารละลาย 20 เบอร์เซ่นต์ PEG (Polyethylene glycol) (ภาชนะวาก ฯ) ปริมาตร 60 ไมโครลิตร ผสมให้เข้ากันและแช่ในน้ำแข็งเป็นเวลา 30 นาที ปั่นเหวี่ยงที่ความเร็ว 15,000 รอบต่อนาที ที่ 4 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 10 นาที ใช้ปิเปตดูดส่วนใสทึบให้เหลือตะกอนของดีเอ็นเอ เติมเอทานอลเข้มข้น 70 เบอร์เซ่นต์ ปริมาตร 500 ไมโครลิตร ปั่นเหวี่ยงที่ความเร็ว 15,000 รอบต่อนาที เป็นเวลา 5 นาที ดูดเอทานอลเข้มข้น 70 เบอร์เซ่นต์ออก ทึบตะกอนให้แห้งในอุณหภูมิห้อง เติมสารละลาย TE buffer (ภาชนะวาก ฯ) ปริมาตร 100 ไมโครลิตร เพื่อละลายตะกอนดีเอ็นเอ เก็บดีเอ็นเอที่สกัดได้ที่อุณหภูมิ -20 องศาเซลเซียส

2. การเพิ่มจำนวนดีเอ็นเอของเชื้อราด้วยวิธี Polymerase Chain Reaction (PCR)
นำดีเอ็นเอที่สกัดได้ในข้อ 3.6.1 ไปทำ PCR เพื่อเพิ่มจำนวนชิ้นส่วนดีเอ็นเอ โดยใช้ไพรเมอร์จำเพาะ (specific primer) ได้แก่

CBHI-F (forward) 5'-TAGGTACCCAGTCGGCCTGCACCTCTCC-3'

CBHI-R (reverse) 5'-GCTCTAGATTCAAGGCAGTGAGAGTAGTAAGGGTTC-3'

CBHII-F (forward) 5'-CGAATTCATGATTGTCGGCATTCTCAC-3'

CBHII-R (reverse) 5'-ATGTAGTTGCAGGCCAGGAACGATGGGTTGCG -3'

โดยมีส่วนประกอบของปฏิกิริยาจำนวนปริมาตร 50 ไมโครลิตร ประกอบด้วยดีเอ็นเอประมาณ 10-100 นาโนกรัม, 10X PCR buffer, 25 mM MgCl₂, 10 mM dNTP, 10 mM primer (CBHI-F และ CBHI-R, CBHII-F และ CBHII-R) และ 5 U/ μ l Taq polymerase (Fermentas)

การเพิ่มจำนวนดีเอ็นเอทำในเครื่อง Thermocycler (Takara PCR thermal cycler Model TP600, Japan) โดยได้กำหนดสภาวะไว้ดังต่อไปนี้

Initial denaturation	95	องศาเซลเซียส	4 นาที
Amplification			
Denaturation	95	องศาเซลเซียส	30 วินาที
Annealing	54.5	องศาเซลเซียส	1 นาที
Extension	72	องศาเซลเซียส	2 นาที
Final Extension	72	องศาเซลเซียส	7 นาที
Hold	4	องศาเซลเซียส	∞

ตรวจสอบผลการเพิ่มจำนวนดีเอ็นเอด้วยวิธีอิเลคโทรโฟเรซิส (electrophoresis) โดยการแยกขนาดชิ้นส่วนดีเอ็นเอบนอะก้าโรสเจล 1.5 เปอร์เซ็นต์ ใน 0.5X TBE buffer เติมเอธิเดียมบราไมด์ 1 ไมโครลิตร ต่ออะก้าโรสเจล 30 มิลลิลิตร ใช้กราฟฟ์เพิ่มความต่างศักย์ 100 โวลต์ เป็นเวลา 60 นาที และใช้ชิ้นส่วนดีเอ็นเอมารฐาน 1 kb DNA ladder ตรวจสอบขนาดชิ้นส่วนดีเอ็นเอที่เกิดขึ้น ภายใต้แสงอัลตราไวโอเลต ความยาวคลื่น 312 นาโนเมตร

3.7 เพิ่มประสิทธิภาพการผลิตเซลลูเลสของเชื้อสายพันธุ์กล้ายโดยใช้คลชีซีน

ทำการเพิ่มประสิทธิภาพการผลิตเซลลูเลสของเชื้อสายพันธุ์กล้ายโดยใช้คลชีซีน โดยใช้วิธีของ Toyama และคณะ (2000) ทำโดยการเติมอาหาร Mandels' medium ตามสูตรของ Mandels และ Weber (1969) ที่มี 0.1 เปอร์เซ็นต์ คลชีซีนที่ผ่านการฆ่าเชื้อที่อุณหภูมิ 121 องศาเซลเซียส และความดัน 15 ปอนด์ต่อตารางนิวตัน เป็นเวลา 15 นาที ทำการถ่ายสปอร์ของเชื้อราลงในอาหาร นำไปปั่นที่ 26 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 20 วัน หลังจากนั้นทำการคัดเลือกโดยใช้ selection medium (ภาชนะ ก) โดยเติมอาหารชั้นล่างแล้วเกลี่ยเชื้อ 100 ไมโครลิตรลงบนอาหารชั้นล่างให้เห็นว่าอาหารแห้งสนิท นำไปปั่นที่ 26 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 24 ชั่วโมง หลังจากนั้นทำการคัดทับด้วยอาหารชั้นบน นำไปปั่นที่ 26 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 3 วัน คัดแยกเชื้อที่ขึ้นมาเลี้ยงลงบนอาหารกึ่งแข็ง PDA เป็นเวลา 7 วัน ทดสอบความสามารถในการผลิตเซลลูเลสขั้นต้นบนอาหารกึ่งแข็ง CMC agar ทำเช่นเดียวกับข้อ 3.2 ข้อ 2 และ ทดสอบความสามารถในการผลิตเซลลูเลสในอาหารเหลว Mandels' medium ทำเช่นเดียวกับ 3.2 ข้อ 3

บทที่ 4

ผลการทดลอง

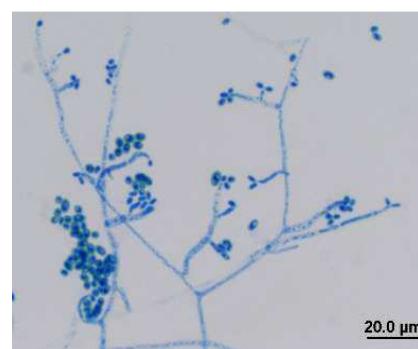
ผลการวิเคราะห์ปัจจัย

4.1 การศึกษาลักษณะทางสัณฐานวิทยา

การศึกษาลักษณะทางสัณฐานวิทยาบนอาหารกึ่งแข็ง PDA ของเชื้อรา *T. reesei* TISTR 3081 โดยศึกษาลักษณะภายนอกของโคลนีที่เจริญบนอาหารกึ่งแข็ง PDA ที่อุณหภูมิ 26 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 7 วัน มีลักษณะการสร้างเส้นใยสีขาว สีของสปอร์มีสีเขียวดังภาพที่ 4-1 และเมื่อเจริญจะมีการเปลี่ยนสีของอาหารเป็นสีเหลือง และเมื่อศึกษาลักษณะสัณฐานวิทยาของเส้นใยและสปอร์ภายในได้กล้องจุลทรรศน์พบว่ามีสปอร์มีลักษณะค่อนข้างกลมและขนาดเล็กมาก แต่ละสปอร์มีเพียง 1 เซลล์ ดังภาพที่ 4-2



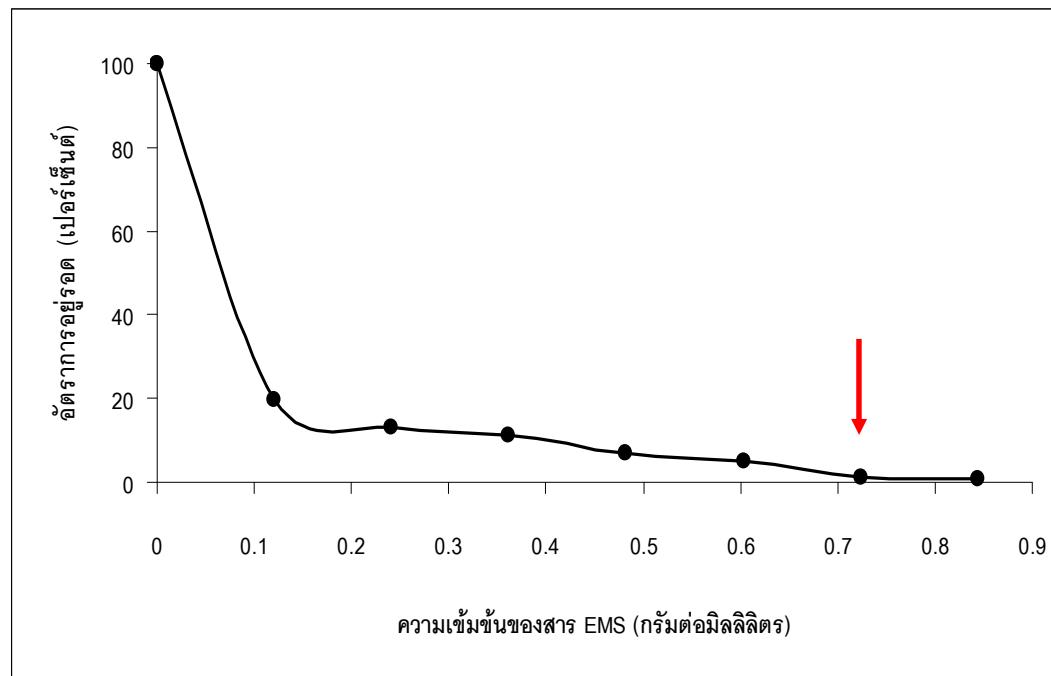
ภาพที่ 4-1 ลักษณะสัณฐานวิทยาของโคลนี *T. reesei* TISTR 3081 บนอาหารเลี้ยงเชื้อ กึ่งแข็ง PDA ที่เลี้ยงเป็นเวลา 7 วัน



ภาพที่ 4-2 ลักษณะสัณฐานวิทยา เส้นใย และสปอร์ของ *T. reesei* TISTR 3081 ภายใต้กล้องจุลทรรศน์ที่เจริญบนอาหารกึ่งแข็ง PDA อุณหภูมิ 26 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 3 วัน

4.2 การเห็นยานำให้เกิดการกลایพันธุ์ด้วยสารอีเอ็มเอส

นำเข้ารามาเนี่ยวนำให้เกิดการกลایพันธุ์โดยใช้สารอีเอ็มเอสที่ความเข้มข้น 0.12 - 0.84 กรัมต่อมิลลิลิตร เพื่อหาระดับความเข้มข้นของสารอีเอ็มเอสที่ทำให้มีอัตราการครอบน้อยกว่า 1 เปอร์เซ็นต์ เพื่อคัดแยกไออกโซเลตที่ได้มาทดสอบ



ภาพที่ 4-3 ความสัมพันธ์ระหว่างความเข้มข้นของสารอีเอ็มเอสกับเปอร์เซ็นต์ความอยู่รอด

จากภาพที่ 4-3 พบร่วมกันว่าความเข้มข้นของสารอีเอ็มเอส ที่ระดับความเข้มข้นที่ 0.72 และ 0.84 กรัมต่อมิลลิลิตร ทำให้มีอัตราการอยู่รอดของเชื้อน้อยกว่า 1 เปอร์เซ็นต์ (ปริมาณลูกศร) โดยความเข้มข้นที่ 0.72 และ 0.84 กรัมต่อมิลลิลิตร ทำให้มีอัตราการครอบเป็น 0.98 และ 0.65 เปอร์เซ็นต์ตามลำดับ โดยสามารถคัดแยกเชื้อราได้ทั้งหมด 50 ไออกโซเลต ซึ่งไออกโซเลต EMS1 ถึง EMS17 ได้จากระดับความเข้มข้นของสารอีเอ็มเอสที่ 0.72 กรัมต่อมิลลิลิตร และไออกโซเลต EMS18 ถึง EMS50 ได้จากระดับความเข้มข้นของสารอีเอ็มเอสที่ 0.84 กรัมต่อมิลลิลิตร

นำไออกโซเลตที่คัดแยกได้มาทดสอบความสามารถในการผลิตเซลลูเลสขั้นต้นบนอาหาร CMC agar ได้ผลดังแสดงในตารางที่ 4-1

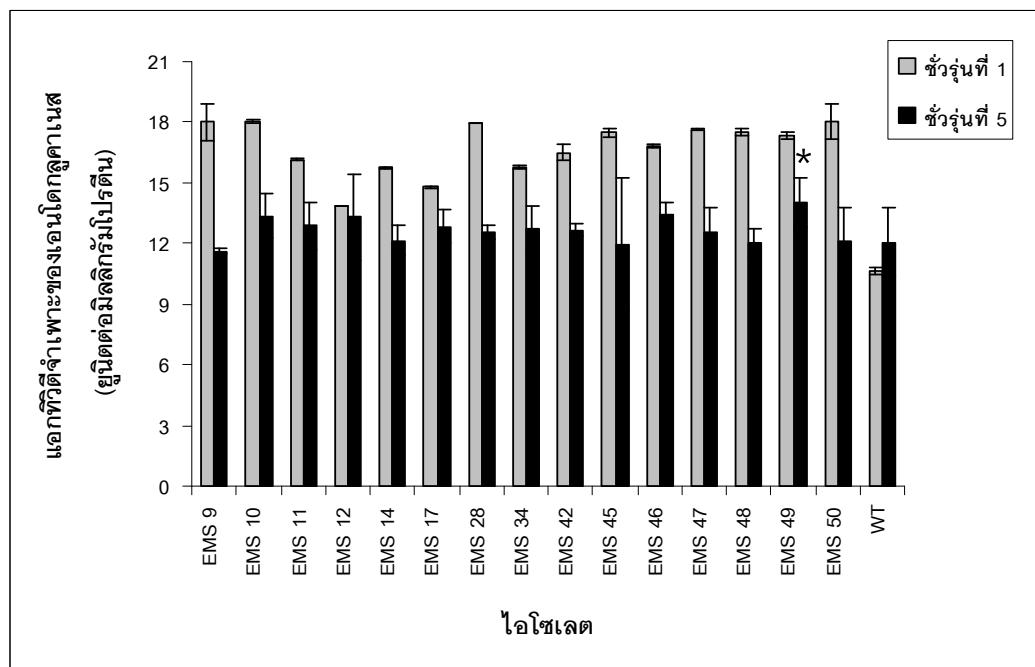
ตารางที่ 4-1 ความสามารถในการผลิตเซลลูเลสบนอาหาร CMC agar ของ *T. reesei* TISTR 3081 ที่ผ่านการเหนีญาน้ำให้เกิดการกลยพันธุ์ด้วยสารอีเม็มแอล ที่มีอัตราส่วนระหว่างความกว้างโคลนีต่อความกว้างของวงใสที่มีค่าไม่น้อยกว่า 15 อันดับแรก

ไอโซเลต	ความกว้างของวงใส	ความกว้างของโคลนี	อัตราส่วนเฉลี่ย
	เฉลี่ย [a] (mm)	เฉลี่ย [b] (mm)	[b/a]
EMS9	35.897	22.747	0.634 ^{ef}
EMS10	35.473	22.770	0.642 ^{ef}
EMS11	35.580	23.017	0.647 ^f
EMS12	34.760	22.260	0.640 ^{ef}
EMS14	36.680	23.347	0.637 ^{ef}
EMS17	36.517	21.967	0.602 ^{cd}
EMS28	35.933	21.660	0.603 ^{cd}
EMS34	35.680	22.713	0.637 ^{ef}
EMS42	35.843	20.620	0.575 ^{ab}
EMS45	36.647	20.997	0.573 ^{ab}
EMS46	36.823	21.797	0.592 ^{bc}
EMS47	36.680	22.717	0.619 ^{de}
EMS48	36.690	20.627	0.562 ^a
EMS49	36.300	20.803	0.573 ^{ab}
EMS50	36.450	21.683	0.595 ^{bc}
WT	34.597	24.233	0.700

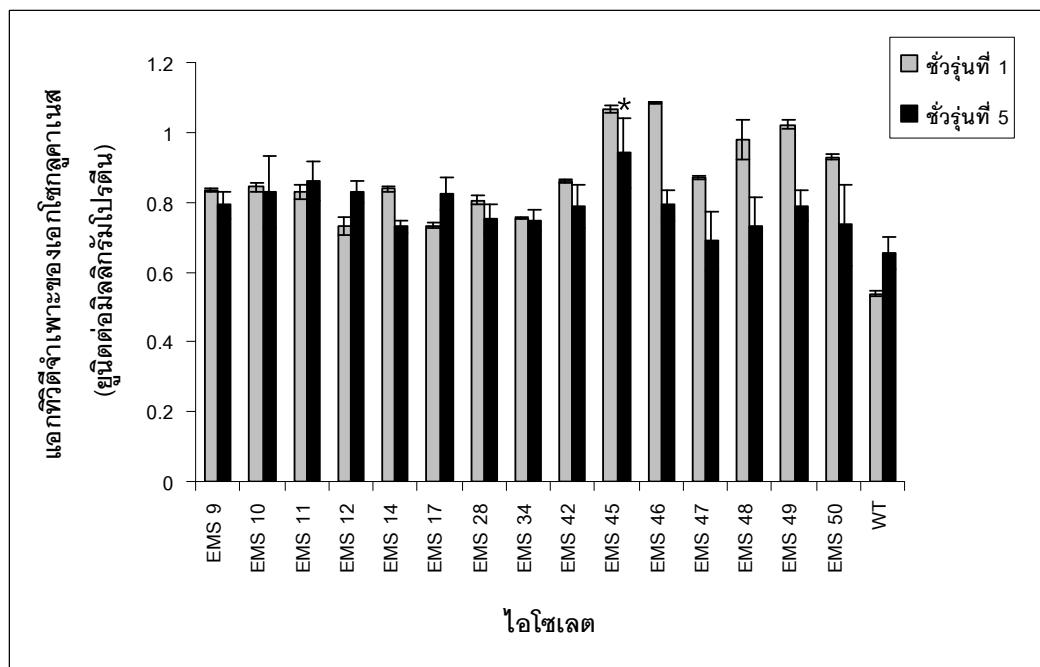
หมายเหตุ ตัวอักษรพิมพ์เล็ก หมายถึงค่าอัตราส่วนเฉลี่ยของความกว้างโคลนีต่อความกว้างของวงใสที่ได้จากแต่ละไอโซเลตที่แตกต่างกันอย่างมีนัยสำคัญทางสถิติ (โดยทดสอบ ANOVA เพื่อหาความแตกต่าง และทดสอบเป็นคู่ ๆ โดย Duncan ใช้โปรแกรม SPSS version 15.0)

จากตารางที่ 4-1 ทำการคัดเลือกไอโซเลตที่มีอัตราส่วนระหว่างความกว้างโคลนีต่อความกว้างของวงใสที่มีค่าน้อยกว่า 15 อันดับแรก มาทดสอบความสามารถผลิตเซลลูเลสใน Mandels' medium

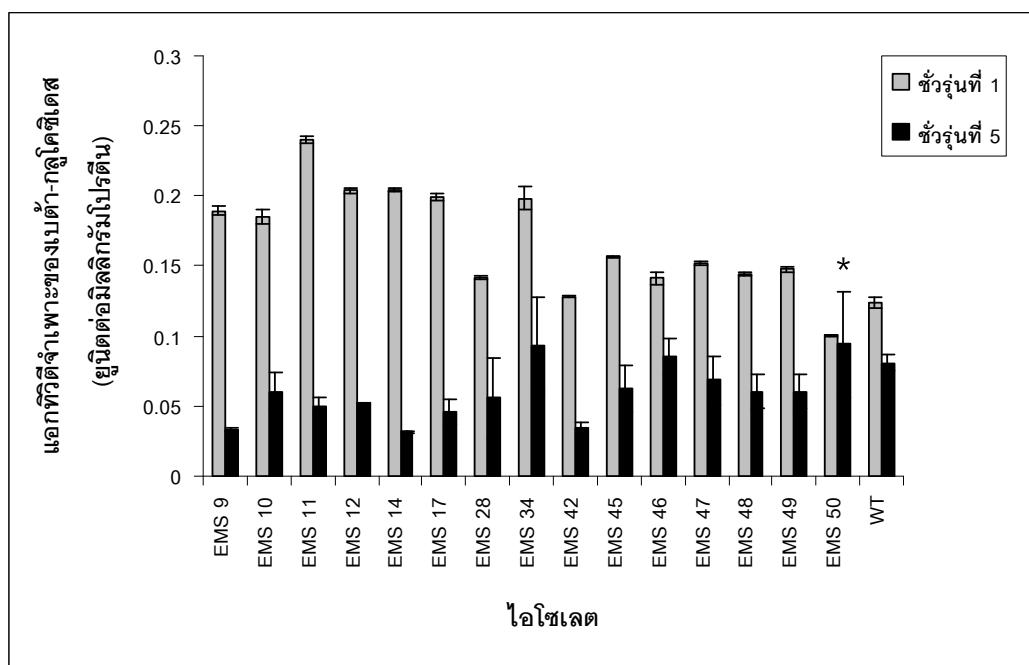
ทดสอบความสามารถการผลิตเซลล์เลสในอาหารเหลว Mandels' medium เพื่อนำมาวัด
เอกทิวตี และปริมาณโปรตีน เพื่อนำไปคำนวณหาเอกทิวตีจำเพาะของเอนไซม์แต่ละชนิดต่อ
หน่วยมิลลิกรัมโปรตีนในชั้วรุ่นที่ 1 และที่ 5 โดยทำการวัดเอกทิวตีเอนไซม์ 3 ชนิด คือ
เอนไซม์คานเนส ดังภาพที่ 4-4 เอกไซกูลคานเนส ดังภาพที่ 4-5 และเบตา-กลูโคซิเดส ดังภาพที่ 4-6
(ค่าแสดงในภาคผนวก ๙)



ภาพที่ 4-4 ความสัมพันธ์ระหว่างไอกไซเลตกับเอกทิวตีจำเพาะเอนไซม์คานเนสของราธีถูก[†]
เห็นยืนยันให้เกิดการกลยุพันธุ์ด้วยสารอีเช็มเมส



ກາພທີ 4-5 ວິທີ່ ດັວກທີ່ ຈຳພະໜັກ ອະນຸຍາວັນນຳໃຫ້ເກີດກາງລາຍພັນຖືດ້ວຍສາຣີເຂີມເຄສ



ກາພທີ 4-6 ວິທີ່ ດັວກທີ່ ຈຳພະໜັກ ບັນດາ-ກຸລູໂຄືເດີສ
ເຫັນຍາວັນນຳໃຫ້ເກີດກາງລາຍພັນຖືດ້ວຍສາຣີເຂີມເຄສ

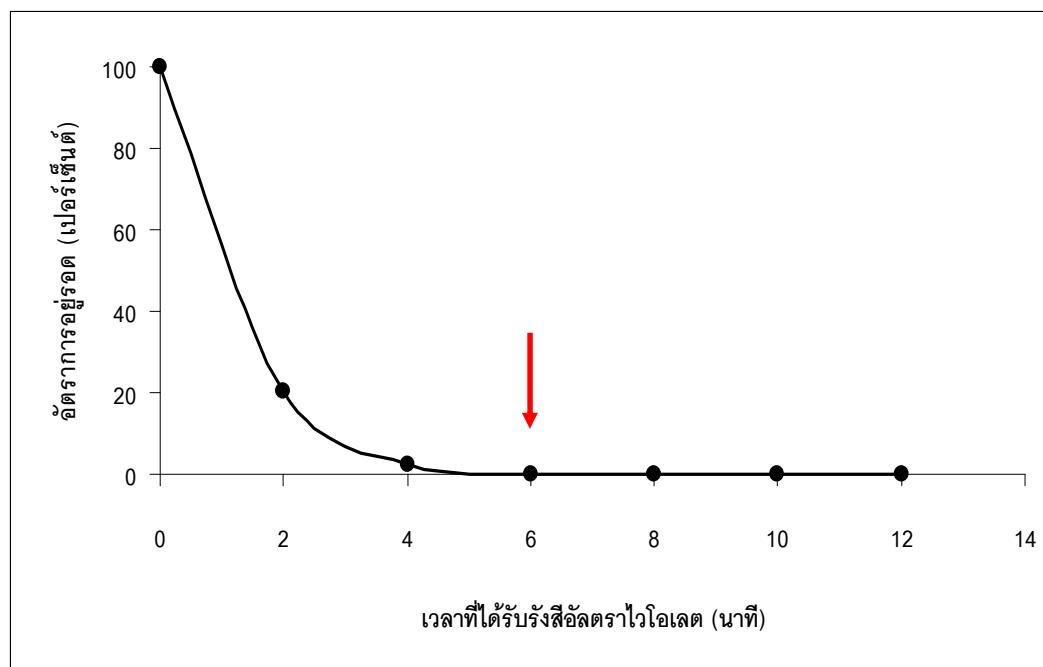
(ซึ่งกำหนดให้ 1 ยูนิตของเอนไซม์ คือ ปริมาณของเอนไซม์ที่สามารถเปลี่ยนสารตั้งต้นให้เป็นน้ำตาลรีดิวชัน 1 ไมโครโมลินเวลา 1 นาที) (* หมายถึง ไอโซเลตที่มีเอกพิวติจำเพาะในช่วงที่ 5 สูงสุด)

จากภาพที่ 4-4, 4-5 และ 4-6 พบว่า ไอโซเลต EMS49 มีค่าเอกพิวติจำเพาะของเอนไซคลูคานสูงที่สุด คือ 14.0279 ± 1.246 ยูนิตต่อมิลลิกรัมโปรตีน ส่วนไอโซเลต EMS45 มีค่าเอกพิวติจำเพาะของเอกไซคลูคานสูงที่สุด คือ 0.9421 ± 0.100 ยูนิตต่อมิลลิกรัมโปรตีน และไอโซเลต EMS50 มีค่าเอกพิวติจำเพาะของเบตา-กลูโคซิเดสสูงที่สุด คือ 0.0941 ± 0.038 ยูนิตต่อมิลลิกรัมโปรตีน

4.3 การเหนี่ยวนำให้เกิดการกลایพันธุ์ข้าด้วยรังสีอัลตราไวโอลे�ต

4.3.1 การกลایพันธุ์ข้าด้วยรังสีอัลตราไวโอลे�ตของไอโซเลต EMS11

โดย EMS11 ได้จากการกลัยพันธุ์ด้วยสารอีเม็มแอล และมีเอกพิวติจำเพาะของเบตา-กลูโคซิเดสในช่วงที่ 1 สูงที่สุด มาเหนี่ยวนำให้เกิดการกลัยพันธุ์ข้าด้วยรังสีอัลตราไวโอลे�ต ที่ช่วงระยะเวลา 0 - 12 นาที เพื่อหาระยะเวลาในการให้รังสีอัลตราไวโอลे�ตที่ทำให้มีอัตราการอยู่รอดน้อยกว่า 1 เปอร์เซ็นต์ เพื่อคัดแยกไอโซเลตมาทดสอบ ดังภาพที่ 4-7 พบว่า ช่วงระยะเวลา 6 และ 8 นาที มีอัตราการอยู่รอด 0.16 และ 0.02 เปอร์เซ็นต์ตามลำดับ



ภาพที่ 4-7 ความสัมพันธ์ระหว่างเวลาที่ได้รับรังสีอัลตราไวโอเลตกับเปอร์เซ็นต์ความอยู่รอด

จากภาพที่ 4-7 พบร่วงระหว่างเวลา 6 และ 8 นาที ทำให้มีขั้นตอนการอยู่รอดของเชื้อน้อยกว่า 1 เปอร์เซ็นต์ (บริเวณลูกศร) มีอัตราการอยู่รอด 0.16 และ 0.02 เปอร์เซ็นต์ตามลำดับ สามารถคัดแยกได้ทั้งหมด 58 ไอโซเลต โดยไอโซเลต E11-UV1 ถึง E11-UV15 ได้จากการฉายรังสี อัลตราไวโอเลตเป็นเวลา 6 นาที ไอโซเลต E13-UV16 ถึง E11-UV32 ได้จากการฉายรังสี อัลตราไวโอเลตเป็นเวลา 8 นาที ไอโซเลต E13-UV33 ถึง E11-UV47 ได้จากการฉายรังสี อัลตราไวโอเลตเป็นเวลา 10 นาที และไอโซเลต E13-UV48 ถึง E11-UV58 ได้จากการฉายรังสี อัลตราไวโอเลตเป็นเวลา 12 นาที

นำไอโซเลตที่คัดแยกได้มาทดสอบความสามารถในการผลิตเซลลูเลสชั้นต้นบนagar CMC agar ได้ผลดังแสดงในตารางที่ 4-2

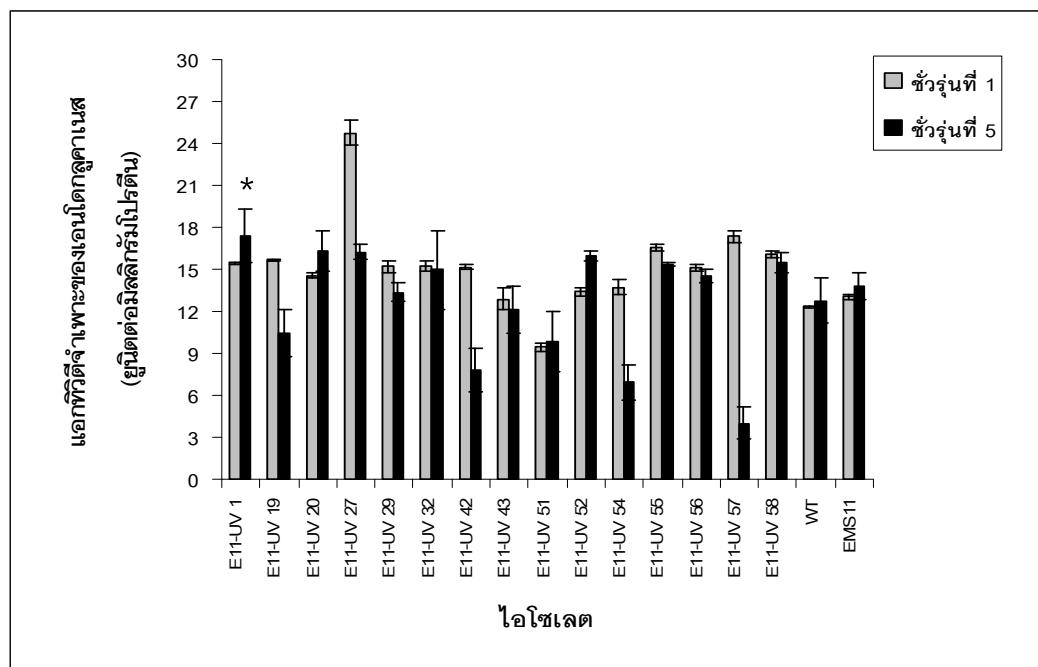
ตารางที่ 4-2 ความสามารถในการผลิตเซลลูเลสบันอาหาร CMC agar ของ EMS11 ที่ถูกพันธุ์ชี้นำด้วยรังสีอัลตราไวโอเลต ที่มีอัตราส่วนระหว่างความกว้างโคลนีต่อความกว้างของวงไส้ที่มีค่าน้อย 15 ขันดับแรก

ไอโซเลต	ความกว้างของวงไส	ความกว้างของโคลนี	อัตราส่วนเฉลี่ย
	เฉลี่ย [a] (mm)	เฉลี่ย [b] (mm)	[b/a]
E11-UV1	43.177	25.690	0.586 ^{a-c}
E11-UV19	34.697	19.340	0.558 ^{a-b}
E11-UV20	40.993	26.147	0.638 ^{c-j}
E11-UV27	36.113	19.700	0.546 ^a
E11-UV29	39.697	23.443	0.591 ^{a-d}
E11-UV32	37.507	21.977	0.587 ^{a-c}
E11-UV42	38.343	24.580	0.642 ^{d-l}
E11-UV43	36.407	22.630	0.622 ^{c-h}
E11-UV51	37.957	23.810	0.627 ^{c-i}
E11-UV52	40.300	24.260	0.602 ^{b-e}
E11-UV54	37.223	23.733	0.639 ^{c-k}
E11-UV55	39.810	24.913	0.625 ^{c-i}
E11-UV56	35.490	21.743	0.613 ^{c-f}
E11-UV57	41.913	26.037	0.620 ^{c-g}
E11-UV58	39.013	23.560	0.604 ^{b-e}
WT	33.530	22.630	0.675
EMS11	34.263	24.113	0.704

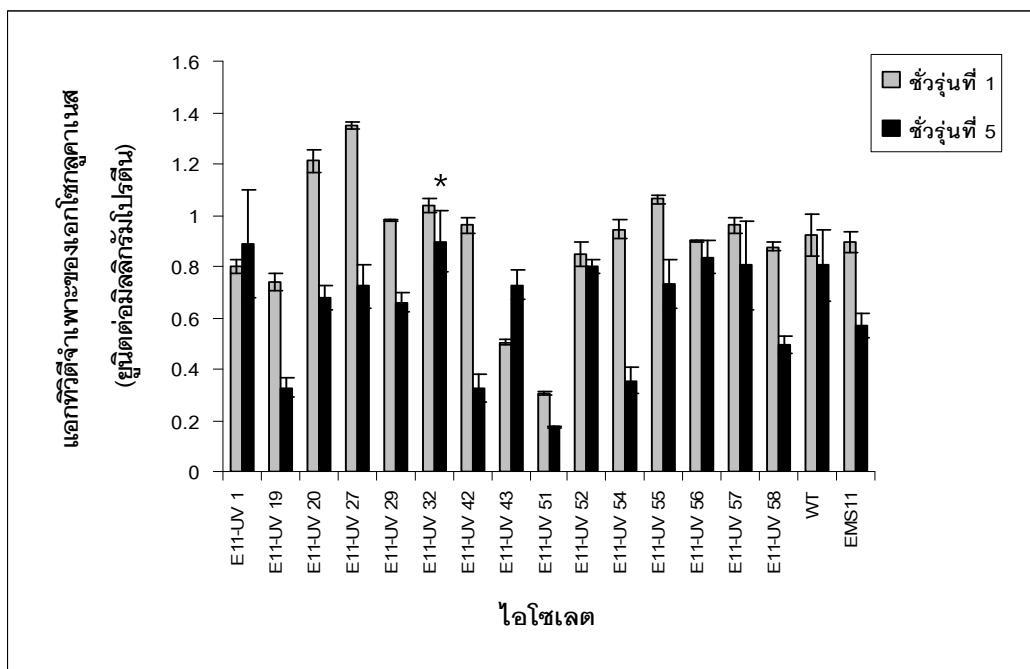
หมายเหตุ ตัวอักษรพิมพ์เล็ก หมายถึงค่าอัตราส่วนเฉลี่ยของความกว้างโคลนีต่อความกว้างของวงไส้ที่จากแต่ละไอโซเลตที่แตกต่างกันอย่างมีนัยสำคัญทางสถิติ

จากตารางที่ 4-2 ทำการคัดเลือกไอโซเลตที่มีอัตราส่วนระหว่างความกว้างโคลนีต่อความกว้างของวงไส้ที่มีค่าเฉลี่ย 15 อันดับแรก มาทดสอบความสามารถผลิตเซลลูเลสในอาหาร Mandels' medium

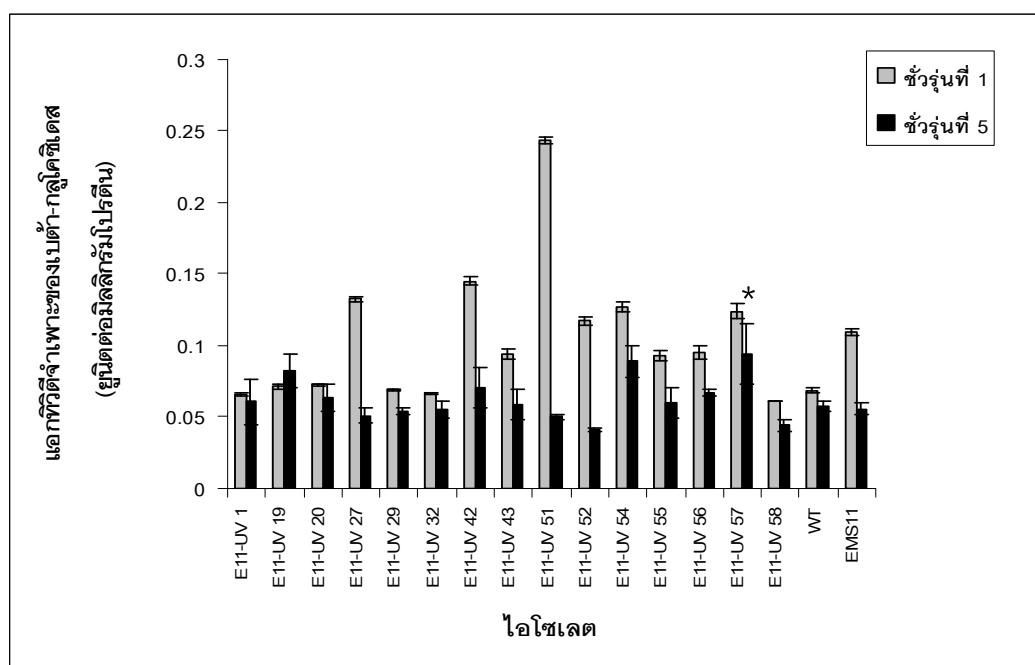
ทดสอบความสามารถการผลิตเซลลูเลสในอาหารเหลว Mandels' medium เพื่อนำมาวัดเอกทิวิตี และปริมาณโปรตีน เพื่อนำไปคำนวณหาเอกทิวิตีจำเพาะของเอนไซม์แต่ละชนิดต่อหน่วยมิลลิกรัมโปรตีนในชั่วโมงที่ 1 และที่ 5 โดยทำการวัดเอกทิวิตีเอนไซม์ 3 ชนิด คือ เอนไซม์โคเอนไซด์ตั้งภาพที่ 4-8 เอกไซด์ตั้งภาพที่ 4-9 และเปตา-กาลูโคซิเดตตั้งภาพที่ 4-10 (ค่าแสดงในภาคผนวก ๙)



ภาพที่ 4-8 ความสัมพันธ์ระหว่างไอโซเลตกับเอกทิวิตีจำเพาะเอนไซม์โคเอนไซด์ตั้งภาพที่ถูกเห็นได้จากการกลยุทธ์ด้วยรังสีอัลตราไวโอเลต ที่ช่วงระยะเวลา 6 - 12 นาที



ภาพที่ 4-9 ความสัมพันธ์ระหว่างไอโซเลตกับแยกทิวตีจำเพาะเอกไซคลูคานส์ของราทถูก
เหนี่ยวนำให้เกิดการกลายพันธุ์ข้าด้วยรังสีอัลตราไวโอเลต ที่ช่วงระยะเวลา 6 - 12 นาที



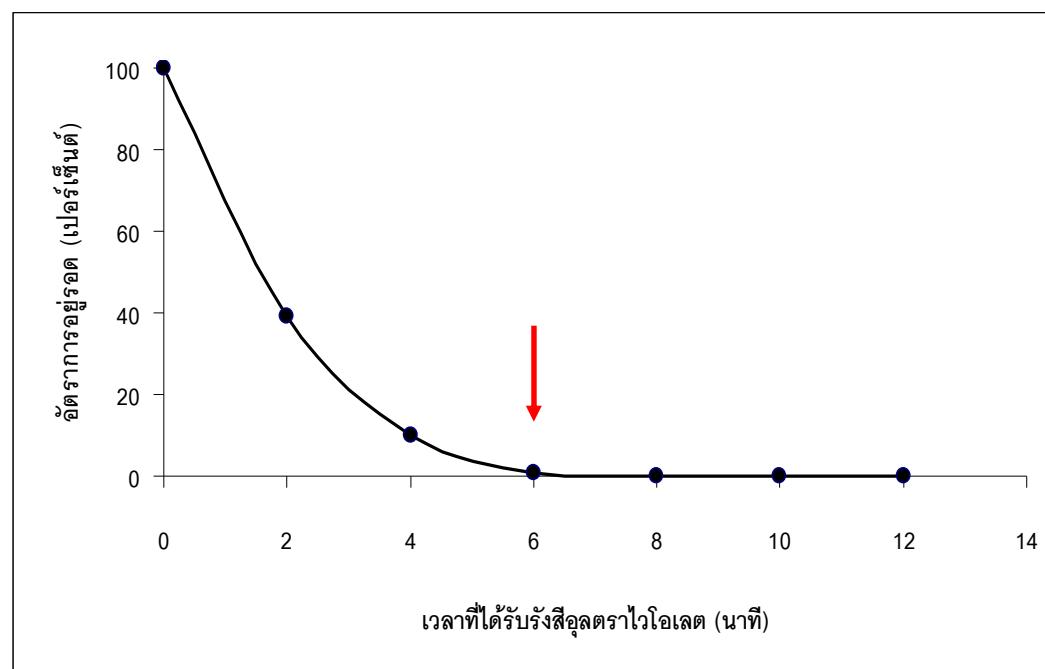
ภาพที่ 4-10 ความสัมพันธ์ระหว่างไอโซเลตกับแยกทิวตีจำเพาะเบتا-กลูโคซิเดส์ของราทถูก
เหนี่ยวนำให้เกิดการกลายพันธุ์ข้าด้วยรังสีอัลตราไวโอเลต ที่ช่วงระยะเวลา 6 - 12 นาที

(ซึ่งกำหนดให้ 1 ยูนิตของเอนไซม์ คือ ปริมาณของเอนไซม์ที่สามารถเปลี่ยนสารตั้งต้นให้เป็นน้ำตาลรีดิวชัน 1 ในครमิล ในเวลา 1 นาที) (* หมายถึง ไอโซเลตที่มีเอกพิวติจำเพาะในช่วงที่ 5 สูงสุด)

จากภาพที่ 4-8, 4-9 และ 4-10 พบว่าไอโซเลต E11-UV1 มีค่าเอกพิวติจำเพาะของเอนไซมูลค่าнесสูงที่สุด คือ 17.379 ± 1.954 ยูนิตต่อมิลลิกรัมโปรตีน ส่วนไอโซเลต E11-UV32 มีค่าเอกพิวติจำเพาะของเอกไซมูลค่าнесสูงที่สุด คือ 0.8974 ± 0.117 ยูนิตต่อมิลลิกรัมโปรตีน ส่วนไอโซเลต E11-UV57 มีค่าเอกพิวติจำเพาะของเบตา-กลูโคซิเดสูงที่สุด คือ 0.094 ± 0.022 ยูนิตต่อมิลลิกรัมโปรตีน

4.3.2 การกลยุทธ์ข้าด้วยรังสีอัลตราไวโอลেตของไอโซเลต EMS45

ไอโซเลต EMS45 ได้จากการเหนี่ยวนำให้เกิดสายพันธุ์กลยุทธ์ด้วยสารอีเม็มเอส และมีเอกพิวติจำเพาะของเอนไซมูลค่าнесและเอกไซมูลค่าнесสูงในช่วงที่ 1 มาเหนี่ยวนำให้เกิดการกลยุทธ์ข้าด้วยรังสีอัลตราไวโอลे�ต ที่ช่วงระยะเวลา 0 - 12 นาที เพื่อหาระดับความเข้มข้นของสารอีเม็มเอสที่ทำให้เชื้อร้ายมีอัตราการลดน้อยกว่า 1 เปอร์เซ็นต์ เพื่อคัดแยกไอโซเลตมาทดสอบ



ภาพที่ 4-11 ความสัมพันธ์ระหว่างเวลาที่ได้รับรังสีอัลตราไวโอลे�ตกับเปอร์เซ็นต์ความอยู่รอด

จากภาพที่ 4-11 พบร่วงสีอัลตราไวโอลेटที่ช่วงระยะเวลา 6, 8 และ 10 นาที ทำให้มีอัตราการอยู่รอดของเชื้อน้อยกว่า 1 เปอร์เซ็นต์ (บริเวณลูกศร) โดยช่วงระยะเวลา 6, 8, 10 และ 12 นาที ทำให้มีอัตราการอยู่รอด 0.77, 0.12 และ 0.01 เปอร์เซ็นต์ตามลำดับ สามารถคัดแยกเชื้อราได้ทั้งหมด 53 ไอโซเลต โดยไอโซเลต E45-UV1 ถึง E45-UV12 ได้จากการฉ่ายรังสีอัลตราไวโอลे�ตเป็นเวลา 6 นาที ไอโซเลต E45-UV13 ถึง E45-UV28 ได้จากการฉ่ายรังสีอัลตราไวโอลे�ตเป็นเวลา 8 นาที ไอโซเลต E45-UV29 ถึง E45-UV50 ได้จากการฉ่ายรังสีอัลตราไวโอลे�ตเป็นเวลา 10 นาที และไอโซเลต E45-UV50 ถึง E45-UV53 ได้จากการฉ่ายรังสีอัลตราไวโอลे�ตเป็นเวลา 12 นาที

นำไอโซเลตที่คัดแยกได้มาทดสอบความสามารถในการผลิตเซลลูเลสขั้นต้นบนอาหาร CMC agar ได้ผลดังแสดงในตารางที่ 4-3

ตารางที่ 4-3 ความสามารถในการผลิตเซลลูเลสบนอาหาร CMC agar ของ EMS45 ที่กลายพันธุ์ชั้ด้วยรังสีอัลตราไวโอลे�ต ที่มีอัตราส่วนระหว่างความกว้างโคลนีต่อความกว้างของวงไส้ที่มีค่าน้อย 15 อัตราดับแรก

ไอโซเลต	ความกว้างของวงไส เฉลี่ย [a] (mm)	ความกว้างของโคลนี เฉลี่ย [b] (mm)	อัตราส่วนเฉลี่ย
			[b/a]
E45-UV8	35.120	20.507	0.584 ^{b-d}
E45-UV12	35.020	18.590	0.531 ^a
E45-UV24	33.213	18.750	0.564 ^b
E45-UV25	36.497	22.633	0.621 ^{e-g}
E45-UV26	41.070	24.633	0.602 ^{c-e}
E45-UV27	34.610	19.637	0.567 ^{bc}
E45-UV29	37.827	20.783	0.550 ^{ab}
E45-UV30	35.513	20.773	0.585 ^{b-d}
E45-UV31	34.817	20.337	0.584 ^{b-d}
E45-UV32	35.800	20.797	0.581 ^{b-d}
E45-UV35	36.743	21.203	0.577 ^{b-d}
E45-UV36	35.807	21.647	0.605 ^{d-f}
E45-UV37	37.603	21.467	0.571 ^{b-d}

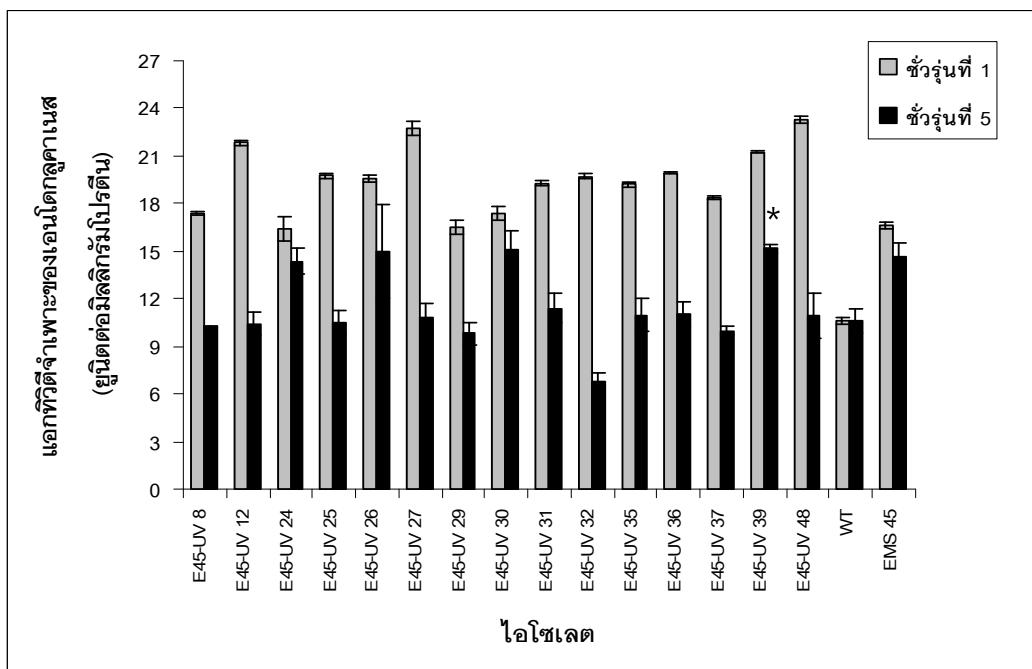
ตารางที่ 4-3 ความสามารถในการผลิตเซลลูเลสบนอาหาร CMC agar ของ EMS45 ที่กล้ายพันธุ์ ข้าดัวรังสีอัลตราไวโอเลต ที่มีอัตราส่วนระหว่างความกว้างโคโลนีต่อความกว้างของวงไส้ที่มีค่า น้อย 15 อันดับแรก (ต่อ)

ไอโซเลต	ความกว้างของวงไส	ความกว้างของโคโลนี	อัตราส่วนเฉลี่ย
	เฉลี่ย [a] (mm)	เฉลี่ย [b] (mm)	[b/a]
E45-UV39	36.333	22.750	0.626 ^{e-h}
E45-UV48	37.620	22.717	0.604 ^{d-f}
WT	36.340	25.470	0.701
EMS45	35.720	23.727	0.664

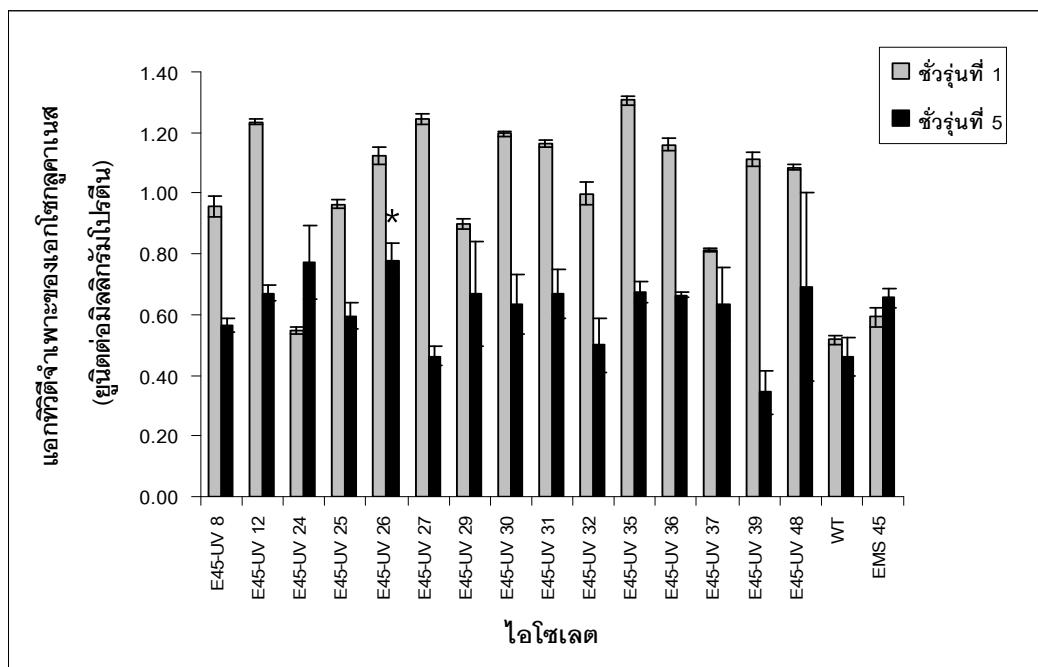
หมายเหตุ ตัวอักษรพิมพ์เล็ก หมายถึงค่าอัตราส่วนเฉลี่ยของความกว้างโคโลนีต่อความกว้างของวงไสที่จากแต่ละไอโซเลตที่แตกต่างกันอย่างมีนัยสำคัญทางสถิติ

จากตารางที่ 4-3 ทำการคัดเลือกไอโซเลตที่มีอัตราส่วนระหว่างความกว้างโคโลนีต่อความกว้างของวงไสที่มีค่าน้อย 15 อันดับแรก มาทดสอบความสามารถผลิตเซลลูเลสในอาหาร Mandels' medium

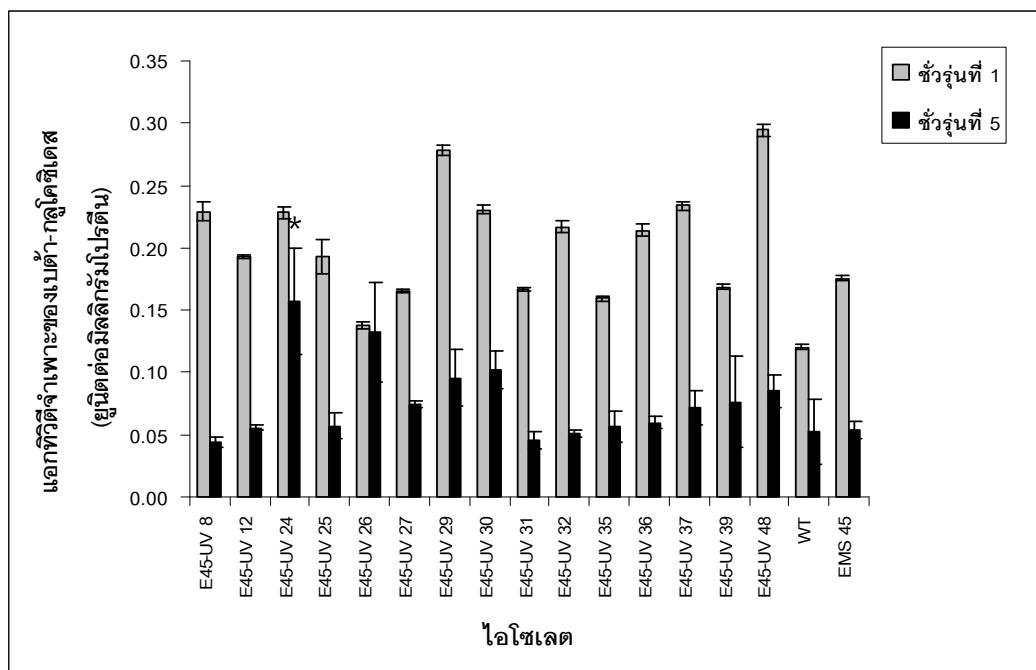
ทดสอบความสามารถการผลิตเซลลูเลสในอาหารเหลว Mandels' medium เพื่อนำมาวัด เอกทิวิตี และปริมาณโปรตีน เพื่อนำไปคำนวณหาเอกทิวิตีจำเพาะของเอนไซม์แต่ละชนิดต่อ หน่วยมิลลิกรัมโปรตีนในชั่วโมงที่ 1 และที่ 5 โดยทำการวัดเอกทิวิตีเอนไซม์ 3 ชนิด คือ เอนโดกลูคานส ดังภาพที่ 4-12 เอกโซกลูคานส ดังภาพที่ 4-13 และ เบตา-กลูโคซิเดส ดังภาพที่ 4-14 (ค่าแสดงในภาคผนวก ๗)



ภาพที่ 4-12 ความสัมพันธ์ระหว่าง “ไอโซเลต” กับแยกทิวตีจำเพาะเขอนไดกูลาเนสของราททูก เห็นยวนำให้เกิดการกลายพันธุ์ขึ้นด้วยรังสีอัลตราไวโอเลต ที่ช่วงระยะเวลา 6 - 12 นาที

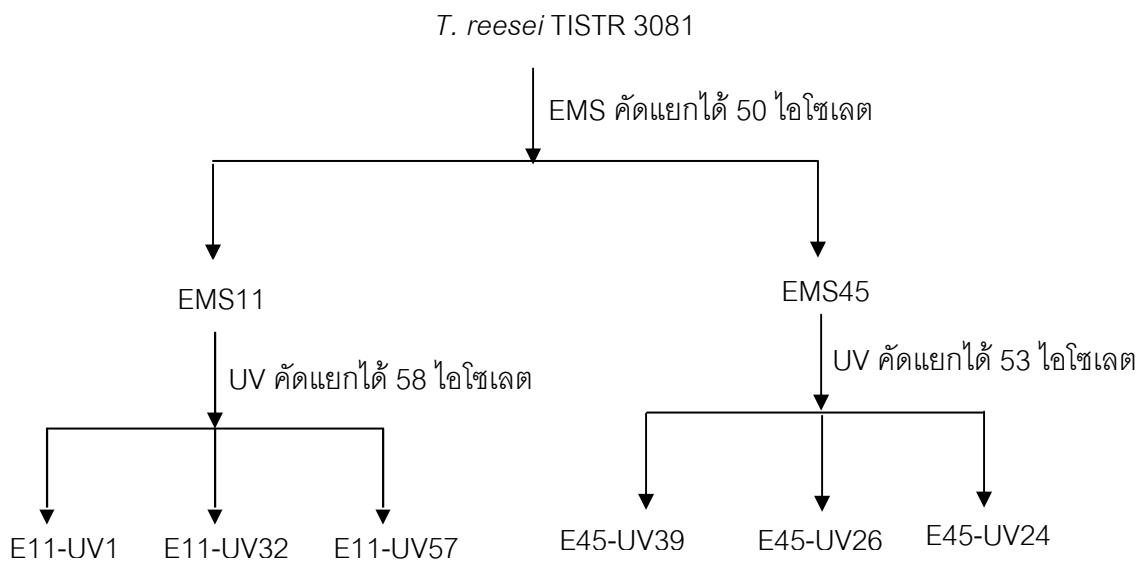


ภาพที่ 4-13 ความสัมพันธ์ระหว่าง “ไอโซเลต” กับแยกทิวตีจำเพาะเขอกูลาเนสของราททูก เห็นยวนำให้เกิดการกลายพันธุ์ขึ้นด้วยรังสีอัลตราไวโอเลต ที่ช่วงระยะเวลา 6 - 12 นาที



ภาพที่ 4-14 ความสัมพันธ์ระหว่างไอกไซเลตกับแยกหิวตีจำเพาะเบตา-กลูโคซิเดสของราหีบุก
เหนี่ยวนำให้เกิดการกลยพันธุ์ข้าด้วยรังสีอัลตราไวโอลেต ที่ช่วงระยะเวลา 6 -12 นาที
(ซึ่งกำหนดให้ 1 ยูนิตของเอนไซม์ คือ ปริมาณของเอนไซม์ที่สามารถเปลี่ยนสารตั้งต้นให้เป็น
น้ำตาลรีดิวซ์ 1 ไมโครโมล ในเวลา 1 นาที) (* หมายถึง ไอกไซเลตที่มีแยกหิวตีจำเพาะในชั่วจุนที่ 5
ลงสุด)

จากภาพที่ 4-12, 4-13 และ 4-14 พบร่วมกับไอกไซเลต E45-UV39 มีค่าแยกหิวตีจำเพาะของ
เอนไซม์ค่าเนสสูงที่สุด คือ 15.145 ± 0.266 ยูนิตต่อมิลลิกรัมโปรตีน ส่วนไอกไซเลต E45-UV26 มี
ค่าแยกหิวตีจำเพาะของไอกไซม์ค่าเนสสูงที่สุด คือ 0.778 ± 0.056 ยูนิตต่อมิลลิกรัมโปรตีน ส่วน
ไอกไซเลต E45-UV 24 มีค่าแยกหิวตีจำเพาะของเบตา-กลูโคซิเดสสูงที่สุด คือ 0.157 ± 0.04
ยูนิตต่อมิลลิกรัมโปรตีน



ภาพที่ 4-15 แผนผังการกลายพันธุ์ของเชื้อ *T. reesei* TISTR 3081 ที่เนี่ยน้ำให้เกิดการกลายพันธุ์ด้วยสารอีเม็มເເສ และการกลายพันธุ์ข้าด้วยรังสีอัลตราไวโอเลต

จากภาพที่ 4-15 ไอโซเลต EMS11 และ EMS45 ได้มาจากการเนี่ยน้ำให้เกิดสายพันธุ์กลายด้วยสารอีเม็มເເສ โดย EMS11 มีเอกทิวตีจำเพาะของเบตา-กลูโคซิเดส ในชั่วโมงที่ 1 สูงสุด ส่วน EMS45 มีเอกทิวตีจำเพาะของเอนโดกลูคานส และเอกไซกูลคานส ในชั่วโมงที่ 1 สูง เมื่อนำ EMS11 มาทำการกลายพันธุ์ข้าด้วยรังสีอัลตราไวโอเลต ได้ E11-UV1, E11-UV32 และ E11-UV57 ซึ่งมีเอกทิวตีจำเพาะของ เอนโดกลูคานส เอกไซกูลคานส และเบตา-กลูโคซิเดส สูงตามลำดับ จากการนำ EMS45 มาทำการกลายพันธุ์ข้าด้วยรังสีอัลตราไวโอเลต ได้ E45-UV39, E45-UV26 และ E45-UV24 ซึ่งมีเอกทิวตีจำเพาะของเอนโดกลูคานส เอกไซกูลคานส และเบตา-กลูโคซิเดสสูงตามลำดับ

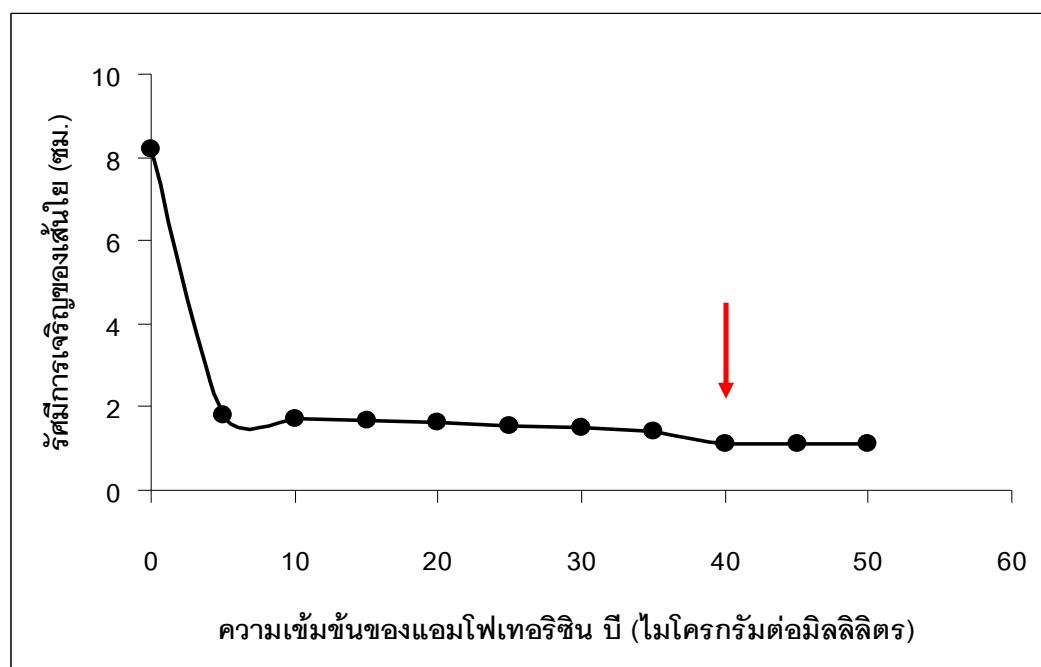
จากการที่ทำการเนี่ยน้ำให้เกิดการกลายพันธุ์ด้วยสารอีเม็มເເສ และการกลายพันธุ์ข้าด้วยรังสีอัลตราไวโอเลตสามารถคัดแยกเชื้อที่ดีที่สุด โดยมีเอนไซม์โดยรวมทั้ง 3 ชนิดดีที่สุด คือ ไอโซเลต E45-UV26 โดยมีเอกทิวตีจำเพาะของเอนโดกลูคานส เอกไซกูลคานส และเบตา-กลูโคซิเดส สูงกว่าสายพันธุ์ตั้งต้น (ดังตารางที่ 4-4) ซึ่งคิดเป็น 1.41, 1.69 และ 2.53 เท่าตามลำดับ จึงเลือกนำมาศึกษาต่อเพื่อตรวจสอบว่ามีการกลายพันธุ์จริง

ตารางที่ 4-4 การเปรียบเทียบค่าเอกทิวิตี้จำเพาะของสายพันธุ์ตั้งต้นกับไโอลเซเลต E45-UV26

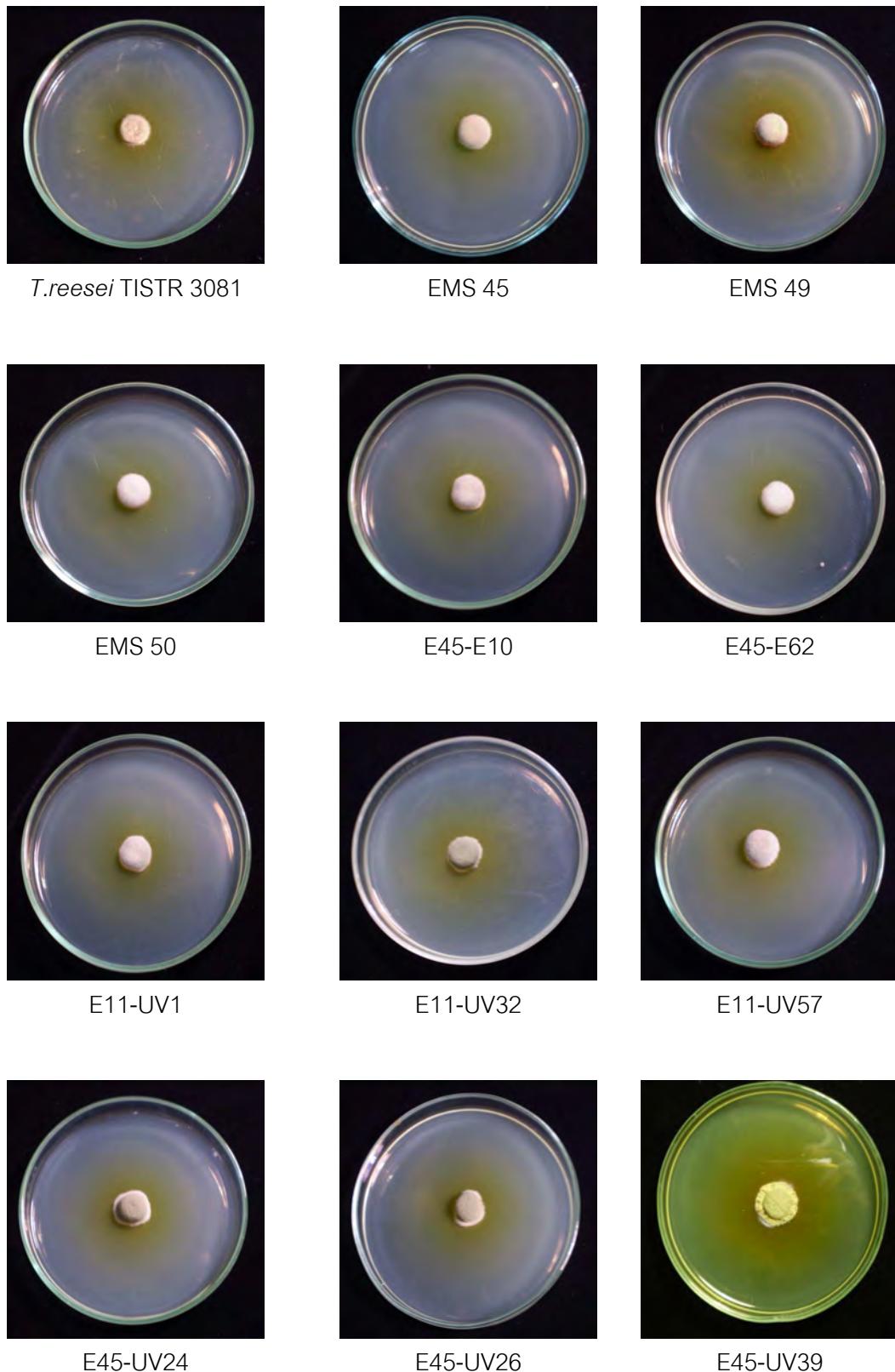
Strain	Specific activity (U/mg protein)			Protein (mg/ml)	
	Endoglucanase	Exoglucanase	β -Glucosidase		
E45-UV26	14.977 ± 2.97	0.778 ± 0.06	0.132 ± 0.04	0.889 ± 0.07	
WT	10.621 ± 0.78	0.461 ± 0.07	0.052 ± 0.03	1.958 ± 0.22	

4.4 การทดสอบความต้านทานยาปฏิชีวนะเพื่อใช้คัดเลือกสายพันธุ์คล้าย

นำเชื้อราสายพันธุ์ตั้งต้นมาหา Minimum Inhibitory Concentration (MIC) เพื่อใช้คัดเลือกสายพันธุ์คล้าย โดยใช้อาหารกึ่งแข็ง PDA ที่มีแอมโพเทอริซิน บี ที่ความเข้มข้นตั้งแต่ 0, 10, 20, 30, 40 และ 50 ไมโครกรัมต่อมิลลิลิตร



ภาพที่ 4-16 อัตราการเจริญเติบโตของเชื้อรา T. reesei TISTR 3081 บนอาหารกึ่งแข็ง PDA ที่มีแอมโพเทอริซิน บี ที่ความเข้มข้นระดับต่าง ๆ เป็นเวลา 7 วัน



ภาพที่ 4-17 ลักษณะโคลนีเชื้อราที่เลี้ยงบนอาหารกึ่งแข็ง PDA ที่มีความเข้มข้นแอมโพเทอเรชิน ปี 40 ไมโครกรัมต่อ มิลลิลิตร

จากภาพที่ 4-16 เมื่อทดสอบความต้านทานต่อยาปฏิชีวนะของสายพันธุ์ตั้นดันพบว่า ความเข้มข้นของ แอมโพเทอโรชิน บี ที่ 40 ไมโครกรัมต่อมิลลิลิตร (บริเวณลูกศร) เป็นความเข้มข้น ที่น้อยที่สุดที่สามารถยับยั้งการเจริญเติบโตของเชื้อราสายพันธุ์ตั้นได้ จึงใช้ความเข้มข้นที่ระดับ 40 ไมโครกรัมต่อมิลลิลิตร มาทดสอบสายพันธุ์กลาย 11 ไอโซเลต ได้แก่ EMS45, EMS49 EMS50, E45-UV24, E45-UV26, E45-UV39, E11-UV1, E11-UV32, E11-UV57, E45-E10 และ E45-E62 (11 ไอโซเลต ได้มาจากการเหนี่ยวนำให้เกิดสายพันธุ์กลายในแต่ละครั้งที่มีเอกพิเศษ จำเพาะแต่ละเอนไซม์ที่สูง) พบร้า ไอโซเลต E45-UV39 สามารถเจริญได้เล็กน้อยเมื่อเปรียบเทียบ กับไอโซเลตอื่น ๆ ดังภาพที่ 4-17

4.5 การศึกษาเปรียบเทียบลักษณะทางสัณฐานวิทยาของ *T. reesei* TISTR 3081 และ E45-UV 26

จากการเหนี่ยวนำให้เกิดการกลายพันธุ์ด้วยสารอีเม็มเอส และกลายพันธุ์ช้าด้วยรังสี อัลตราไวโอลेट พบร้า ไอโซเลต E45-UV26 มีเอกพิเศษที่จำเพาะโดยรวมของห้งสามเอนไซม์ คือ เอนโดกลูคานส เอกโซกลูคานส และเบตา-กลูโคซิเดส โดยสูงกว่าสายพันธุ์ตั้น 1.41, 1.69 และ 2.53 เท่า ตามลำดับ จึงนำ E45-UV26 มาศึกษาความแตกต่างของ *T.reesei* TISTR 3081 ซึ่งเป็น สายพันธุ์ตั้น และ E45-UV26 เพื่อเป็นข้อมูลเบื้องต้นในการยืนยันว่าเป็นสายพันธุ์กลาย

การศึกษาเปรียบเทียบลักษณะทางสัณฐานวิทยาของ *T. reesei* TISTR 3081 และ E45-UV26

การศึกษาลักษณะความแตกต่างทางสัณฐานวิทยาบนอาหารกึ่งแข็ง PDA เชื้อร้า *T. reesei* TISTR 3081 และ E45-UV26 โดยศึกษาลักษณะภายนอกของโคลนีที่เจริญบนอาหาร กึ่งแข็ง PDA ที่อุณหภูมิ 26 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 7 วัน และลักษณะของสปอร์ที่เลี้ยงบนอาหาร กึ่งแข็งเป็นเวลา 3 วัน ย้อมด้วยสีเย้อมแลตโตฟินอลคอมบลู และสังเกตภายใต้กล้องจุลทรรศน์ (ดังภาพที่ 4-18 และ 4-19)

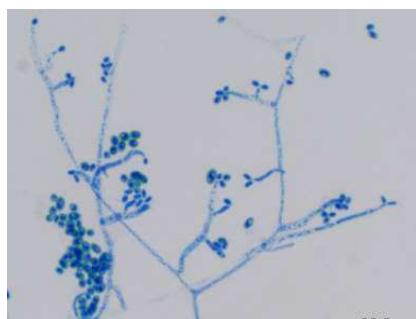


สายพันธุ์ตั้งต้น

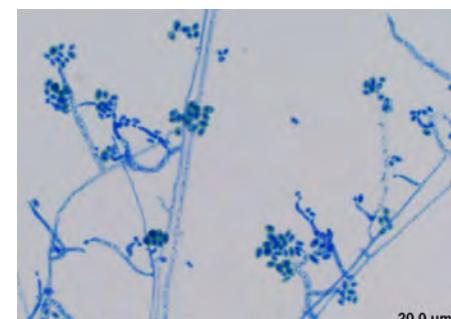


ไอโซเลต E45 UV 26

ภาพที่ 4-18 ลักษณะโคลนีเชื้อราที่เลี้ยงบนอาหารกึ่งแข็ง PDA



สายพันธุ์ตั้งต้น



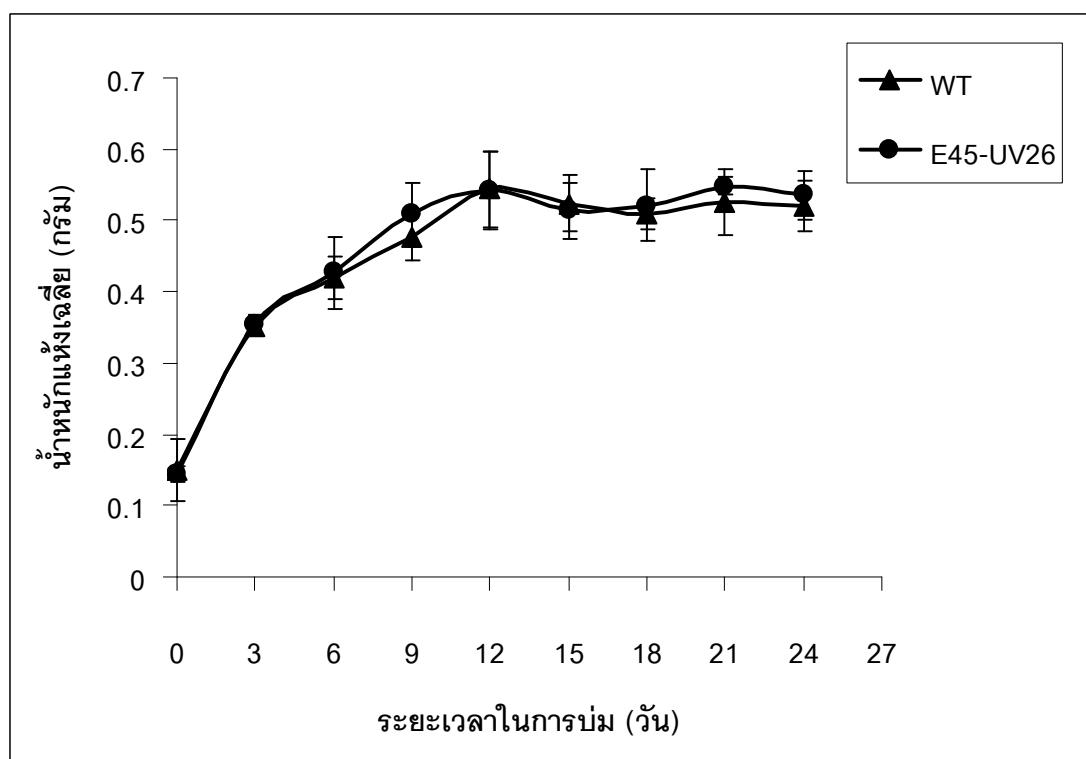
ไอโซเลต E45-UV26

ภาพที่ 4-19 ลักษณะเส้นใยและสปอร์เชื้อราที่ข้อมด้วยสี้อมแลคโตฟีนลดคอตตอนบลู

การศึกษาลักษณะทางสัณฐานวิทยาบนอาหารกึ่งแข็ง PDA ของเชื้อรา *T. reesei* TISTR 3081 เปรียบเทียบกับ E45-UV26 โดยศึกษาลักษณะภายนอกของโคลินีที่เจริญบนอาหารกึ่งแข็ง PDA ที่อุณหภูมิ 26 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 7 วัน มีลักษณะการสร้างเส้นใยสีขาว สีของสปอร์มีสีเขียว และเมื่อเจริญจะมีการเปลี่ยนสีของอาหารเป็นสีเหลือง ดังภาพที่ 4-18 โดยสายพันธุ์กล้ายกับสายพันธุ์ตั้งต้นไม่มีความแตกต่างกัน และเมื่อศึกษาลักษณะสัณฐานวิทยาของเส้นใยและสปอร์ภายในได้กล้องจุลทรรศน์ พบร่วมกับสปอร์มีลักษณะค่อนข้างกลมและขนาดเล็กมาก แต่ละสปอร์มีเพียง 1 เชลล์ ดังภาพที่ 4-19 พบร่วมกับสายพันธุ์กล้ายกับสายพันธุ์ตั้งต้นไม่มีความแตกต่างกัน

การศึกษาอัตราการเจริญเติบโตของ *T. reesei* TISTR 3081 และ E45-UV26

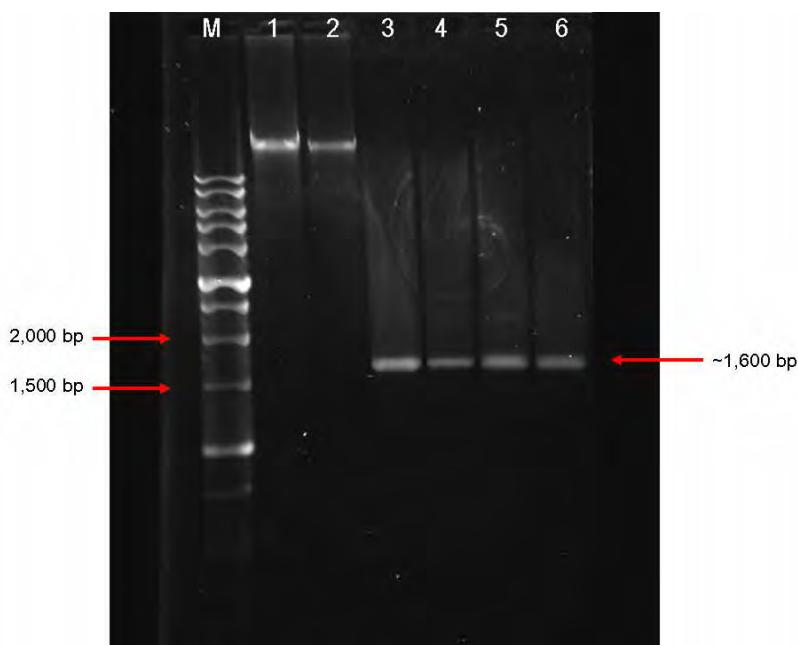
การศึกษาเปรียบเทียบอัตราการเจริญเติบโตของ *T. reesei* TISTR 3081 และ E45-UV26 โดยเลี้ยงเชื้อร้านในอาหารกึ่งแข็ง PDA เป็นเวลา 7 วัน ตัดเส้นใยด้วยเครื่องตัดจากคอร์กเบอร์ 10 ขนาดเส้นผ่าศูนย์กลาง 8 มิลลิเมตร แล้วนำมาเลี้ยงในอาหารเหลว PDB ในสภาวะเขย่าที่ 150 รอบต่อนาที อุณหภูมิ 30 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 24 วัน และเก็บผลน้ำหนักแห้งทุก ๆ 3 วัน ดังภาพที่ 4-20



ภาพที่ 4-20 อัตราการเจริญเติบโตของรา *T. reesei* TISTR 3081 และ E45-UV26 ที่เจริญในอาหารเหลว PDB เป็นเวลา 24 วัน โดยเก็บน้ำหนักแห้งทุก ๆ 3 วัน

4.6 การศึกษาความแตกต่างลำดับเบสระหว่าง *T. reesei* TISTR 3081 กับ E45-UV26

ทำการสกัดดีเอ็นเอ จากเชื้อ *T. reesei* TISTR 3081 และ E45-UV26 ที่เลี้ยงในอาหารเหลว PDB เป็นเวลา 7 วัน และชิ้นส่วนดีเอ็นเอบริเวณยีน *cbh1* และ *cbh2*



ภาพที่ 4-21 ชิ้นส่วนดีเอ็นเอบริเวณยีน *cbh1* (ขนาด 1,616 bp) และ *cbh2* (ขนาด 1,611 bp) บน 1 เปอร์เซ็นต์ เจลอะกาโรส ที่มี 0.004 เปอร์เซ็นต์ เอธิเดียมบีโน凄์ ที่กราฟฟ้าความต่างศักดิ์ 100 โวลต์ เป็นเวลา 60 นาที โดยใช้ไพรเมอร์ CBHIF CBHIR CBHIIIF และ CBHIIIR

ช่องที่ 1 เป็นดีเอ็นเอของ *T. reesei* TISTR 3081

ช่องที่ 2 เป็นดีเอ็นเอของ E45-UV26

ช่องที่ 3 เป็นชิ้นส่วนดีเอ็นเอบริเวณยีน *cbh1* ของ *T. reesei* TISTR 3081

ช่องที่ 4 เป็นชิ้นส่วนดีเอ็นเอบริเวณยีน *cbh1* ของ E45-UV26

ช่องที่ 5 เป็นชิ้นส่วนดีเอ็นเอบริเวณยีน *cbh2* ของ *T. reesei* TISTR 3081

ช่องที่ 6 เป็นชิ้นส่วนดีเอ็นเอบริเวณยีน *cbh2* ของ E45-UV26

ผลการตรวจสอบลำดับเบสบางส่วนในยีน *cbh1* บริเวณเบสที่มีการเปลี่ยนแปลง

661	710
WT-CGCAGCTGCC GTAAGTGACT TACCATGAAC CCCTGACGTA TCTTCTTG	
MT-CGCAGCTGCC GTAAGTGACT TACCATGAAC CCCTGACGTA TCTTCTTG	
711	760
WT-GGCTCCCAGC TGACTGGCCA ATTAAAGGTG CGGCTTGAAC GGAGCTCT	
MT-GGCTCCCAGC TGACTGGCCA ATTCAAGGTG CGGCTTGAAC GGAGCTCT	
761	810
WT-ACTTCGTGTC CATGGACGCG GATGGTGGCG TGAGCAAGTA TCCCACCAAC	
MT-ACTTCGTGTC CATGGACGCG GATGGTGGCG TGAGCAAGTA TCCCACCAAC	
811	860
WT-AACGCTGGCG CCAAGTACGG CACGGGGTAC TGTGACAGCC AGTGTCCCCG	
MT-ACCGCTGGCG CCAAGTACGG CACGGGGTAC TGTGACAGCC AGTGTCCCCG	
861	910
WT-CGATCTGAAG TTCATCAATG GCCAGGCCAA CGTTGAGGGC TGGGAGCCGT	
MT-CGATCTGAAG TTCATCAATG GCCAGGCCAA CGTTGAGGGC TGGGAGCCGT	
911	960
WT-CATCCAACAA CGCAAACACG GGCATTGGAG GACACGGAAG CTGCTGCTCT	
MT-CATCCAACAA CGCGAACACG GGCATTGGAG GACACGGAAG CTGCTGCTCT	

จากผลการตรวจสอบเบสบริเวณเบสลำดับที่ 661-960 ของ WT (*T. reesei* TISTR 3081) เปรียบเทียบกับ MT (E45-UV26) พบว่าสายพันธุ์คลายมีการเปลี่ยนเบส 4 ตำแหน่ง (ตัวอักษรสีแดง) คือส่วนที่เป็นอินทรอน 2 เบส คือที่ตำแหน่งเบสที่ 710 คือเปลี่ยนจาก G เป็น T และตำแหน่งเบสที่ 734 คือเปลี่ยนจาก T เป็น C ส่วนที่เป็นเอกซอนมีการเปลี่ยน 2 เบส คือตำแหน่งเบสที่ 812 เปลี่ยนจาก A เป็น C และตำแหน่งเบสที่ 924 เปลี่ยนจาก A เป็น G

4.7 การเพิ่มประสิทธิภาพการผลิตเซลลูเลสของสายพันธุ์กล้ายโดยใช้คลอชีน

นำเชื้อราไอโซเลต E45-UV24, E45-UV26, E45-UV39 ที่มีค่าเอกทิวตีจำเพาะสูงสุดของเบตา-กลูโคซิเดส เอกไซกูลูคานे�ส และเอนไดกูลูคานे�ส ตามลำดับ มาเพิ่มประสิทธิภาพการผลิตเซลลูเลสโดยใช้สารคลอชีน 0.1 เปอร์เซ็นต์ (W/V) โดยไอโซเลต E45-UV24 สามารถคัดแยกไอโซเลตได้ 51 ไอโซเลต ไอโซเลต E45-UV26 สามารถคัดแยกไอโซเลตได้ 59 ไอโซเลต และไอโซเลต E45-UV39 สามารถคัดแยกไอโซเลตได้ 69 ไอโซเลต

นำไอโซเลตที่คัดแยกได้มาทดสอบความสามารถในการผลิตเซลลูเลสขั้นต้นบนอาหาร CMC agar ได้ผลดังแสดงในตารางที่ 4-5, 4-6 และ 4-7

ตารางที่ 4-5 ความสามารถในการผลิตเซลลูเลสบนอาหาร CMC agar ของ E45-UV24 ที่เพิ่มประสิทธิภาพการผลิตเซลลูเลสด้วยโคลซีซีน 0.1 เปอร์เซ็นต์ (W/V) ที่มีอัตราส่วนระหว่างความกว้างโคโลนีต่อความกว้างของวงไสที่มีค่าน้อย 15 อันดับแรก

ไอโซเลต	ความกว้างของวงไส	ความกว้างของโคโลนี	อัตราส่วนเฉลี่ย
	เฉลี่ย [a] (mm)	เฉลี่ย [b] (mm)	[b/a]
EV24-C1	32.710	21.080	0.644 ^{d-i}
EV24-C4	31.867	20.550	0.645 ^{d-j}
EV24-C8	35.880	20.153	0.538 ^a
EV24-C23	35.533	20.167	0.557 ^{a-c}
EV24-C24	34.523	18.783	0.544 ^{ab}
EV24-C25	33.630	20.573	0.612 ^{c-e}
EV24-C27	32.443	20.040	0.618 ^{c-f}
EV24-C31	45.713	29.413	0.644 ^{d-i}
EV24-C33	34.663	18.387	0.530 ^a
EV24-C34	36.650	22.160	0.604 ^{b-d}
EV24-C37	30.773	19.593	0.636 ^{d-h}
EV24-C44	32.897	20.750	0.631 ^{d-g}
EV24-C46	32.290	20.803	0.645 ^{d-j}
EV24-C50	30.823	19.603	0.642 ^{d-h}
EV24-C51	31.083	19.640	0.632 ^{d-g}
WT	32.653	23.843	0.730
E45-UV24	35.570	25.830	0.726

หมายเหตุ ตัวอักษรพิมพ์เล็ก หมายถึงค่าอัตราส่วนเฉลี่ยของความกว้างโคโลนีต่อความกว้างของวงไสที่จากแต่ละไอโซเลตที่แตกต่างกันอย่างมีนัยสำคัญทางสถิติ

ตารางที่ 4-6 ความสามารถในการผลิตเซลลูเลสบนอาหาร CMC agar ของ E45-UV26 ที่เพิ่มประสิทธิภาพการผลิตเซลลูเลสด้วยโคลซีซีน 0.1 เปอร์เซ็นต์ (W/V) ที่มีอัตราส่วนระหว่างความกว้างโคโลนีต่อความกว้างของวงไส้มีค่าน้อย 15 อันดับแรก

ไอโซเลต	ความกว้างของวงไส	ความกว้างของโคโลนี	อัตราส่วนเฉลี่ย
	เฉลี่ย [a] (mm)	เฉลี่ย [b] (mm)	[b/a]
EV26-C5	32.777	20.830	0.636 ^{a-c}
EV26-C6	37.403	23.137	0.619 ^{ab}
EV26-C7	33.243	20.020	0.602 ^a
EV26-C9	35.453	22.253	0.628 ^{a-c}
EV26-C11	36.650	23.353	0.637 ^{a-d}
EV26-C18	40.813	26.573	0.648 ^{a-g}
EV26-C20	31.990	19.543	0.611 ^{ab}
EV26-C21	35.243	22.593	0.641 ^{a-e}
EV26-C23	36.897	22.637	0.614 ^{ab}
EV26-C25	34.770	22.160	0.637 ^{a-d}
EV26-C26	38.273	23.647	0.618 ^{ab}
EV26-C33	38.370	24.993	0.650 ^{a-h}
EV26-C37	36.080	23.117	0.641 ^{a-e}
EV26-C43	34.837	22.610	0.649 ^{a-g}
EV26-C52	37.560	24.137	0.642 ^{a-f}
WT	36.070	25.540	0.708
E45-UV26	35.453	24.770	0.699

หมายเหตุ ตัวอักษรพิมพ์เล็ก หมายถึงค่าอัตราส่วนเฉลี่ยของความกว้างโคโลนีต่อความกว้างของวงไสที่จากแต่ละไอโซเลตที่แตกต่างกันอย่างมีนัยสำคัญทางสถิติ

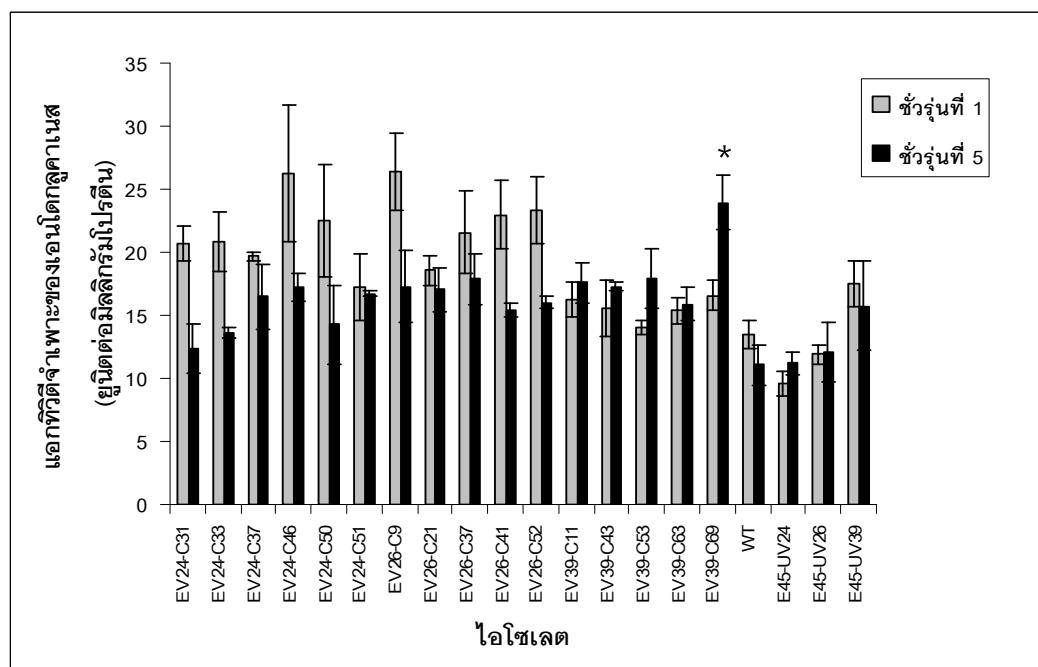
ตารางที่ 4-7 ความสามารถในการผลิตเซลลูเลสบนอาหาร CMC agar ของ E45-UV39 ที่เพิ่มประสิทธิภาพการผลิตเซลลูเลสตัวบินโคลนชีน 0.1 เปอร์เซ็นต์ (W/V) ที่มีอัตราส่วนระหว่างความกว้างโคโลนีต่อความกว้างของวงไส้มีค่าน้อย 15 อันดับแรก

ไอโซเลต	ความกว้างของวงไส	ความกว้างของโคโลนี	อัตราส่วนเฉลี่ย
	เฉลี่ย [a] (mm)	เฉลี่ย [b] (mm)	[b/a]
EV39-C1	37.060	19.747	0.533 ^{ab}
EV39-C3	41.240	21.560	0.523 ^a
EV39-C4	32.630	18.150	0.556 ^{a-d}
EV39-C5	40.577	23.427	0.577 ^{e-f}
EV39-C10	38.367	21.543	0.562 ^{a-e}
EV39-C11	35.980	20.837	0.580 ^{b-g}
EV39-C19	33.823	19.593	0.579 ^{b-g}
EV39-C24	37.620	22.257	0.592 ^{c-j}
EV39-C36	38.070	22.403	0.589 ^{c-h}
EV39-C43	38.810	21.593	0.556 ^{a-d}
EV39-C53	37.533	22.117	0.590 ^{c-h}
EV39-C57	37.520	22.247	0.594 ^{c-j}
EV39-C61	35.990	19.173	0.534 ^{ab}
EV39-C67	37.783	21.660	0.574 ^{a-f}
EV39-C69	37.877	20.847	0.551 ^{a-c}
WT	35.817	24.783	0.692
E45-UV39	37.160	22.950	0.609

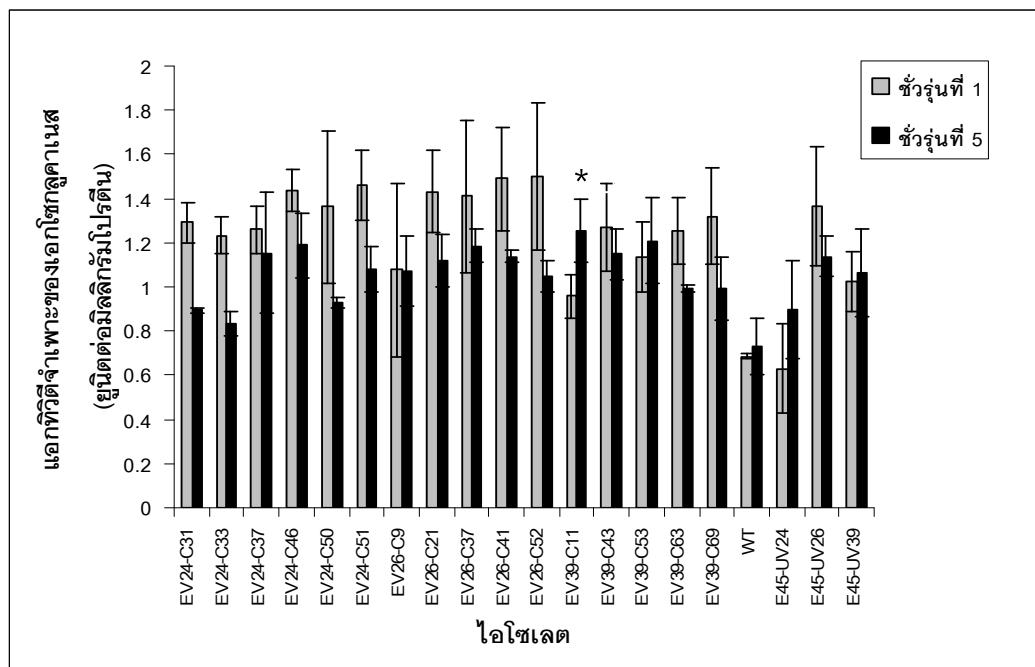
หมายเหตุ ตัวอักษรพิมพ์เล็ก หมายถึงค่าอัตราส่วนเฉลี่ยของความกว้างโคโลนีต่อความกว้างของวงไสที่จากแต่ละไอโซเลตที่แตกต่างกันอย่างมีนัยสำคัญทางสถิติ

จากตารางที่ 4-5, 4-6 และ 4-7 ทำการคัดเลือกไอโซเลตที่มีอัตราส่วนระหว่างความกว้างโดยลินีต่อความกว้างของวงไส้ที่มีค่า'n'อยู่ 5 อันดับแรก มาทดสอบความสามารถผลิตเซลลูเลสในอาหาร Mandels' medium

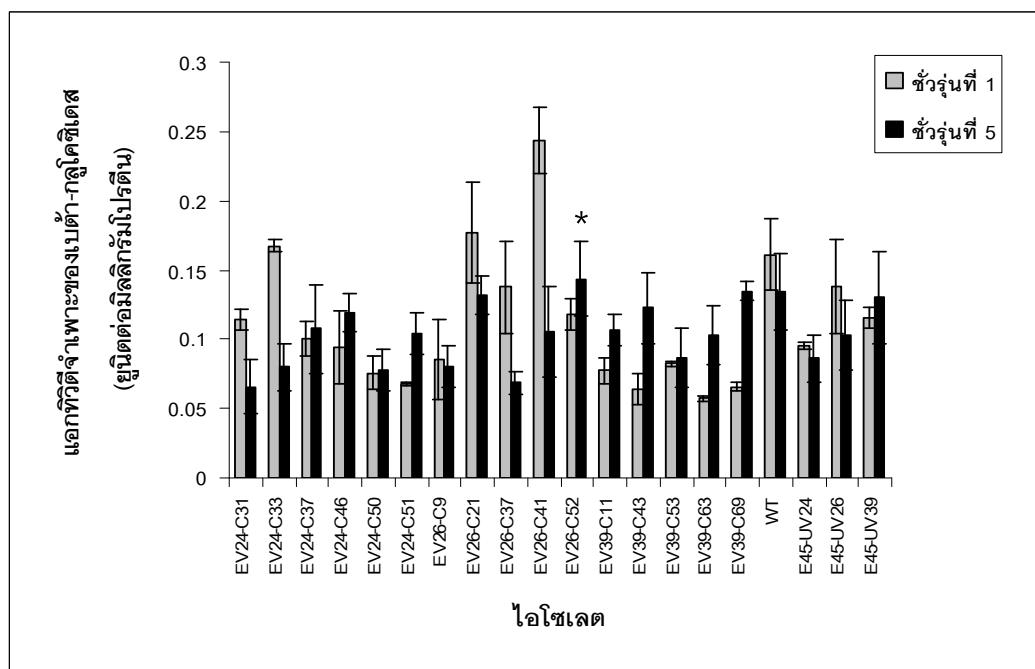
ทดสอบความสามารถการผลิตเซลลูเลสในอาหารเหลว Mandels' medium เพื่อนำมาวัดเอกทิวิตี และปริมาณโปรตีน เพื่อนำไปคำนวณหาเอกทิวิตีจำเพาะของเอนไซม์แต่ละชนิดต่อหน่วยมิลลิกรัมโปรตีนในชั่วรุ่นที่ 1 และที่ 5 โดยทำการวัดเอกทิวิตีเอนไซม์ 3 ชนิด คือ เอนโดกลูคานส์ ตั้งภาพที่ 4-22 เอกโซกลูคานส์ ตั้งภาพที่ 4-23 และ เปตา-กลูโคซิเดส ตั้งภาพที่ 4-24 (ค่าแสดงในภาคผนวก ๗)



ภาพที่ 4-22 ความสัมพันธ์ระหว่างไอโซเลตกับเอกทิวิตีจำเพาะเอนโดกลูคานส์ของราที่เพิ่มประสิทธิภาพการผลิตเซลลูเลสด้วยโคลชิชีน 0.1 เปอร์เซ็นต์ (W/V)



ภาพที่ 4-23 ความสัมพันธ์ระหว่างไอลิซเลตกับเอกทิวิตี้จำเพาะเอกไซคูลูคานีสของราทีเพิ่ม
ประสิทธิภาพการผลิตเซลลูเลสด้วยโคลชีน 0.1 เปอร์เซ็นต์ (W/V)



ภาพที่ 4-24 ความสัมพันธ์ระหว่างไอลิซเลตกับเอกทิวิตี้จำเพาะของเบตา-กลูโคซิเดส ของราทีเพิ่ม
ประสิทธิภาพการผลิตเซลลูเลสด้วยโคลชีน 0.1 เปอร์เซ็นต์ (W/V)

(ซึ่งกำหนดให้ 1 ยูนิตของเอนไซม์ คือ ปริมาณของเอนไซม์ที่สามารถเปลี่ยนสารตั้งต้นให้เป็นน้ำตาลรีดิวชัน 1 ไมโครโมล ในเวลา 1 นาที) (* หมายถึง ไอโซเลตที่มีแยกหิวตีจำเพาะในช่วงที่ 5 สูงสุด)

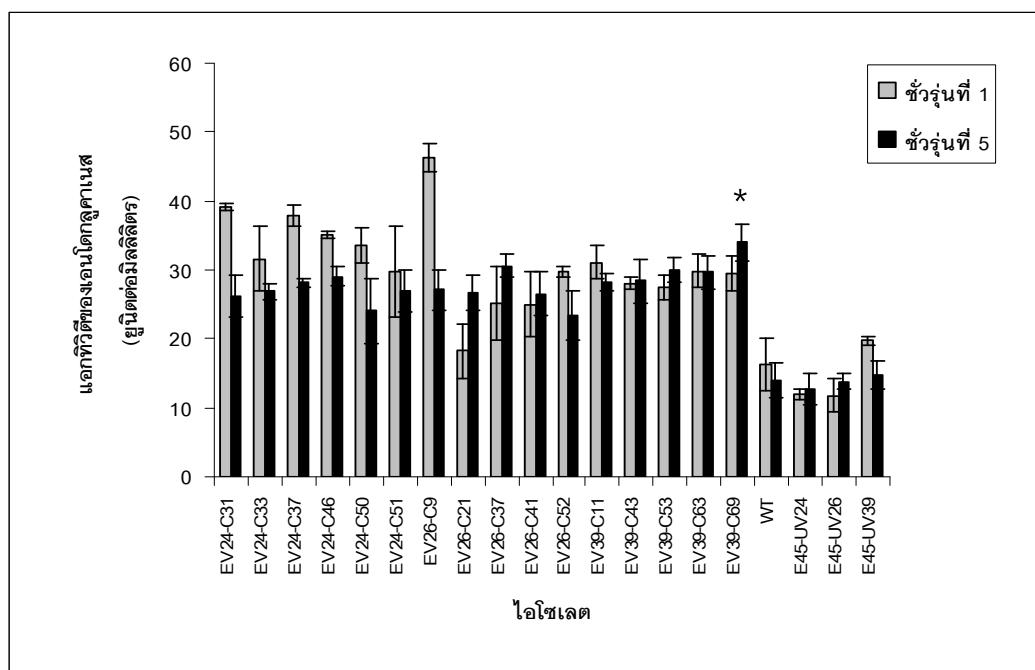
จากภาพที่ 4-22, 4-23 และ 4-24 พบว่าไอโซเลต EV39-C69 มีค่าแยกหิวตีจำเพาะของเอนไซม์โดยรวมดีที่สุดคือ 23.9380 ± 2.138 ยูนิตต่อมิลลิกรัมโปรตีน ส่วนไอโซเลต EV26-C11 มีค่าแยกหิวตีของจำเพาะเอกไซกูลูคานสูงที่สุด คือ 1.2538 ± 0.145 ยูนิตต่อมิลลิกรัมโปรตีน ส่วนไอโซเลต EV26-C52 มีค่าแยกหิวตีของเบตา-กลูโคซิเดสสูงที่สุด คือ 0.1436 ± 0.027 ยูนิตต่อมิลลิกรัมโปรตีน

จากการใช้ 0.1 เปอร์เซ็นต์สารโคลัมบีน พบร่วมกับไอโซเลต E39-C69 มีแยกหิวตีจำเพาะเอนไซม์โดยรวมดีที่สุดคือ โดยมีแยกหิวตีจำเพาะของเอนไซม์โดยรวมและเอกไซกูลูคานสูงกว่าสายพันธุ์ตั้งต้น (ดังตารางที่ 4-8) ซึ่งคิดเป็น 2.16 และ 1.35 เท่าตามลำดับ

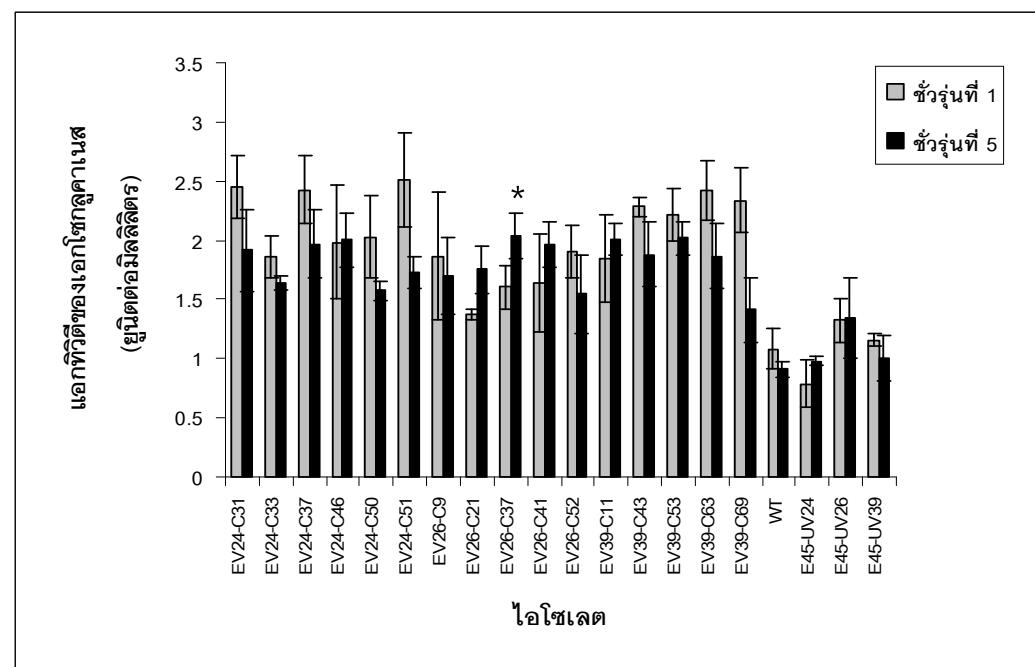
ตารางที่ 4-8 การเปรียบเทียบค่าแยกหิวตีจำเพาะของสายพันธุ์ตั้งต้นกับไอโซเลต EV39-C69

Strain	Specific activity (U/mg protein)			Protein (mg/ml)	
	Endoglucanase	Exoglucanase	β -glucosidase		
EV39-C69	23.938 \pm 2.14	0.991 \pm 0.14	0.135 \pm 0.01	1.422 \pm 0.07	
WT	11.074 \pm 1.62	0.733 \pm 0.13	0.134 \pm 0.03	1.258 \pm 0.16	

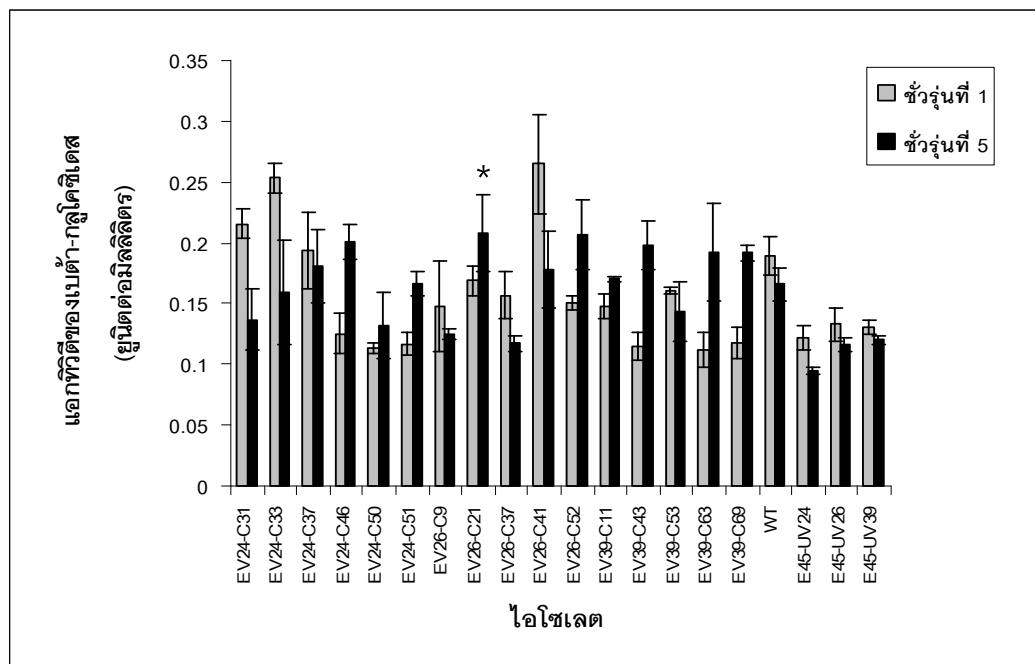
ทดสอบความสามารถการผลิตเซลลูเลสในอาหารเหลว Mandels' medium เพื่อนำมาวัดแยกหิวตี เพื่อนำไปคำนวณหาแยกหิวตีของเอนไซม์แต่ละชนิดในหน่วยยูนิตต่อมิลลิลิตร ในช่วงที่ 1 และที่ 5 โดยทำการวัดแยกหิวตีเอนไซม์ 3 ชนิด คือ เอนไซม์โดยรวม ดังภาพที่ 4-25 เอกไซกูลูคานส์ ดังภาพที่ 4-26 และ เบตา-กลูโคซิเดส ดังภาพที่ 4-27 (ค่าแสดงในภาคผนวก ๔)



ภาพที่ 4-25 ความสัมพันธ์ระหว่างไอกิโซเลตกับเอกทิวิตีเอนโดகลูคานสของราชพืชเมืองเพิ่มประสิทธิภาพการผลิตเซลลูลาเรสด้วยโคลชิซีน 0.1 เปอร์เซ็นต์ (W/V)



ภาพที่ 4-26 ความสัมพันธ์ระหว่างไอกิโซเลตกับเอกทิวิตีเอกไซกานสของราชพืชเมืองเพิ่มประสิทธิภาพการผลิตเซลลูลาเรสด้วยโคลชิซีน 0.1 เปอร์เซ็นต์ (W/V)



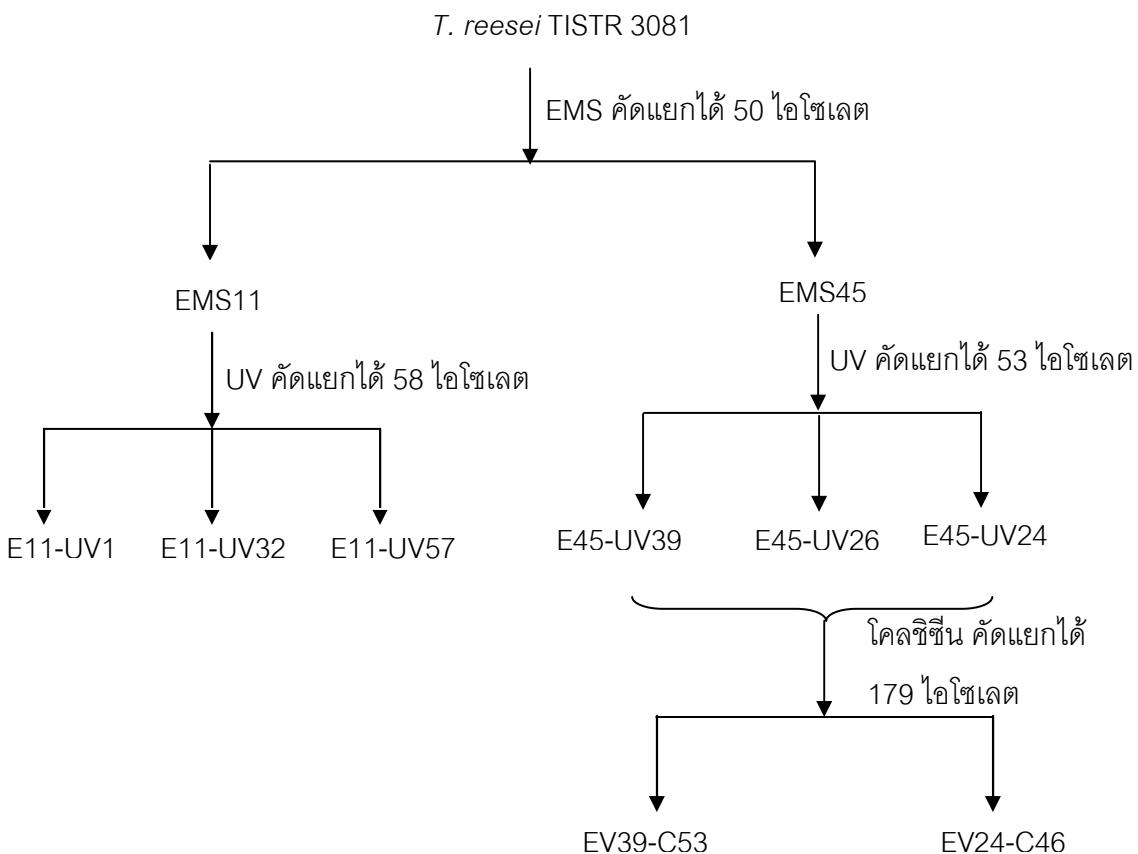
ภาพที่ 4-27 ความสัมพันธ์ระหว่าง ไอโซเลตกับแยกทิวิตีของเบตา-กลูโคซิเดส ของราทเพิ่มประสิทธิภาพการผลิตเซลลูลาสด้วยโคลชีซีน 0.1 เปอร์เซ็นต์ (W/V)

จากการเปรียบเทียบค่าแยกทิวิตีจำเพาะในหน่วยยูนิตต่อมิลลิตรพบว่ามีค่าต่ำเนื่องจากมีปริมาณโปรตีนที่เป็นตัวหารสูง เนื่องจากการทำโคลชีซีนเป็นการเพิ่มจำนวนครัวไมซ์มเป็นสองเท่า ทำให้มีการผลิตเอนไซม์ หรือโปรตีนเพิ่มมากขึ้นด้วย เมื่อคำนวณในหน่วยยูนิตต่อมิลลิตร จากภาพที่ 4-25, 4-26 และ 4-27 พบว่า ไอโซเลต EV39-C69 มีค่าแยกทิวิตีของเอนโดกลูคานสูงที่สุด คือ 33.9778 ± 2.658 ยูนิตต่อมิลลิลิตร ส่วนไอโซเลต EV26-C37 มีค่าแยกทิวิตีของเอกโซกลูคานสูงที่สุด คือ 2.0369 ± 0.197 ยูนิตต่อมิลลิลิตร ส่วนไอโซเลต EV26-C21 มีค่าแยกทิวิตีของเบตา-กลูโคซิเดสสูงที่สุด คือ 0.2079 ± 0.031 ยูนิตต่อมิลลิลิตร

จากการใช้ 0.1 เปอร์เซ็นต์สารโคลชีซีน พบร่วมกับ ไอโซเลต E39-C69 มีแยกทิวิตีในหน่วยยูนิตต่อมิลลิลิตรเอนไซม์โดยรวมดีที่สุดคือ โดยมีแยกทิวิตีของเอนโดกลูคานส์ เอกโซกลูคานส์ และเบตา-กลูโคซิเดสสูงกว่าสายพันธุ์ตั้งต้น (ดังตารางที่ 4-9) ซึ่งคิดเป็น 2.09, 2.20 และ 1.21 เท่าตามลำดับ

ตารางที่ 4-9 การเปรียบเทียบค่าเอกทิวิตีจำเพาะของสายพันธุ์ตั้งต้นกับไอโซเลต EV24-C46

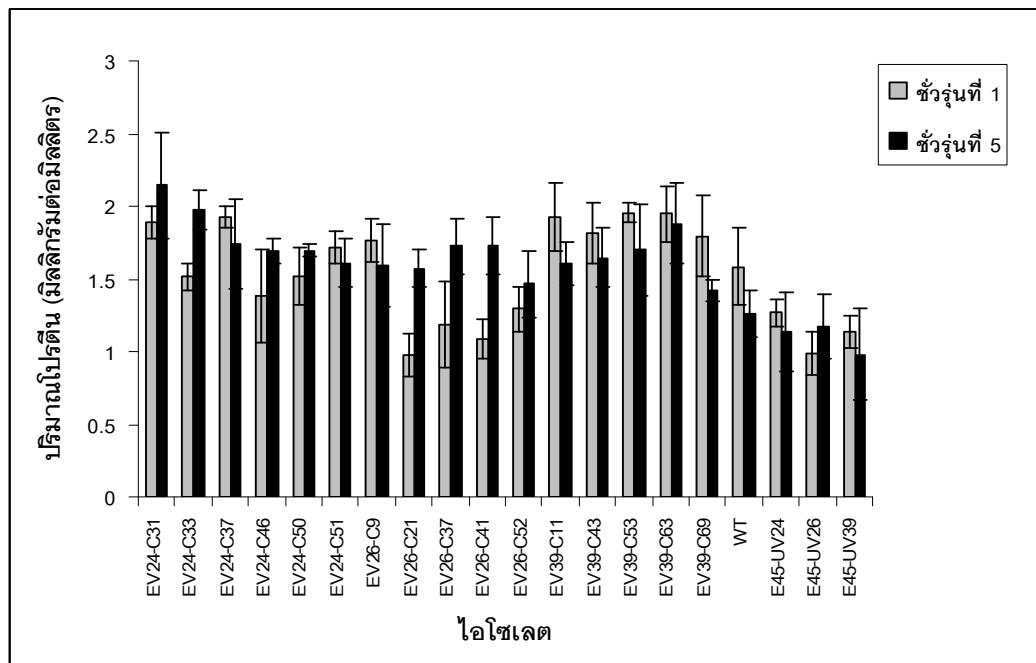
Strain	Specific activity (U/mg protein)			Protein (mg/ml)	
	Endoglucanase	Exoglucanase	β -glucosidase		
EV24-C46	29.090 ± 1.46	2.003 ± 0.23	0.200 ± 0.02	1.690 ± 0.09	
WT	13.934 ± 2.60	0.909 ± 0.07	0.166 ± 0.01	1.258 ± 0.16	



ภาพที่ 4-28 แผนผังการกลายพันธุ์ของเชื้อ *T. reesei* TISTR 3081 ในงานวิจัย

จากภาพที่ 4-28 เลือกไอโซเลต E45-UV39, E45-UV26 และ E45-UV24 เนื่องจากมีเอกทิวิตีจำเพาะของเอนโดกลูแคนส์ เอกโซกลูแคนส์ และเบตา-กลูโคซิเดสสูงตามลำดับ เมื่อเปรียบเทียบกับไอโซเลตอื่น ๆ โดยใช้ 0.1 เปอร์เซ็นต์สารคลอชีนกับไอโซเลต 3 ไอโซเลต พบร้า EV39-C53 มีเอกทิวิตีจำเพาะของเอนโดกลูแคนส์ เอกโซกลูแคนสสูง เมื่อคำนวณเอกทิวิตีในหน่วยยูนิตต่อมิลลิลิตร จะได้ไอโซเลต EV24-C46 มีเอกทิวิตีของเอนโดกลูแคนส์ เอกโซกลูแคนส์ และเบตา-กลูโคซิเดสสูงกว่าสายพันธุ์ตั้งต้น

**การเปรียบเทียบปริมาณโปรตีนของเชื้อที่ผ่านการเพิ่มประสิทธิภาพการผลิต
เซลลูเลสด้วยโคลชิซินกับสายพันธุ์ตั้งต้น**

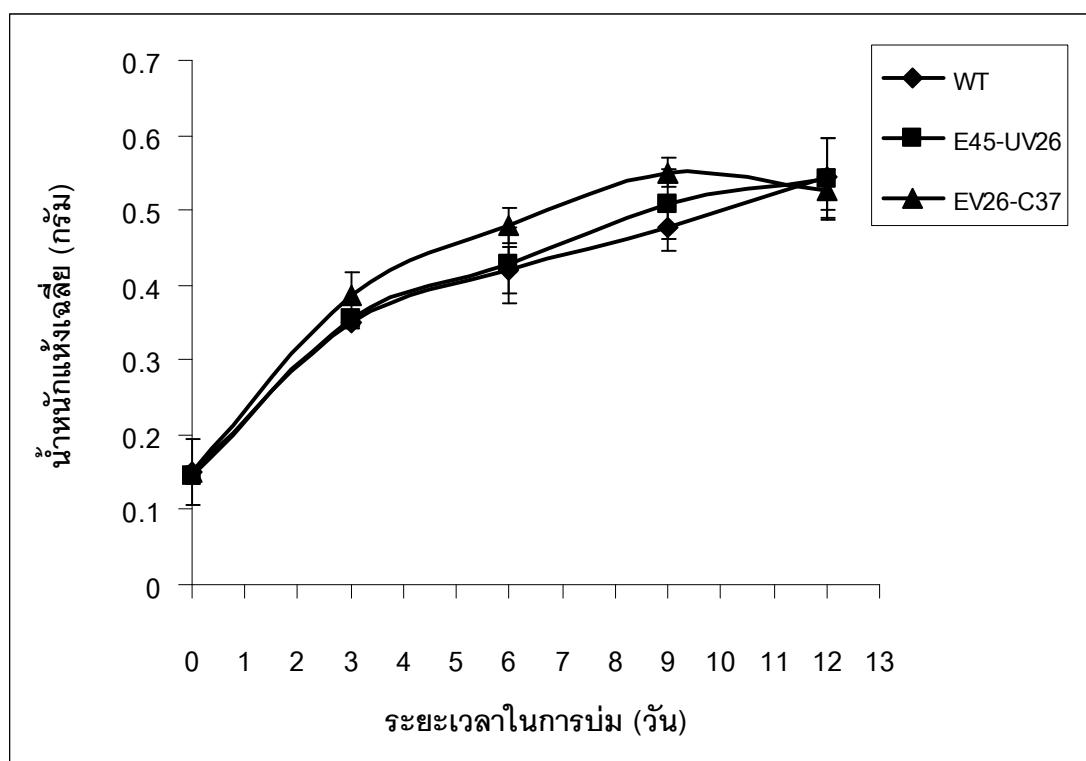


ภาพที่ 4-29 ความสัมพันธ์ระหว่างไอโซเลตกับปริมาณโปรตีนระหว่างชั้วรุ่นที่ 1 และชั้วรุ่นที่ 5 ของสายพันธุ์กลาญที่ผ่านการเพิ่มประสิทธิภาพการผลิตเซลลูเลสด้วยโคลชิซิน กับสายพันธุ์ตั้งต้น และสายพันธุ์กลาญ

จากภาพที่ 4-29 ทำการศึกษาเปรียบเทียบปริมาณโปรตีนของเชื้อที่ผ่านการเพิ่มประสิทธิภาพการผลิตเซลลูเลสด้วยโคลชิซิน กับสายพันธุ์ตั้งต้น และสายพันธุ์กลาญ พบร่วมกันว่า ไอโซเลตที่ผ่านการเพิ่มประสิทธิภาพการผลิตเซลลูเลสมีปริมาณโปรตีนสูงกว่าสายพันธุ์ตั้งต้น และสายพันธุ์กลาญ (ค่าแสดงในภาคผนวก ๔)

การศึกษาอัตราการเจริญเติบโตของ *T. reesei* TISTR 3081 และ E45-UV26 และ EV26-C37

การศึกษาเปรียบเทียบอัตราการเจริญเติบโตของ *T. reesei* TISTR 3081, E45-UV26 (เข็ือที่ผ่านการเหนี่ยวนำให้เกิดสายพันธุ์กลาดด้วยสารอีโค้มเอกสารร่วมกับการใช้รังสีอัลตราไวโอเลต) และ EV26-C37 (ได้มาจากการใช้สารคลอชีนกับไออกซเลต E45-UV26) โดยเลี้ยงเชื้อรานในอาหาร กึ่งแข็ง PDA เป็นเวลา 7 วัน ตัดเส้นใยด้วยเครื่องตัดจุดคอร์กเบอร์ 10 ขนาดเส้นผ่าศูนย์กลาง 8 มิลลิเมตร และนำมาระบายน้ำในอาหาร เหลว PDB ในสภาพขยายตัวที่ 150 รอบต่อนาที อุณหภูมิ 30 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 24 วัน และเก็บผลน้ำหนักแห้งทุก ๆ 3 วัน ตั้งภาพที่ 4-30



ภาพที่ 4-30 อัตราการเจริญเติบโตของรา *T. reesei* TISTR 3081, E45-UV26 และ EV26-C37 ที่เจริญในอาหารเหลว PDB เป็นเวลา 24 วัน โดยเก็บน้ำหนักแห้งทุก ๆ 3 วัน

บทที่ 5

วิจารณ์ผลการทดลอง

การศึกษาลักษณะทางสัณฐานวิทยา

การศึกษาลักษณะทางสัณฐานวิทยาบนอาหารกึ่งแข็ง PDA เชื้อรา *T. reesei* TISTR 3081 โดยศึกษาลักษณะภายนอกของโคลินีที่เจริญบนอาหารกึ่งแข็ง PDA ที่อุณหภูมิ 26 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 7 วัน มีลักษณะการสร้างเส้นใยสีขาว สีของสปอร์มีสีเขียว และเมื่อเจริญจะมีการเปลี่ยนสีของอาหารเป็นสีเหลือง และเมื่อศึกษาลักษณะสัณฐานวิทยาของเส้นใยและสปอร์ภายในตัวกล้องจุลทรรศน์พบว่ามีสปอร์มีลักษณะค่อนข้างกลมและขนาดเล็กมาก แต่ละสปอร์มมีเพียง 1 เซลล์ จากการศึกษาสัณฐานวิทยาของรา *T. reesei* TISTR 3081 ทำให้ทราบว่าเชื้อราชนิดนี้มีการผลิตสปอร์จำนวนมาก สามารถสังเกตได้จากการเลี้ยงบนอาหาร PDA เป็นเวลา 2-3 วัน จะเห็นว่ามีการสร้างสปอร์เกิดขึ้น รวมถึงภายในสปอร์มีเพียงเซลล์เดียว ทำให่ง่ายต่อการนำสปอร์ของราชนิดนี้มาถ่ายพัฒน์เนื่องจากสปอร์เป็นส่วนที่นำออกมากได้ง่าย สามารถคัดแยกสปอร์เดียวออกจากมาได้ ทำให่ง่ายต่อการคัดแยกโคลินีเดียวและมีความไวต่อการกระตุ้นจากรังสีหรือสารเคมี ในงานที่ไปบีจินมานำสปอร์ของเชื้อรา มาเห็นว่าให้เกิดการถ่ายพัฒน์ เช่นเดียวกับงานศึกษาของ Kuhad และคณะ (1994) ที่เห็นว่าให้เกิดการถ่ายพัฒน์โดยใช้สปอร์ของเชื้อ *Fusarium oxysporum* ซึ่งใช้รังสีอัลตราไวโอเลตร่วมกับการใช้สารเอนทีฟี และการศึกษาของ Gadgil และคณะ (1995) ที่เห็นว่าให้เกิดการถ่ายพัฒน์โดยใช้สปอร์ของเชื้อ *T. reesei* QM 9414 โดยใช้ NaNO_2 ร่วมกับการใช้รังสีอัลตราไวโอเลต

การเห็นว่าให้เกิดการถ่ายพัฒน์ด้วยสารอีโคเมอส

จากการนำ *T. reesei* TISTR 3081 มาเห็นว่าให้เกิดการถ่ายพัฒน์ เนื่องจากใช้ส่วนของสปอร์มาทำการถ่ายพัฒน์ โดยนำสปอร์มาละลายด้วย 0.02 มิลลิกรัมเพตบัฟเฟอร์ พีเอช 7.0 กับ ทวีน-80 ที่ผ่านการฟiltration แล้วในอัตราส่วน 5,000:1 โดยสารทวีน-80 เป็นสารที่ช่วยลดแรงตึงผิว เนื่องจากที่ผิวของสปอร์รากส่วนใหญ่จะมีองค์ประกอบที่เป็นไขมัน เมื่อใช้ทวีน-80 แล้วจะทำให้สปอร์ที่อยู่ร่วมกันเป็นกลุ่มก้อนจะกระจายตัวออกจากกันได้ดีขึ้น โดยความเข้มข้นของสปอร์ไม่ควรมากกว่า 10^8 เซลล์ต่อมิลลิลิตร ซึ่งถ้าความเข้มข้นของสปอร์มาก ก็จะทำให้โอกาสที่สารจะ

สัมผัสกับสปอร์ลดลง (Clowes และ Hay, 1968) จากการใช้สารอีเม็มເເສມາເໜີຍນໍາໄທເກີດກາລາຍພັນຖຸ ໃນກາຮັດລອງຈະກຳນັດເວລາໃນກາຮັດໃຫຍ່ສາວົບສປອຣ໌ 30 ນາທີ ສປາວະເຂົ້າທີ່ຄວາມເຈົ້າ 150 ຮອບຕ່ອນນາທີ ເພື່ອໃຫ້ສປອຣກັບສາວົບສປອຣ໌ 3 ຊົ່ວໂມງ ເວັ່ນແຮງຈະຕ້ອງມີກາລາຄວາມເຂັ້ມໝັ້ນທີ່ເໝາະສົມຂອງສາວົບສປອຣ໌ ໃຫ້ ໂດຍກາຮັດກາລາພົກຕ້ອງກາຮັດ (survival curve) ຈາກກາຮັດສຶກຂາຂອງ Chand ແລະ ຄນະ (2004) ອັດກາຮັດອູ່ຮອດທີ່ 0-50 ເປົ້ອຣັ້ນຕີ ເປັນຊ່ວງທີ່ທໍາໃຫ້ເກີດກາລາຍພັນຖຸທີ່ເໝາະສົມ ໃນກາຮັດກາລາພັນຖຸດ້ວຍສາວົບເອົນທີ່ຈີ ແຕ່ຊ່ວງອັດກາຮັດກວ້າງມາກ ໃນກາຮັດກາລາຍພັນຖຸແບບສຸ່ມຈະໄດ້ເໜີຍລູກຫລານມາກມາຍ ແລະ ໄມສາມາດຈຳແນກຄວາມແຕກຕ່າງຂອງເຂົ້າໂດຍສັງເກດຈາກລັກຜະກາຍນອກໄດ້ ທີ່ສິ່ງການຈຳກັດອັດກາຮັດທີ່ນ້ອຍລົງເພື່ອສາມາດທຳໃຫ້ຄັດເລືອກໄດ້ຢ່າຍຍິ່ງຂຶ້ນ ຜູ້ຮັດລອງຈຶ່ງສົນໄຈເຂົ້າທີ່ມີອັດກາຮັດອູ່ຮອດທີ່ 0-1 ເປົ້ອຣັ້ນຕີ ຂ່ວງຄວາມເຂັ້ມໝັ້ນທີ່ທີ່ໃຫ້ສາວເອທິລມີເຫັນຫຼຸლໂຟເນັຕ 0, 0.12, 0.24, 0.36, 0.48, 0.60, 0.72 ແລະ 0.84 ກຽມຕ່ອມິລິລິຕີ ທີ່ຮະດັບຄວາມເຂັ້ມໝັ້ນຂອງສາວົບສປອຣ໌ທີ່ 0.72 ແລະ 0.84 ກຽມຕ່ອມິລິລິຕີ ທຳໄໝມີອັດກາຮັດອູ່ຮອດຂອງເຂົ້ານ້ອຍກວ່າ 1 ເປົ້ອຣັ້ນຕີ ທີ່ເປັນຈຸດທີ່ຄາດວ່າສປອຣ໌ໄດ້ຮັບສາວເຄມີໃນຮະດັບຄວາມເຂັ້ມໝັ້ນສູງ ແລະ ຍັງສາມາດອູ່ຮອດໄດ້ ດັ່ງນັ້ນຈຶ່ງມີໂຄກສົ່ງທີ່ຈະເປັນເຂົ້າທີ່ກາລາຍພັນຖຸສູງ ໃນກາຮັດລອງກາລາຍພັນຖຸສາຍພັນຖຸທັງຕົ້ນ ພບວ່າທີ່ຄວາມເຂັ້ມໝັ້ນຂອງສາວົບສປອຣ໌ 0.72 ກຽມຕ່ອມິລິລິຕີ ມີອັດກາຮັດອູ່ຮອດ 0.98 ເປົ້ອຣັ້ນຕີ ແລະ 0.84 ກຽມຕ່ອມິລິລິຕີ ມີອັດກາຮັດອູ່ຮອດ 0.65 ເປົ້ອຣັ້ນຕີ ຈະເຫັນໄດ້ວ່າເມື່ອເພີ່ມຄວາມເຂັ້ມໝັ້ນຂອງສາວົບສປອຣ໌ ຈະທຳໄໝມີອັດກາຮັດຂອງເຂົ້ານ້ອຍລົງ ທີ່ມີປັດຈຸນາຈັກຄວາມເຂັ້ມໝັ້ນຂອງສາວົບສປອຣ໌ ເສດວ່າ ໃນກາຮັດກາລາຍສປອຣ໌ ແລະ ວະຍະເວລາໃນກາຮັດໃຫ້ສາວລະລາຍສປອຣ໌ ເພື່ອເກີດກາລາຍພັນຖຸ ເອັນໂດກລູກຄານສູງທີ່ສຸດ ດືອນ 14.0279 ± 1.246 ຍຸນິຕ່ອມິລິລິກຮັມໂປຣຕິນ ສູງກວ່າສາຍພັນຖຸທັງຕົ້ນ 1.16 ເທົ່າ ສ່ວນໄໂໂໂເລັດ EMS49 ມີຄ່າແອກທິວິຕີຈຳເພາະຂອງເອັນໂດກລູກຄານສູງທີ່ສຸດ ດືອນ 0.9421 ± 0.1002 ຍຸນິຕ່ອມິລິລິກຮັມໂປຣຕິນ ສູງກວ່າສາຍພັນຖຸທັງຕົ້ນ 1.44 ເທົ່າ ແລະ ໄໂໂໂເລັດ EMS50 ມີຄ່າແອກທິວິຕີຈຳເພາະຂອງເບັຕາ-ກລູໂຄສີເດສສູງທີ່ສຸດ ດືອນ 0.0941 ± 0.038 ຍຸນິຕ່ອມິລິລິກຮັມໂປຣຕິນ ສູງກວ່າສາຍພັນຖຸທັງຕົ້ນ 1.16 ເທົ່າ ທີ່ສາວົບສປອຣ໌ສາມາດທຳໄໝເຂົ້າມີແອກທິວິຕີຈຳເພາະທີ່ສູງຂຶ້ນ ໂດຍສອດຄລ້ອງກັບການວິຈີຍຂອງ Durand ແລະ Clonet (1987) ທີ່ທຳກາຮັດເໜີຍນໍາໃຫ້ເກີດກາລາຍພັນຖຸ ດ້ວຍສາວົບສປອຣ໌ 5-20 ເປົ້ອຣັ້ນຕີ ທີ່ໃຫ້ສາວ 0.1 ມິລິລິຕີ ຕ່ອ 1 ມິລິລິຕີ ຂອງສາວລະລາຍສປອຣ໌ ພບວ່າໄດ້ສາຍພັນຖຸ ກາລາຍທີ່ມີແອກທິວິຕີເອັນໂດກລູກຄານສູງກວ່າສາຍພັນຖຸທັງຕົ້ນ 2.5 ເທົ່າ ແລະ ແອກທິວິຕີເບັຕາ-ກລູໂຄສີເດສສູງກວ່າສາຍພັນຖຸທັງຕົ້ນ 2 ເທົ່າ ໂດຍໃຫ້ 2 ເປົ້ອຣັ້ນຕີ ຂອງເໜີຍລູໂລສເປັນແລ່ງຄາວົບອນ

การเหนีyanนำให้เกิดการกลایพันธุ์ด้วยรังสีอัลตราไวโอลेट

ในการกลัยพันธุ์ด้วยรังสีอัลตราไวโอลेट ส่วนใหญ่เลือกไอกโซเลตที่มีอัตราการรอดอยู่ที่ 0.1-5.0 เบอร์เซ็นต์ เป็นส่วนที่ทำให้เกิดการกลัยพันธุ์ได้ที่สุดสำหรับการคัดเลือกสายพันธุ์กลัย (Fantini, 1975) อัตราการอยู่รอดของจุลินทรีย์จะขึ้นอยู่กับ ระยะห่างระหว่างหลอดกำเนิดแสงกับ จานที่บรรจุสปอร์และทำการกลัยพันธุ์ กำลังของหลอดรังสีอัลตราไวโอลेट ลักษณะและความ เชิงเรืองของเชื้อจุลินทรีย์ ในกรณีนี้จะเลือกอัตราการรอดน้อยกว่า 1 เบอร์เซ็นต์ สำหรับการ คัดเลือก โดยใช้หลอดชายแสงขั้นต่ำ 10 วัตต์ จำนวน 5 หลอด และ ระยะห่างระหว่างแหล่งกำเนิดแสง กับสปอร์ 20 เซนติเมตร ซึ่งในขณะที่ทำการฉายรังสี อัลตราไวโอลे�ตจำเป็นต้องเปิดฝาจานออก และกวนสารละลายสปอร์ด้วยแห้งแม่เหล็กเพื่อให้ สปอร์ได้รับรังสีอัลตราไวโอลे�ตอย่างทั่วถึง และเท่า ๆ กัน ความเข้มข้นของสปอร์ไม่ควรมากกว่า 10^8 เซลล์ต่อมิลลิลิตร ซึ่งถ้าความเข้มข้นของสปอร์มาก ก็จะทำให้อโอกาสที่แสงอัลตราไวโอลे�ตจะ สัมผัสกับสปอร์ลดลง และอาจจะไม่ได้รับแสงอย่างทั่วถึง รวมถึงในการเตรียมสารละลายสปอร์ เพื่อใช้ในการฉายรังสีควรจะลดลง และจากนี้จะไม่ได้รับแสงอย่างทั่วถึง รวมถึงในการเตรียมสารละลาย สปอร์ในอาหารเลี้ยงเชื้อ อาหารเลี้ยงเชื้อสามารถดูดซับแสงอัลตราไวโอลे�ตได้มาก ทำให้รังสี อัลตราไวโอลे�ตผ่านไปสู่สปอร์ได้ลดลง นอกจากนี้อาจทำให้เกิดการสร้างสารพิษ หรือสารอินทรีย์ ต่าง ๆ ที่สามารถบกวนการทำให้ระยะเวลาในการฉายรังสีอัลตราไวโอลे�ตต้องยาวนานขึ้น (Clowes และ Hay, 1968) ในงานวิจัยใช้ระยะเวลาที่ทำให้อัตราการรอดน้อยกว่า 1 เบอร์เซ็นต์อยู่ที่ 6, 8, 10 และ 12 นาที ในการฉายรังสีอัลตราไวโอลे�ตของ EMS45 ที่มีการผลิตเอนโดกลูคานส์ และ เอกไซกูลูคานส์ โดยที่ช่วงเวลา 6 นาที อัตราการรอดของเชื้ออยู่ที่ 0.77 เบอร์เซ็นต์ ช่วงเวลา 8 นาที อัตราการรอดของเชื้ออยู่ที่ 0.12 เบอร์เซ็นต์ และช่วงเวลา 10 นาที อัตราการรอดของเชื้ออยู่ ที่ 0.01 เบอร์เซ็นต์ จะเห็นได้ว่าเมื่อใช้เวลาในการฉายรังสีให้มีมากขึ้น อัตราการอยู่รอดของเชื้อจะ มีน้อยลง ซึ่งเกิดมาจากการจำนวนหลอด และกำลังของหลอดกำเนิดรังสีอัลตราไวโอลे�ต รวมถึงความ เข้มข้นของสารละลายสปอร์ ดังนั้นในการปรับปรุงสายพันธุ์ด้วยรังสีอัลตราไวโอลे�ตควรนึกถึง ปัจจัยต่าง ๆ และหาสภาวะเหมาะสมที่เกี่ยวข้องกับปัจจัยข้างต้น เพื่อเพิ่มโอกาสการได้เชื้อสาย พันธุ์กลัยเพิ่มมากขึ้น ผลกระทบจากการฉายรังสีอัลตราไวโอลे�ตจะทำให้เกิดไดเมอร์ โอกาสที่พบมาก ที่สุดคือ ไทมีนไดเมอร์ (thymine dimer) ทำให้ไทมีนไม่สามารถจับคู่กับอะดีนีนที่อยู่สายตรงข้าม ได้ จึงต้องมีการซ่อมแซมซึ่งมี 2 วิธี คือ การซ่อมแซมที่ไม่ใช้แสง (excision repair) และการ ซ่อมแซมที่ต้องอาศัยแสง (photoreactivation) ดังนั้นหลังจากทำการฉายรังสีอัลตราไวโอลे�ต จำเป็นต้องนำไปไว้ในที่มืดอย่างน้อย 24 ชั่วโมง เพื่อป้องกันการเกิดการซ่อมแซมแบบใช้แสง

(Sinha และ Hader, 2002) ซึ่งในบางกรณีเซลล์ที่เกิดการกลایบบริเวณที่จำเป็นต่อการอยู่รอด เช่น เกิดบริเวณที่เกี่ยวข้องกับการสังเคราะห์โปรตีนที่เป็นเอนไซม์ ทำให้ความสามารถในการผลิตเอนไซม์เปลี่ยนแปลงไป ซึ่งเอนไซมนั้นที่จำเป็นต่อการเจริญเติบโตก็สามารถทำให้เซลล์นั้นอ่อนแอก และตายได้ และเนื่องจากการกลایพันธุ์ด้วยสารอีเม็มเอส หรือการกลایพันธุ์ด้วยรังสี อัลตราไวโอเลตเป็นการกลัยพันธุ์แบบสุ่ม ดังนั้นอาจมีบางไオโซเลตทำให้แยกทิวีจำเพาะลดลง หรือแยกทิวีเพิ่มขึ้นได้ และในบางครั้งอาจทำให้แยกทิวีสูงเพียงรุ่นแรก แต่เมื่อทดลองรุ่นต่อไป อาจมีการซ้อมแซมตัวเองเพื่อให้กลับมาเป็นเหมือนเดิม หรือลดลง เพื่อจะสามารถมีชีวิตอยู่รอดต่อไป จากผลการทดลองความสามารถในการผลิตเซลล์ลูเลสจะใช้การคำนวณแยกทิวีจำเพาะ ที่มีหน่วยเป็น ยูนิตต่อมิลลิกรัมโปรดตีน พ布ว่าแยกทิวีจำเพาะของเอนโดกลูคานे�สของไオโซเลต E45-UV32 เมื่อวัดแยกทิวีจำเพาะรุ่นที่ 1 พบร่วมแยกทิวีจำเพาะเท่ากับ 19.7205 ± 0.179 ยูนิตต่อมิลลิกรัมโปรดตีน สูงกว่าสายพันธุ์ตั้งต้น 1.86 เท่า แต่เมื่อวัดแยกทิวีจำเพาะรุ่นที่ 5 ไオโซเลต E45-UV32 มีแยกทิวีจำเพาะเท่ากับ $6.7674.0 \pm 0.597$ ยูนิตต่อมิลลิตร ซึ่งน้อยกว่าสายพันธุ์ตั้งต้นถึง 1.57 เท่า จะเห็นได้ว่าในบางครั้งการกลัยพันธุ์ด้วยรังสีอัลตราไวโอเลตจะทำให้เชื้อมีแยกทิวีที่สูงขึ้นในช่วงรุ่นแรก แต่เมื่อเป็นรุ่นต่อไปก็จะเกิดการเปลี่ยนแปลงอาจจะทำให้เกิดการเปลี่ยนแปลงที่ดีขึ้นหรือด้อยลงก็เป็นได้ ซึ่งเป็นปกติสำหรับการเห็นiyawana ให้เกิดสายพันธุ์กลัยด้วยวิธีแบบสุ่ม ซึ่งไม่สามารถรู้ได้ว่าเชื้อไオโซเลตไหนจะมีการกลัยพันธุ์ และกล้ายในทางที่ดีขึ้น หรือด้อยลง จนกว่าจะมีการทดสอบกับอาหารเหลว และวัดค่าแยกทิวีจำเพาะ การที่แยกทิวีลดลงจนต่ำกว่าสายพันธุ์ตั้งต้นก็เป็นส่วนหนึ่งเท่านั้น ในการทดลองยังพบว่าการกลัยพันธุ์ข้าวที่ทดสอบในช่วงรุ่นที่ 5 ก็ยังมีความสามารถผลิตเซลล์ลูเลสสูงกว่าสายพันธุ์ตั้งต้น ยกตัวอย่างการเห็นiyawana ให้เกิดการกลัยพันธุ์ด้วยสารอีเม็มเอส และกลัยพันธุ์ข้าวด้วยรังสีอัลตราไวโอเลตไオโซเลต E45-UV39 มีค่าแยกทิวีจำเพาะของ เอนโดกลูคานे�สสูงที่สุดคือ 15.1447 ± 0.266 ยูนิตต่อมิลลิกรัมโปรดตีน คิดเป็น 1.43 เท่า ของสายพันธุ์ตั้งต้น ส่วนไオโซเลต E45-UV26 มีค่าแยกทิวีจำเพาะของเอนโดกลูคานे�สสูงที่สุด คือ 0.7777 ± 0.056 ยูนิตต่อมิลลิกรัมโปรดตีน คิดเป็น 1.69 เท่า ของสายพันธุ์ตั้งต้น ส่วนไオโซเลต E45-UV 24 มีค่าแยกทิวีจำเพาะของเบตา-กลูโคซิเดสสูงที่สุดคือ 0.1568 ± 0.043 ยูนิตต่อมิลลิกรัมโปรดตีน คิดเป็น 3.00 เท่าของสายพันธุ์ตั้งต้น ซึ่งมีค่าแยกทิวีจำเพาะสูงกว่าสายพันธุ์ตั้งต้น แสดงถึงว่าการกลัยพันธุ์ตั้งต้น Morikawa และคณะ (1985) ได้ทำการทดลองเห็นiyawana ให้เกิดการกลัยพันธุ์ด้วยรังสีอัลตราไวโอเลต 30-40 นาที ร่วมกับการใช้ 0.25 มิลลิกรัม ของสารอีนที่จีกับเชื้อ *T. reesei* พบร่วม มีการผลิตเอนโดกลูคานे�ส, Avi-ase และ FPase สูงกว่าสายพันธุ์ตั้งต้น 2 เท่า เช่นเดียวกับงานวิจัยของ Kuhad และคณะ (1994) ได้ใช้สารละลายสปอร์ของ *Fusarium oxysporum* มา

เห็นี่ยวนำให้เกิดการกลایพันธุ์ด้วยรังสีอัลตราไวโอเลต 5-30นาที ร่วมกับการใช้ 100 ไมโครกรัม ต่อมิลลิลิตร เป็นเวลา 30-60 นาที ของสารเอ็นทีจี พบว่ามีการผลิตเอกโซกลูคานส เอนโดกลูคานส และเบตา-กลูโคซิเดส กิตเป็น 2.89, 2.3 และ 4.25 เท่า ตามลำดับ ของสายพันธุ์ตั้งต้น

ในการคัดเลือกไอกโซเลตที่ได้จากการเห็นี่ยวนำให้เกิดการกลัยพันธุ์ทั้ง ด้วยสารอีเมลเอส และรังสีอัลตราไวโอเลต จะใช้อาหารกิงเจ็ง CMC agar ที่มี carboxymethylcellulose เป็นชั้บสเตรท โดย carboxymethylcellulose จะทำปฏิกิริยา กับสี congo red ทำให้ในบริเวณที่ carboxymethylcellulose ถูกนำไปใช้จะไม่ติดสีแดงทำให้เกิดเป็นวงใส จากนั้นวัดขนาดโคลินี และขนาดของวงใส เพื่อนำไปคำนวณอัตราส่วนระหว่างความกว้างโคลินีกับวงใสที่เกิดขึ้น ซึ่งถ้าค่าใกล้ค่า 0 แสดงว่า มีการเจริญของเชื้อน้อย แต่มีการผลิตเอนไซม์มาก ในอาหาร CMC agar นั้น จำเป็นต้องใส่ไตรตอน เอกซ์-100 เพื่อยับยั้งการเจริญของรา เนื่องจากเชื้อรากมีการเจริญเติบโตที่รวดเร็วมาก โดยมีการผลิตเส้นใยขึ้นมาก สังเกตได้จากการทำการเลี้ยงบนจานเพาะเชื้อ 3-4 วัน โคลินีร้าได้เจริญเกือบทั่วทั้งจานเพาะเชื้อ ทำให้ในขั้นตอนการข้อมด้วยสี congo red ทำให้มีเห็นวงใส และเอนไซม์จะสามารถเห็นขึ้นในวันที่ 5 จึงต้องใช้ไตรตอน เอกซ์-100 เพื่อยับยั้งการเจริญของ เส้นใย โดยจากการศึกษาของ Morikawa และคณะ (1985) ได้ใช้ 0.1 เปอร์เซ็นต์ไตรตอน เอกซ์-100 และ 0.4 เปอร์เซ็นต์ L-sorbose ผสมลงในอาหารกิงเจ็งที่มี rose bengal ที่ใช้สำหรับคัดเลือกเชื้อที่ผ่านการเห็นี่ยวนำให้เกิดการกลัยพันธุ์ด้วยรังสีอัลตราไวโอเลต และสารเอ็นทีจี โดยไตรตอน เอกซ์-100 ยับยั้งการเจริญของเส้นใย ซึ่งไม่มีผลต่อการผลิตเอนไซม์ อย่างไรก็ตาม การใช้ CMC agar เป็นวิธีการวัดปริมาณเอนไซม์อย่างประมาณเท่านั้น ไม่สามารถบอกปริมาณเอนไซม์ที่แน่นอนได้ ซึ่งหมายความว่าการคัดเลือกในขั้นต้น และใช้เพื่อคัดเลือกสายพันธุ์กลัยที่มีจำนวนมาก ให้เกิดการทดลองที่รวดเร็วขึ้น ซึ่งสามารถดัดแปลงให้มีจำนวนลดลง จากนั้นต้องนำราที่ผ่านการเห็นี่ยวนำมาลงเลี้ยงในอาหารเหลว Mandels' medium เพื่อหาเอกพิวิติที่แน่นอนในแต่ละเอนไซม์เอนโดกลูคานส เอกโซกลูคานส เบตา-กลูโคซิเดส การวัดแยกทิวิติของเซลลูลูเลส จะวัดเอนไซม์ที่เกี่ยวข้อง 3 ชนิด ได้แก่ เอนโดกลูคานส เอกโซกลูคานส และเบตา-กลูโคซิเดส โดยเอนโดกลูคานสจะใช้ carboxymethylcellulose เป็นชั้บสเตรท ซึ่ง carboxymethylcellulose มีโครงสร้างและการจัดเรียงตัวคล้ายกับ amorphous cellulose ส่วนเอกโซกลูคานสจะใช้กระดาษกรองเบอร์ 1 เป็นชั้บสเตรทเนื่องจากกระดาษกรองเป็นเซลลูลูโลสประเทท crystalline cellulose ส่วนเบตา-กลูโคซิเดสจะใช้ salicin เป็นชั้บสเตรท เนื่องจาก salicin มีลักษณะคล้ายกับเซลลูลูโลส การเลี้ยงเพื่อวัดแยกทิวิติจะเลี้ยงในอาหารสูตรของ Mandels' medium โดยอาหารมีการปรับค่าความเป็นกรดด่างอยู่ที่ 5 เนื่องจากค่าความเป็นกรดด่างที่เหมาะสมที่สุดที่ใช้สำหรับ

การผลิตเซลลูเลส (Duff และ Murray, 1996) การวัดแยกทิวิตีเอนไซม์แต่ละชนิดจะให้ทำปฏิกิริยาที่อุณหภูมิ 50 องศาเซลเซียส เนื่องจากเซลลูเลสสามารถทำงานดี และเสถียรที่สุดในการอยู่อย่าง stalayเซลลูโลส (Nevalainen และคณะ, 1994)

การทดสอบความต้านทานยาปฏิชีวนะเพื่อใช้คัดเลือกสายพันธุ์กล้าย

ความสามารถในการต้านทานยาปฏิชีวนะ หรือความไวต่อสารเคมีบางชนิดที่สามารถยับยั้งการเจริญของราศีสินไจ เป็นวิธีหนึ่งที่นิยมใช้กันในการคัดเลือกสายพันธุ์กล้าย สารเหล่านี้ได้แก่ คีโตโคนาโซล แอมโพเทอโรซิน บี (amphotericin B) ไนสเตรติน (nystatin) และมาลาไซท์ กรีน (malachite-green) (Perlman, 1979) จากการศึกษาของ Li และ Chang (1991) ใช้มาลาไซท์ กรีน และ คริสตัลไวโอลेट มาใช้ในการคัดเลือกสายพันธุ์กล้ายของ *Volvariella volvacea* และจาก การศึกษาของ Schimenti (1983) ได้ใช้ไนสเตรตินความเข้มข้น 6 ไมโครกรัมต่อมิลลิลิตร ผสมในอาหาร Vogel's salt agar medium การคัดเลือกสายพันธุ์กล้าย *T. reesei* ที่เกิดจากการกล้าย พันธุ์ด้วยวังสีอัดตราไวโอลेट และจากการศึกษาของ Chand และคณะ (2005) ที่เนี่ยยนำให้เกิดสายพันธุ์กล้ายของ *Trichoderma* และ *Aspergillus* ด้วยสารเร็นทีจี และเอชีเดียมบีเมอร์ โดยใช้ยาปฏิชีวนะแอมโพเทอโรซิน บี มาคัดเลือกสายพันธุ์กล้าย จากการทดลองนี้จึงเลือกใช้ แอมโพเทอโรซิน บี เนื่องจากหาซื้อได้ง่าย และง่ายต่อการนำมาใช้ สามารถทำให้เชื้อตั้งต้นไม่สามารถเจริญเติบโตได้ในช่วงความเข้มข้นอยู่ที่ 40 ไมโครกรัมต่อมิลลิลิตร จึงใช้ระดับความเข้มข้น เดียวกันมาใช้กับเชื้อที่ผ่านการเหนี่ยวนำให้เกิดสายพันธุ์กล้าย และพบว่าไโอลีต E45-UV39 สามารถเจริญในอาหารกึ่งแข็ง PDA ที่มีแอมโพเทอโรซิน บี ที่ความเข้มข้น 40 ไมโครกรัมต่อมิลลิลิตร ได้เจ็บน้อย โดยยาปฏิชีวนะชนิดแอมโพเทอโรซิน บี จะมีผลต่อเซลล์เมมเบรน ในกระบวนการ active transport ที่ใช้พลังงานเข้าช่วยและมีการขับสารบางอย่างออกนอกเซลล์ เช่น เอนไซม์สำหรับการสร้างผนังเซลล์ ยาปฏิชีวนะมีผลไปขัดขวางหน้าที่ของเซลล์เป็นผลทำให้การนำสารเข้าสู่เซลล์ออกจากเซลล์ปกติ ทำให้เซลล์ตายได้ (บัญญัติ สุขศรีงาม, 2534) แต่ในความเป็นจริงแล้วการกล้ายพันธุ์แบบปะปะใช้สารเคมี และการใช้รังสีอัดตราไวโอลे�ตเป็นการกล้ายพันธุ์แบบสุ่ม และมีผลต่อลำดับเบสในนิวคลีโอไทด์ โดยไม่สามารถทราบได้ว่าทำให้ยืนบริเวณใดเกิดการเปลี่ยนแปลงไป ซึ่งถ้าไม่ได้เปลี่ยนในยีนที่สามารถย่อยลายยาปฏิชีวนะ หรือสารที่ยับยั้งการเจริญ ก็ไม่สามารถบ่งบอกได้ว่ามีการกล้ายพันธุ์หรือไม่ เพราะลักษณะของโคลนี ก็อาจจะไม่แตกต่างกับสายพันธุ์ตั้งต้น อาจกล่าวได้ว่าสายพันธุ์กล้ายนี้อาจมีการเปลี่ยนแปลงที่ไม่ใช่ตัวแทน ที่ต้านทานยาปฏิชีวนะ

การศึกษาเปรียบเทียบลักษณะทางสัณฐานวิทยาของ *T. reesei* TISTR 3081 และ E45-UV 26

การศึกษาความแตกต่างของสายพันธุ์กล้าย วิธีที่ง่ายที่สุดคือการสังเกตลักษณะภายนอก และลักษณะทางสัณฐานวิทยาภายในได้ก่อตั้งจากทรัตน์ เช่น ลักษณะโคลนี ลักษณะของสปอร์ และปริมาณการผลิตสปอร์ รวมถึงอัตราการเจริญเติบโตในอาหารเหลว ว่ามีการเปลี่ยนแปลงไป เมื่อเทียบกับสายพันธุ์ตั้งต้นหรือไม่ จากการทำกรากลายพันธุ์ช้าด้วยรังสีอัลตราไวโอเลตพบเพียง 2 ไอโซเลต ที่สังเกตได้ชัดเจนว่ามีการเจริญเติบโตต่างจากสายพันธุ์ตั้งต้น เมื่อนำมาเลี้ยงบนอาหารกึ่งแข็ง PDA มีการเจริญที่ช้าลง และมีการสร้างสปอร์น้อยลงมาก และทั้ง 2 ไอโซเลตมีการผลิตเซลลูโลสต่ำกว่าสายพันธุ์ตั้งต้น จากงานทดลองและในกราฟทดลองนี้ ๆ พบร้อยมากที่มีการเปลี่ยนแปลงอย่างเด่นชัดที่สังเกตได้จากลักษณะดังกล่าว และจากการศึกษาเปรียบเทียบความแตกต่างทางสัณฐานวิทยาของสายพันธุ์ตั้งต้น และ E45-UV26 พบว่าลักษณะทางสัณฐานวิทยาบนอาหารกึ่งแข็ง PDA และภายในได้ก่อตั้งจุลทรัตน์ มีลักษณะไม่แตกต่างกันระหว่างสายพันธุ์ตั้งต้น และไอโซเลต E45-UV26 จากการศึกษาของ Agrawal Deepika และ Joseph (1998) ได้ทำให้ยันนำให้เกิดสายพันธุ์กล้ายของ *Aspergillus* sp. และ *Penicillium* sp. ด้วยสารอีเม็มเอส และรังสีอัลตราไวโอเลต พบร่วมกับสายพันธุ์ตั้งต้นมีความแตกต่างกัน แต่เมื่อทดสอบอัตราการเจริญเติบโตพบว่า สายพันธุ์ตั้งต้นมีน้ำหนักแห้งของเซลล์ 96 มิลลิกรัมต่อ 100 มิลลิลิตร ในระหว่างที่เชื้อที่มีกรากลายด้วยสารอีเม็มเอสมีน้ำหนักเซลล์แห้ง 100 มิลลิกรัมต่อ 100 มิลลิลิตร และเชื้อที่มีกรากลายด้วยรังสีอัลตราไวโอเลตมีน้ำหนักเซลล์แห้ง 78 มิลลิกรัมต่อ 100 มิลลิลิตร อาจกล่าวได้ว่าสายพันธุ์กล้ายที่มีกรากลายด้วยรังสีอัลตราไวโอเลตจะมีผลต่อการเจริญของเซลล์ซึ่งอาจจะทำให้มีการเจริญของจุลินทรีย์เปลี่ยนแปลงไปจากเดิม ในงานวิจัยจากการสังเกตลักษณะทางภายนอก และลักษณะทางสัณฐานวิทยาไม่สามารถระบุได้ว่ามีกรากลายพันธุ์หรือไม่ เนื่องจากไม่พบความแตกต่าง จึงต้องมีวิธีในการพิสูจน์ว่ามีกรากลายพันธุ์จริง

การเปรียบเทียบลำดับเบสของยีน *cbh1* และ *cbh2* ระหว่าง *T. reesei* TISTR 3081 กับ E45-UV26

การศึกษาความแตกต่างของลำดับเบสในนิวคลีโอไทด์ เป็นวิธีการหาลำดับเบสของยีนที่เกี่ยวข้องกับการผลิตเอนไซม์ที่สนใจว่ามีการเปลี่ยนแปลงไปหรือไม่ ซึ่งจากการทดลองสนใจ *cbh1* และ *cbh2* ซึ่งเป็นยีนที่มีผลต่อการสร้างເออกโซคูลานส์ และในการทดลองไอโซเลต

E45-UV26 มีการเปลี่ยนแปลงในการผลิตເອກໂຫຼດຄານີສທີ່ເພີ່ມສູງຂຶ້ນຈາກສາຍພັນຖຸຕັ້ງຕັ້ນ ຈຶ່ງນໍາ E45-UV26 ນາහາລຳດັບເບສບຣິເວນຢືນທີ່ກີ່ວຽ່ຂອງກັບກາຮສ້າງເອກໂຫຼດຄານີສ ດືອນ *cbh1* ແລະ *cbh2* ໂດຍພບວ່າໄອໂຫຼເຕ E45-UV26 ມີກາຮປ່ອມແປງແບສໃນນິວຄລີໂໄທ໌ 4 ເບສ ໃນ *cbh1* ດືອນສ່ວນທີ່ເປັນອິນທຽນ 2 ເບສ ດືອນທີ່ຕຳແໜ່ງເບສທີ່ 710 ດືອນປ່ອມແປງຈາກ G ເປັນ T ແລະຕຳແໜ່ງເບສທີ່ 734 ດືອນປ່ອມແປງຈາກ T ເປັນ C ສ່ວນທີ່ເປັນເອກຫອນ ມີກາຮປ່ອມ 2 ເບສ ດືອນຕຳແໜ່ງເບສທີ່ 812 ປ່ອມແປງຈາກ A ເປັນ C ແລະຕຳແໜ່ງເບສທີ່ 924 ປ່ອມແປງຈາກ A ເປັນ G ອາຈກລ່າວ່າໄດ້ວ່າສາຍພັນຖຸກລາຍ E45-UV26 ທີ່ມີກາຮປ່ອມແປງແບສທີ່ເພີ່ມຂຶ້ນເປັນຜລເນື່ອງມາກຈາກສາຣີເອັມເຂສ ຮົ້ວງສີຂັດຕາໄວໂຫຼເຕ ມີຜລທຳໄໝເກີດກາຮປ່ອມແປງແບສຢືນທີ່ກົບຄຸມກາຮປ່ອມແປງແບສ ຊຶ່ງກາຮທີ່ໃຊ້ສິ່ງເໜື່ອຍຸ່ນນໍາໄໝເກີດກາຮກລາຍພັນຖຸກລາຍທີ່ມີສາຍພັນຖຸກຮມແຕກຕ່າງຈາກສາຍພັນຖຸຕັ້ງຕັ້ນມາກຂຶ້ນ ແລະທຳໄໝໂຄກສທີ່ມີກາຮກລາຍພັນຖຸກລັບ (reverse mutation) ທີ່ມີສາຍພັນຖຸກຮມເໜື່ອນສາຍພັນຖຸຕັ້ງຕັ້ນນ້ອຍລົງ (Fantini, 1975) ໂດຍສອດຄລ້ອງກັບການວິຈີຍໜຶ່ງມີກາຮທຳກາຮເໜື່ອຍຸ່ນນໍາໄໝເກີດສາຍພັນຖຸກລາຍດ້ວຍສາຣີເອັມເຂສ ລ່ວມກັບກາຮໃຊ້ກາຮຈາຍຮັງສີຂັດຕາໄວໂຫຼເຕ ຈາກກາຮທີ່ມີເບສປ່ອມແປງໄປ 4 ຕຳແໜ່ງ ຈະນໍາສ່ວນຂອງເອກຫອນມາພິຈາຮນາເໜື່ອງຈາກມືບທາທໃນກາຮສັງເຄຣະໜີໂປຣຕິນ ແລະຈາກກາຮທົດສອບກາຮສັງເຄຣະໜີໂປຣຕິນພບວ່າຈາກກາຮທີ່ເບສຕຳແໜ່ງຂອງເອກຫອນປ່ອມແປງໄປ 2 ຕຳແໜ່ງທຳໄໝມີກາຮສັງເຄຣະໜີກຣດອະນີປ່ອມແປງໄປ 1 ກຣດ ດືອນປ່ອມແປງຈາກ Asparagine ໄປເປັນ Threonine

ກາຮເພີ່ມປະສິທິກາພກາຮປ່ອມແປງແບສຂອງສາຍພັນຖຸກລາຍໂດຍໃຊ້ໂຄລື້ຈື້ນ

ຈາກກາຮເພີ່ມປະສິທິກາພໂດຍໃຊ້ສາຣໂຄລື້ຈື້ນ ໂດຍສາຣໂຄລື້ຈື້ນເປັນສາຣທີ່ທຳໄໝເກີດພອລິພລອຍ໌ ຊຶ່ງເປັນສາຣທີ່ຍັບຍັງກາຮທຳກາຮນໍາທີ່ຂອງ spindle fiber ທີ່ມີໜ້າທີ່ດຶງໂຄຣໂມໂໝມໄປຢັງຂ້າວຂອງເໜີລົດໃນຂບວນກາຮແປ່ງເໜີລົດລະຍະເມທາເຟສ ທຳໄໝໂຄຣໂມໂໝມໄມ່ຖຸກດຶງໄປຢັງຂ້າວເໜີລົດມີຜລທຳໄໝເໜີລົດມີຈຳນວນໂຄຣໂມໂໝມເປັນສອງທ່ານຮີ້ອມກວ່າ ກາຮໃຊ້ສາຣໂຄລື້ຈື້ນນັ້ນໄໝສາມາຮນາເປົກໂຮ້ເໜີນຕົວ ກາຮອຸ່ຽນຮອດໄດ້ ເໜື່ອງຈາກສາຣນີ່ໄມ່ກ່ອໄໝເກີດກາຮຕາຍ ໂດຍສາຣໂຄລື້ຈື້ນໄມ່ກ່ອໄໝເກີດກາຮຕາຍຂອງເໜີຈຸດິນທີ່ຢີໃນກາຮທົດລອງຈຶງໃຊ້ກາຮເໜີ້ມີ້ນັ້ນຂອງໂຄລື້ຈື້ນ 0.1 ເປົກໂຮ້ເໜີນຕົວ ເປັນເວລາ 20 ວັນ ແລະຈະໃຊ້ອາຫາຮ selection medium (Toyama ແລະຄຄນ, 2000) ໃນກາຮຕັດເລືອກເໜີລົດ ໂດຍເປັນອາຫາຮກົງແຈ້ງໂດຍອາຫາຮມີລັກຜະນະເປັນ 2 ຂັ້ນ ດືອນອາຫາຮນັ້ນລ່າງມືບຣິມາຕຣ 10 ມິລລິລິຕຣ ແລະທຳກາຮເກລີຍເໜື້ອທີ່ຜ່ານກາຮເໜື່ອຍຸ່ນນໍາໄໝເກີດມີວິທີ່ຕັ້ງຕັ້ນ ໂຄລື້ຈື້ນ 100 ໄນໂຄຣລິຕຣ ນຳໄປປ່ານທີ່ 26 ອົງຄາເໜີລົດເໜີສ ເປັນເວລາ 24 ຂ້າໂມງ ແລ້ວຮັດທັບດ້ວຍອາຫາຮນັ້ນບນ 100 ມິລລິລິຕຣ ໂດຍອາຫາຮນັ້ນບນມື້ແລລິພາ-ເໜີລົດໂລສ ເໜີທີ່ສາມາຮນາເຈີຍຂຶ້ນມາໄດ້ຕ້ອງມີກາຮສາມາຮນາໃຊ້ແລລິພາ-ເໜີລົດໂລສເປັນແລລ່ງຄາຮບອນ

ได้ดี ดังนั้นจะต้องมีการผลิตเชลลูโลสสูง จึงใช้วิธีนี้ในการคัดเลือกเชื้อที่ผ่านการเหนี่ยวนำด้วยสารโคลชีซีน สามารถคัดเลือกเชื้อได้ทั้งหมด 179 ไอโซเลต พบว่าไอโซเลต EV39-C69 มีค่าเอกทิวิตีจำเพาะของเอนโดกลูคานสูงที่สุด คือ 23.9380 ± 2.138 ยูนิตต่อมิลลิกรัมโปรตีน ส่วนไอโซเลต EV26-C11 มีค่าเอกทิวิตีจำเพาะของเอกโซกลูคานสูงที่สุด คือ 1.2538 ± 0.145 ยูนิตต่อมิลลิกรัมโปรตีน ส่วนไอโซเลต EV26-C52 มีค่าเอกทิวิตีจำเพาะของเบตา-กลูโคซิเดสูงที่สุด คือ 0.1436 ± 0.027 ยูนิตต่อมิลลิกรัมโปรตีน โดยเมื่อมีการเปรียบเทียบเอกทิวิต่อปริมาณโปรตีนแล้วพบว่ามีเอกทิวิตีจำเพาะต่ำ บางไอโซเลตมีเอกทิวิตีจำเพาะต่ำกว่าสายพันธุ์ควบคุมเนื่องมาจากปริมาณโปรตีนที่ผลิตได้น้อยมีปริมาณที่สูง ดังนั้นเวลานำไปคำนวณหาเอกทิวิตีจำเพาะในหน่วยยูนิตต่อมิลลิกรัมโปรตีน จึงมีค่าเอกทิวิตีจำเพาะต่ำ แต่เมื่อไม่นำปริมาณโปรตีนมาคำนวณ โดยคิดเป็นค่าเอกทิวิตีในหน่วยยูนิตต่อมิลลิตร พบว่าไอโซเลต EV39-C69 มีค่าเอกทิวิตีของเอนโดกลูคานสูงที่สุด คือ 33.9778 ± 2.658 ยูนิตต่อมิลลิตร สูงกว่าสายพันธุ์ดั้งเดิม 2.44 เท่า ส่วนไอโซเลต EV26-C37 มีค่าเอกทิวิตีจำเพาะของเอกสารกูคานสูงที่สุด คือ 2.0369 ± 0.197 ยูนิตต่อมิลลิตร สูงกว่าสายพันธุ์ดั้งเดิม 2.24 เท่า ส่วนไอโซเลต EV26-C21 มีค่าเอกทิวิตีของเบตา-กลูโคซิเดสูงที่สุด คือ 0.2079 ± 0.031 ยูนิตต่อมิลลิตร สูงกว่าสายพันธุ์ดั้งเดิม 1.25 เท่า ซึ่งการใช้โคลชีซีนมีผลทำให้มีการผลิตเอนไซม์ที่สูงขึ้น และสังเกตว่าอัตราการเจริญเติบโตเพิ่มมากขึ้นในช่วง exponential phase เมื่อเทียบกับสายพันธุ์ดั้งเดิม และสายพันธุ์ภายใน สดคลล้องกับงานวิจัยของ Sarangbin และคณะ (1994) ได้ทำการเหนี่ยวนำให้เกิดโพลิพลอยด์โดยการใช้สารโคลชีซีนในเชื้อ *Aspergillus niger* WU-2223L เพื่อเพิ่มประสิทธิภาพการผลิตกรดซิตริกพบว่าสามารถทำให้มีการผลิตกรดซิตริกได้มากกว่าสายพันธุ์ดั้งเดิมถึง 1.4 เท่า และอัตราการเจริญของเส้นใยไอโซเลตที่ได้รับสารโคลชีซีนเพิ่มมากขึ้นเมื่อเทียบกับสายพันธุ์ดั้งเดิม

บทที่ 6

สรุปผลการทดลอง

จากการทำการเหนี่ยวนำให้เกิดสายพันธุ์กล้ายในสปอร์ของ *T. reesei* TISTR 3081 ด้วยการใช้สารอีเอมแอล สามารถคัดแยกเชื้อได้ทั้งหมด 50 ไอโซเลต พบร่วมกับEMS49 มีค่าเอกทิวิตี้จำเพาะของ เอนโดกลูคานสูงที่สุด มากกว่าสายพันธุ์ตั้งต้น 1.16 เท่า ไอโซเลต EMS45 มีค่าเอกทิวิตี้จำเพาะของ เอกไซกลูคานสูงที่สุด มากกว่าสายพันธุ์ตั้งต้น 1.44 เท่า และ ไอโซเลต EMS50 มีค่าเอกทิวิตี้จำเพาะของเบตา-กลูโคซิเดสูงที่สุด มากกว่าสายพันธุ์ตั้งต้น 1.16 เท่า และ ทั้ง 3 ไอโซเลต ได้จากการใช้สารอีเอมแอล 0.84 กรัมต่อมิลลิลิตร หลังจากนั้นเลือกไอโซเลต EMS11 ที่มีเอกทิวิตี้จำเพาะของเบตา-กลูโคซิเดสูงที่สุดในชั้วรุ่นที่ 1 และ ไอโซเลต EMS45 ที่มีเอกทิวิตี้จำเพาะของเอนโดกลูคานสและเอกไซกลูคานสูงในชั้วรุ่นที่ 1 มาเหนี่ยวนำให้เกิดการกล้ายพันธุ์ขึ้นด้วยรังสีอัลตราไวโอเลต

จากการทำการเหนี่ยวนำให้เกิดสายพันธุ์กล้ายขึ้นในสปอร์ของไอโซเลต EMS11 ด้วยการใช้รังสีอัลตราไวโอเลต สามารถคัดแยกเชื้อได้ทั้งหมด 58 ไอโซเลต พบร่วมกับไอโซเลต EMS11-UV1 มีค่าเอกทิวิตี้จำเพาะของเอนโดกลูคานสูงที่สุด มากกว่าสายพันธุ์ตั้งต้น 1.36 เท่า ไอโซเลต EMS11-UV32 มีค่าเอกทิวิตี้จำเพาะของ เอกไซกลูคานสูงที่สุด มากกว่าสายพันธุ์ตั้งต้น 1.12 เท่า และ ไอโซเลต EMS11-UV57 มีค่าเอกทิวิตี้จำเพาะของเบตา-กลูโคซิเดสูงที่สุด มากกว่าสายพันธุ์ตั้งต้น 1.63 เท่า ซึ่ง ไอโซเลต EMS11-UV1 ได้มาจากการฉายรังสีเป็นเวลา 6 นาที ส่วน ไอโซเลต EMS11-UV32 ได้มาจากการฉายรังสีเป็นเวลา 8 นาที และ EMS11-UV57 ได้มาจากการฉายรังสีเป็นเวลา 12 นาที และจากการเหนี่ยวนำให้เกิดการกล้ายพันธุ์ขึ้นด้วยรังสีอัลตราไวโอเลต ของไอโซเลต EMS45 สามารถคัดแยกเชื้อได้ทั้งหมด 53 ไอโซเลต พบร่วมกับ ไอโซเลต E45-UV39 มีค่าเอกทิวิตี้จำเพาะของเอนโดกลูคานสูงที่สุด มากกว่าสายพันธุ์ตั้งต้น 1.43 เท่า ส่วน ไอโซเลต E45-UV26 มีค่าเอกทิวิตี้จำเพาะของ เอกไซกลูคานสูงที่สุด มากกว่าสายพันธุ์ตั้งต้น 1.69 เท่า ส่วน ไอโซเลต E45-UV24 มีค่าเอกทิวิตี้จำเพาะของเบตา-กลูโคซิเดสูงที่สุด มากกว่าสายพันธุ์ตั้งต้น 3.00 เท่า ซึ่งจากการเหนี่ยวนำให้เกิดการกล้ายพันธุ์ด้วยวิธีการใช้สารอีเอมแอล และรังสีอัลตราไวโอเลต พบร่วมกับ ไอโซเลต E45-UV26 มีเอกทิวิตี้ของเอนไซม์โดยรวมทั้ง 3 ชนิดสูง โดยมี เอกทิวิตี้ของเอนโดกลูคานสมากกว่าสายพันธุ์ตั้งต้น 1.41 เท่า เอกไซกลูคานส มากกว่าสายพันธุ์ตั้งต้น 1.69 เท่า และเบตา-กลูโคซิเดส มากกว่าสายพันธุ์ตั้งต้น 2.53 เท่า

จากการทดสอบความสามารถในการต้านยาปฏิชีวนะในอาหารกึ่งแข็ง ที่มีแอมโพเทอวิชิน ปี 40 ในโครงรั้มต่อมมิลลิตร พบว่าการเจริญเติบโตบนอาหารไม่แตกต่างกันมากนัก แต่ไอโซเลต E45-UV39 สามารถเจริญได้เล็กน้อยเมื่อเปรียบเทียบกับไอโซเลตอื่น ๆ ในการทดลองสนใจนำเอ่า ไอโซเลต E45-UV26 มีค่าเอกทิวิติจำเพาะของเอกไซกลูคานสูงที่สุด ซึ่งมากกว่าสายพันธุ์ตั้งต้น 1.69 เท่า มาทดสอบความแตกต่างทางสัณฐานวิทยาเทียบกับสายพันธุ์ตั้งต้น ซึ่งสังเกตการเจริญบนอาหารกึ่งแข็ง รวมทั้งการนำไปปลูกชนิดของเด็นไย และสปอร์ ภายใต้กล้องจุลทรรศน์ ที่ยอมด้วยสีข้อมูลต่อพื้นดินลดลงอย่างเห็นได้ชัด พบว่าไม่มีความแตกต่างกับสายพันธุ์ตั้งต้น จึงนำไปทดสอบ หาลำดับเบสในนิวคลีโอไทด์ พบว่ามีการเปลี่ยนแปลงเบส 4 เบส คือ ส่วนที่เป็นอินทรอน 2 เบส คือที่ตำแหน่งเบสที่ 710 คือเปลี่ยนจาก G เป็น T และตำแหน่งเบสที่ 734 คือเปลี่ยนจาก T เป็น C ส่วนที่เป็นเอกซอนมีการเปลี่ยน 2 เบส คือตำแหน่งเบสที่ 812 เปลี่ยนจาก A เป็น C และตำแหน่งเบสที่ 924 เปลี่ยนจาก A เป็น G จากการที่เอกซอนเปลี่ยนไป 2 ตำแหน่งทำให้มีการสังเคราะห์กรดอะมิโนเปลี่ยนไป 1 กรด คือเปลี่ยนจาก Asparagine ไปเป็น Threonine

จากการเพิ่มปริมาณการผลิตเซลลูเลสโดยใช้ 0.1 เปอร์เซ็นต์ สารโคโลซิชีนกับไอโซเลต E45-UV24, E45-UV26 และ E45-UV39 สามารถคัดเลือกเชื้อได้ 179 ไอโซเลต พบว่า ไอโซเลต EV39-C69 มีค่าเอกทิวิติของเอนโดกลูคานสูงที่สุด มากกว่าสายพันธุ์ตั้งต้น 2.44 เท่า ไอโซเลต EV26-C37 มีค่าเอกทิวิติของเอกไซกลูคานสูงที่สุด มากกว่าสายพันธุ์ตั้งต้น 2.24 เท่า และไอโซเลต EV26-C21 มีค่าเอกทิวิติของเบตา-กลูโคซิเดสูงที่สุด มากกว่าสายพันธุ์ตั้งต้น 1.25 เท่า

รายการอ้างอิง

ภาษาไทย

บัญญัติ สุขศรีงาม. 2534. จุลชีววิทยาทั่วไป. กรุงเทพ: ภาควิชาจุลชีววิทยา มหาวิทยาลัยนูรพา.
วรรุณิ จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย. 2551. พันธุศาสตร์. กรุงเทพ: ภาควิชาพฤกษาศาสตร์ จุฬาลงกรณ์
มหาวิทยาลัย.

ภาษาอังกฤษ

- Acebal, C., Castillon, M. P., Estrada, P., Mata, I., Costa, E., Aguado, J., Romero, D., and Jimenez, F. 1986. Enhanced cellulose production from *Trichoderma reesei* QM 9414 on physically treated wheat straw. Applied Microbiology and Biotechnology 24: 218-223.
- Adsul, M. G., Bastawde, K. B., Varma, A. J., and Gokhale, D. V. 2007. Strain improvement of *Penicillium janthinellum* NCIM 1171 for increased cellulose production. Bioresource Technology 98: 1467-1473.
- Agrawal, R., Deepika, N., and Joseph, R. 1998. Strain improvement of *Aspergillus* sp. and *Penicillium* sp. by induced mutation for biotransformation of α -pinene to verbenol. Biotechnology and Bioengineering 63: 249-252.
- Alan, G. A., Jack, R. G., and John, F. M. 1999. Mutation and repair. In B. B. Edith (ed.), The Science of Genetic, pp. 508-535. Fort Worth: Saunders College Publishing.
- Anderson, K. L., and Blair, B. G. 1996. Regulation of the cellulolytic activity of *Eubacterium cellulolyticum* 5494. SAAS Bull Biochemistry Biotechnology 9: 57-62.
- Baltz, R. H. 1986. Strain improvement. In A. L. Demain, and N. A. Solomon (eds.), Manual of industrial microbiology and biotechnology, pp. 154-169. Washington, D. C.: American Society for Microbiology.

- Blazej, A., Kosik, M., and Spilda, I. 1990. The degradation of cellulose by thermal, chemical and biochemical techniques. In J. F. Kenedy, and G. O. Phillips (eds.), Cellulose sources and exploitation industrial utilization biotechnology and physico-chemical properties, pp. 385-396. England: Ellis Horwood LTD.
- Brown, T. A. 1992. Genetics a molecular approach. 2nd ed. London: Chapman & Hall.
- Chand, P., Aruna, A., Maqsood, A. M., and Rao, L. V. 2005. Novel mutation method for increased cellulose production. Journal of Applied Microbiology 98: 318-323.
- Clowes, A. F., and Hayes, W. 1968. Mutation. Oxford and Edinburgh: Blackwell Scientific.
- Coral, G., Akikan, B., Unaldi, M. N., and Guvenmez, H. 2002. Some properties of crude carboxymethyl cellulose of *Aspergillus niger* Z10 wild-type strain. Journal of Biology 26: 209-213.
- Davies, O. L. 1964. Screening for improved mutants in antibiotic research. Biometrics 20: 576-591.
- Deshpande, M. V., Eriksson, K. E., and Pettersson, L. G. 1984. An assay for selective determination of exo-1,4-beta-glucanases in a mixture of cellulolytic enzyme. Analytical Biochemistry 138: 481-487.
- Domingues, F. C., Queiroz, J. A., Cabral, J. M. S., and Fonseca, L. P. 2000. The influence of culture conditions on mycelial structure and cellulase production by *Trichoderma reesei* Rut C-30. Enzyme and Microbial Technology 26: 394-401.
- Dohot, M. U., and Noomrio, M. H. 1996. Microbial production of cellulases by *Aspergillus fumigatus* using wheat straw as a carbon source. Journal Islamic Academy of Sciences 9: 1-7.
- Duff, S. J. B., and Murray, W. D. 1996. Bioconversion of forest production industry waste celluloses to fuel ethanol: a review. Bioresource Technology 55: 1-33.
- Durand, H., and Clanet, M. 1987. Genetic improvement of *Trichoderma reesei* for large scale cellulase production. Enzyme and Microbial Technology 10: 341-346.
- Drake, J. W. 1970. The Molecular Basis of Mutation. California: Holden-day.

- Eigsti, O. J., Dustin, J., and Gay-Winn, N. 1949. Comments and communications on the discovery of the actin of colchicines on mitosis in 1889. Science 110: 692-672.
- Eveleigh, D. E. 1987. Cellulase: a perspective. Mathematical and Physical Sciences 321: 435-447.
- Fantini, A. A. 1975. Strain development. In H. H. John (ed.), Method in enzymology. Antibiotic, pp. 24-41. New York: Academic.
- Fennington, G., Neubauer, D., and Stutzenberger, F. 1984. Cellulase Biosynthesis in a catabolite repression-resistant mutant of *Thermomonospora curvata*. Applied and Environmental Microbiology 47: 201-204.
- Gadgil, N. J., Daginawala, H. F., Chakrabarti, T., and Khanna, P. 1995. Enhanced cellulase production by a mutant of *Trichoderma reesei*. Enzyme and Microbial Technology 17: 942-946.
- Gardner, E. J., Simmon, M. J., and Snustard, D. P. 1991. In principles of genetic. 8th ed. New York: Wiley and Sons.
- Ghose, T. K. 1987. Measurement of cellulase activities. International Union of Pure and Applied Chemistry 59: 257-268.
- Gokhale, D. V., Puntambekar, U. S., Deobagkar, D. N., and Peberdy, J. F. 1988. Production of cellulolytic enzymes by mutants of *Aspergillus niger* NCIM 1207. Enzyme Microbial Technology 10: 442-445.
- Hayashida, S., and Flor, P. Q. 1981. Raw starch-digestive glucoamylase productivity of protease-less mutant from *Aspergillus awamori* var. kawashi. Agriculture Biology Chemistry 45: 2675-2681.
- Held, P., and Hurley, J. 2001. Determination of total protein by the Lowry method using the BioTek instruments' ELx808 microplate reader. BioTek instruments. USA.
- Howard, R. L., Abotsi, E., Jansen, E. L., and Howard, S. 2003. Lignocellulose biotechnology: issues of bioconversion and enzyme production. African Journal of Biotechnology 2: 602-619.
- Huskin, C. L. 1941. Polyploidy and mutations. The American Naturalist 75: 329-346.

- Ilmen, M., Saloheimo, A., Onnela, M., and Penttila, M. E. 1997. Regulation of cellulose gene expression in the filamentous fungus *Trichoderma reesei*. Applied and Environmental Microbiology 63: 1298-1306.
- Kim, D. W., Jeong, Y. K., Jang, Y. H., and Lee, J. K. 1993. Purification and characterization of endoglucanase and exoglucanase components from *Trichoderma viride*. Journal of Fermentation and Bioengineering 77: 363-369.
- Kirby, J., Martin, J. C., Daniel, A. S., and Flint, H. J. 1997. Dockerin-like sequences in cellulases and xylanases from the rumen cellulolytic bacterium *Ruminococcus flavefaciens*. FEMS Microbiology Letters 149: 213-219.
- Kuhad, R. C., Kumer, M., and Singh, A. 1994. A hypercellulolytic mutant of *Fusarium oxysporum*. Letters in Applied Microbiology 19: 397-400.
- Kuhad, R. C., Manchanda, M., and Singh, A. 1999. Hydrolytic potential of extracellular enzymes from a mutant strain of *Fusarium oxysporum*. Bioprocess Engineering 20: 133-135.
- Li, S., and Chang, S. T. 1991. Selection and characterization of crystal violet and malachite green resistant mutants in *Volvariella volvacea*. World Journal of Microbiology and Biotechnology 7: 113-126.
- Liers, C., Ullrich, R., Steffen, K. T., Hatakka, A., and Hofrichter, M. 2006. Mineralization of 14C-labelled synthetic lignin and extracellular enzyme activities of the wood-colonizing ascomycetes *Xylaria hypoxylon* and *Xylaria polymorpha*. Applied Microbiology Biotechnology 69: 573-579.
- Mandels, M., and Weber, J. 1969. Production of cellulases. Advances in Chemistry Series 95: 391-414.
- Mandels, M., James, W., and Richard, P. 1971. Enhance cellulase production by a mutant of *Trichoderma viride*. Applied Microbiology 21: 152-154.
- Mikan, V. J., and Castellanos, S. D. 2004. Screening for isolation and characterization of microorganisms and enzymes with useful potential for degradation of cellulose and hemicellulose. Revista Colombiana de Biotechnologia 6: 58-67.
- Montenegro, B. S. 1983. *Trichoderma reesei* cellulases. Trends in Biotechnology 1: 156-161.

- Morikawa, Y., Kawamori, M., Ado, Y., Shinsha, Y., Oda, F., and Takasawa, S. 1985. Improvement of cellulose production in *Trichoderma reesei*. Agricultural and Biology Chemistry 6: 1869-1871.
- Murashima, K., Nishimura, T., Nakamura, Y., Koga, J., Moriya, T., Sumida, N., Yguchi, T., and Kono, T. 2002. Purification and characterization of new endo-1,4- β -D-glucanases from *Rhizopus oryzae*. Enzyme and Microbial Technology 30: 319-326.
- Nevalainen, H., Suominen, P., and Taimisto, K. 1994. On the safety of *Trichoderma reesei*. Journal of Biotechnology 37: 193-200.
- Nevalainen, H., and Penttila, M. 1996. In the mycota II genetics and biotechnology. In B. Kuck (ed.), Molecular biology of cellulolytic fungi, pp. 134-167. New York: Springer-Verlag Berlin Heidelberg.
- Parisi, F. 1989. Advances in lignocellulosic hydrolysis and in the utilization of the hydrolyzate. Advances in Biochemical Engineering / Biotechnology 38: 53-87.
- Perlman, D. 1979. Uses of antibiotics in culture media. Methods in Enzymology 58: 110-116.
- Prescott, R. P., and Dunn, C. G. 1959. Industrial Microbiology. 3rd ed. Tokyo: Kogakusha Ltd.
- Rajoka, M. I. 2005. Double mutants of *Cellulomonas biazotea* for production of cellulases and hemicellulases following growth on straw of a perennial grass. Journal of Microbiology and Biotechnology 21: 1063-1066.
- Ramel, C. 1989. The nature of spontaneous mutations. Mutation Research 212: 33-42.
- Reshamwala, S., Shawky, B. T., and Dale, B. E. 1995. Ethanol production from enzymatic hydrolysates of AFEX-treated coastal Bermuda grass and switchgrass. Applied Biochemistry and Biotechnology 43-55.
- Rose, J. K. C., and Bennett, A. B. 1999. Parallels Between Cell Expansion and Fruit Ripening. Trends Plant Science 4: 83-176.
- Ross, I. K. 1960. Sporangial development in *Lamproderma arcyronema*. Mycologia 52: 621-627.
- Russel, P. J. 1996. Genetic. 4th ed. New York: Harper Collins College.

- Ryu, D., and Mandels, M. 1980. Cellulase: biosynthesis and applications. Enzyme and Microbial Technology 2: 91-102.
- Saddler, J. N., Hogan, C. M., and Louis-Seize, G. 1985. A comparison between the cellulose systems of *Trichoderma harzianum* E58 and *Trichoderma reesei* C30. Applied Microbiology and Biotechnology 22: 139-145.
- Sarangbin, S. 1994. Formation of autodiploid strains *Aspergillus niger* and their application to citric acid production from starch. Journal of Fermentation Bioengineering 77: 474-478.
- Schimenti, J., Garrett, T., Montenecourt, S. B., and Eveleigh, D. E. 1983. Selection of hypercellulolytic mutants of *Trichoderma reesei* based on resistance to nystatin. Mycologia 75: 876-880.
- Sinha, R. P., and Hader, D. P. 2002. UV induced DNA damage and repair: a review. Photochemistry and Photobiology Science 1: 225-236.
- Sivers, M. V., and Zacchi, G. 1995. A techno-economical comparison of three processes for the production of ethanol from pine. Bioresource Technology 51: 43-52.
- Sheir-Neiss, G., and Montenecourt, B. S. 1984. Characterization of the secreted cellulases of *Trichoderma reesei* wild type and mutants during controlled fermentations. Applied Microbiology and Biotechnology 20: 46-53.
- Shoseyov, O., and Doi, R. H. 1990. Essential 170-kDa subunit for degradation of crystalline cellulose by *Clostridium cellulovorans* cellulose. National Academy of Sciences USA 87:2192-2195.
- Snustad, D. P., and Simmons, M. J. 2000. Mutation DNA repair and recombination. In H. David (ed.), Principles of genetics, pp. 358-390. New York: John Wiley & Sons.
- Sternberg, D., Vijayakomar, P., and Reese, E. T. 1977. β -glucosidase: microbial production and effect on enzymatic hydrolysis of cellulose. Canadian Journal of Microbiology 23: 139-147.
- Sun, Y., and Cheng, J. 2002. Hydrolysis of lignocellulosic materials for ethanol production: a review. Bioresource Technology 83: 1-11.

- Svetlichnyi, V. A., Svetlichnaya, T. P., Chernykh, N. A., and Zavarzin, G. A. 1990. *Anaerocellum thermophilum* an extremely thermophilic cellulolytic eubacterium isolated from hot springs in the valley of geyser (in Russian). Microbiology 59: 598-604.
- Tamaru, Y., Karita, S., Ibrahim, A., Chan, H., and Doi, R. H. 2000. A large gene cluster for the *Clostridium cellulovorans* cellulosome. Journal of Bacteriology 182: 5906-5910.
- Tan, T., Zhang, M. Wang, B., Ying, C., and Deng, L. 2003. Screening of high lipase producing *Candida* sp. and production of lipase by fermentation. Process Biochemistry 39: 459-465.
- Teeri, T. T. 1997. Crystalline cellulose degradation: new insight in to the function of cellobiohydrolases. Trends in Biotechnology 15: 160-167.
- Toyama, H., Yamagishi, N., and Toyama, N. 2002. Construction of cellulose hyper-producers of *Trichoderma reesei* Rut C-30 for utilization of waste paper using colchicines and benomyl. Journal of Molecular Catalysis B 17: 175-178.
- Toyama, H., and Toyama, N. 2000. Successive construction of cellulose hyperproducers of *Trichoderma* using hyperpolyploids. Food Science and Technology 84-86.
- Unsitalo, J. M., Helena, K. M., Harkki, A. M., Knowles, J. K. C., and Penttilii, M. E. 1991. Enzyme production by recombinant *Trichoderma reesei* strains. Journal of Biotechnology 17: 35-50.
- Whitaker, D. R. 1954. Mutarotation after hydrolysis of cellopentaose by *Myrothecium verrucaria* cellulase. Archives of Biochemistry and Biophysics 53: 436-438.
- Yamanobe, T., and Mitsushi, Y. 1990. Some enzymatic properties of endo-1, 4- β -glucanases components from fungal strain Y-94. Agricultural Biology and Chemistry 54: 309-317.
- Yoon, J. J., Cha, C. J., Son, D. W., and Kim, Y. S. 2007. The brown-rot basidiomycete *Fomitopsis palustris* has the endo-glucanases capable of degrading microcrystalline cellulose. Journal of Microbiology and Biotechnology 5: 800-805.

- Zhang, H. P., and Lynd, L. R. 2004. Toward an aggregated understanding of enzymatic hydrolysis of cellulose: nonconplexed cellulose system. Biotechnology Bioengineering 88: 797-824.
- Zhang, H. P., Himmel, M. E., and Mielenz, J. R. 2006. Outlook for cellulose improvement: Screening and selection strategies. Biotechnology Advances 24: 452-481.
- Zhou, Z., Miwa, M., and Hogetsu, T. 1999. Analysis of genetic structure of a *Suillus grevillei* population in a *Larix kaempferi* stand by polymorphism of inter-simple sequence repeat (ISSR). New Phytologist 144: 55-63.

ภาคผนวก

ภาคผนวก ก
วิธีการเตรียมอาหารเลี้ยงเชื้อ

1. อาหารแข็ง PDA (Potato Dextrose Agar)

ใช้อาหารสำเร็จรูปของ Difco Laboratories โดยชั้ง PDA 39 กรัม ปรับปริมาตรให้ได้ 1,000 มิลลิลิตรด้วยน้ำกลั่น นำไปนึ่งฆ่าเชื้อที่อุณหภูมิ 121 องศาเซลเซียส ความดัน 15 ปอนด์ต่อตารางนิ้ว เป็นเวลา 15 นาที

2. อาหารแข็ง PDB (Potato Dextrose Broth)

ใช้อาหารสำเร็จรูปของ Hi media โดยชั้ง PDB 24 กรัม ปรับปริมาตรให้ได้ 1,000 มิลลิลิตรด้วยน้ำกลั่น นำไปนึ่งฆ่าเชื้อที่อุณหภูมิ 121 องศาเซลเซียส ความดัน 15 ปอนด์ต่อตารางนิ้ว เป็นเวลา 15 นาที

3. อาหารเลี้ยงเชื้อเพื่อผลิตเซลลูลาส (Mandels' medium)

- ญี่รี่	0.3	กรัม
- แอมโมเนียมซัลเฟต $(\text{NH}_4)_2\text{SO}_4$	1.4	กรัม
- โพแทสเซียมไดไฮดรเจนฟอสเฟต (KH_2PO_4)	2	กรัม
- แคลเซียมคลอไรด์ไฮเดรต $(\text{CaCl}_2 \cdot 2\text{H}_2\text{O})$	0.4	กรัม
- แมกนีเซียมซัลเฟต $(\text{MgSO}_4 \cdot 7\text{H}_2\text{O})$	0.3	กรัม
- ไอโอกอนซัลเฟตไฮเดรต $(\text{FeSO}_4 \cdot 7\text{H}_2\text{O})$	5	มิลลิกรัม
- แมงกานีสซัลเฟต $(\text{MnSO}_4 \cdot \text{H}_2\text{O})$	1.6	มิลลิกรัม
- ซิงค์ซัลเฟตไฮเดรต $(\text{ZnSO}_4 \cdot 7\text{H}_2\text{O})$	1.4	มิลลิกรัม
- โคบอลต์คลอไรด์ $(\text{CoCl}_2 \cdot 6\text{H}_2\text{O})$	2	มิลลิกรัม
- สารสกัดจากเยื่อ (Yeast extract)	0.25	กรัม
- เพปตไน (peptone)	0.75	กรัม
- แอลfa-เซลลูลาส (α -cellulose)	10	กรัม
- น้ำกลั่น	1,000	มิลลิลิตร

ละลายส่วนผสมทั้งหมดในน้ำกลั่น ปรับค่าพีเอชให้ได้เท่ากับ 5 ถ่ายในฟลาสก์ขนาด 50 มิลลิลิตร พลาสก์ละ 20 มิลลิลิตร นำไปนึ่งฆ่าเชื้อที่อุณหภูมิ 121 องศาเซลเซียส ความดัน 15 ปอนด์ต่อตารางนิ้ว นาน 15 นาที

3. อาหารเลี้ยงเชื้อเพื่อทรีตโคลชิซีน

- ญี่รี่	0.3	กรัม
- แอมโมเนียมซัลเฟต $(\text{NH}_4)_2\text{SO}_4$	1.4	กรัม
- โพแทสเซียมไดไฮดรอเจนฟอสเฟต (KH_2PO_4)	2	กรัม
- แคลเซียมคลอไรด์ไดไฮเดรต $(\text{CaCl}_2 \cdot 2\text{H}_2\text{O})$	0.4	กรัม
- แมกนีเซียมซัลเฟต $(\text{MgSO}_4 \cdot 7\text{H}_2\text{O})$	0.3	กรัม
- ไอโรมอนซัลเฟตເຢັກຫາໄອເດຣົຕ $(\text{FeSO}_4 \cdot 7\text{H}_2\text{O})$	5	ມີລິລິກຮົມ
- ພັກການືສັບແພດ $(\text{MnSO}_4 \cdot \text{H}_2\text{O})$	1.6	ມີລິລິກຮົມ
- ຜົງຄົກັບແພດເຢັກຫາໄອເດຣົຕ $(\text{ZnSO}_4 \cdot 7\text{H}_2\text{O})$	1.4	ມີລິລິກຮົມ
- ໂຄບອລຕົກລວ່າໄຣດໍ $(\text{CoCl}_2 \cdot 6\text{H}_2\text{O})$	2	ມີລິລິກຮົມ
- ນໍ້າຕາລກລູໂຄສ (glucose)	10	กรัม
- ເປັໂທນ (peptone)	5	กรัม
- ສາວໂຄລືຊີ່ນ (colchicine)	1	กรัม
- ນໍ້າກລັ້ນ	1,000	ມີລິລິຕົວ

ละລາຍສ່ວນຜສມທັງໝາດໃນນໍ້າກລັ້ນ ປັບຄ່າພື້ນເຂົ້າໃຫ້ໄດ້ເທົ່າກັບ 6 ດ້ວຍໃນຟລາສົກ່ານາດ 50 ມີລິລິຕົວ ຝຳສະກະ 10 ມີລິລິຕົວ ນໍ້າໄປນຶ່ງໜ່າເຂົ້າທີ່ອຸນຫວຼມ 121 ອົງສາເຫຼັດເຫັນສ ຄວາມດັນ 15 ປອນດົດຕ່ອຕາງນີ້ ນານ 15 ນາທີ

4. Selection medium

ໜັນນີ້		
- ญี่รี่	0.3	กรัม
- แอมໂມນේຍම්සັບແພດ $(\text{NH}_4)_2\text{SO}_4$	1.4	กรัມ
- ໂພແກສເຕື່ອຍມໄດ້ໄອໂດຣຈົນຟົກສັບແພດ (KH_2PO_4)	2	กรัມ
- ແຄລເຕື່ອຍມຄລອໄຣດໍໄອເດຣົຕ $(\text{CaCl}_2 \cdot 2\text{H}_2\text{O})$	0.4	กรັມ
- ພັກການືສັບແພດ $(\text{MgSO}_4 \cdot 7\text{H}_2\text{O})$	0.3	กรັມ
- ไอໂຮມອන්සັບແພດເຢັກຫາໄອເດຣົຕ $(\text{FeSO}_4 \cdot 7\text{H}_2\text{O})$	5	ມີລິລິກຮົມ
- ພັກການືສັບແພດ $(\text{MnSO}_4 \cdot \text{H}_2\text{O})$	1.6	ມີລິລິກຮົມ
- ຜົງຄົກັບແພດເຢັກຫາໄອເດຣົຕ $(\text{ZnSO}_4 \cdot 7\text{H}_2\text{O})$	1.4	ມີລິລິກຮົມ
- ໂຄບອລຕົກລວ່າໄຣດໍ $(\text{CoCl}_2 \cdot 6\text{H}_2\text{O})$	2	ມີລິລິກຮົມ
- ເປັໂທນ (peptone)	5	ກຣັມ

- ไตรตอน เอกซ์-100 (triton x-100)	1	มิลลิลิตร
- วัุนผง	15	กรัม
- น้ำกลั่น	1,000	มิลลิลิตร

ละลายส่วนผสมทั้งหมดในน้ำกลั่น ปรับค่าพีเอชให้ได้เท่ากับ 6 นำไปปั่นจากเชื้อที่อุณหภูมิ 121 องศาเซลเซียส ความดัน 15 ปอนด์ต่อตารางนิ้ว นาน 15 นาที

ขั้นล่าง

- ญี่เวีย	0.3	กรัม
- แอมโมเนียมซัลเฟต $(\text{NH}_4)_2\text{SO}_4$	1.4	กรัม
- โพแทสเซียมไดไฮดรเจนฟอสเฟต (KH_2PO_4)	2	กรัม
- แคลเซียมคลอไรด์ไฮเดรต $(\text{CaCl}_2 \cdot 2\text{H}_2\text{O})$	0.4	กรัม
- แมกนีเซียมซัลเฟต $(\text{MgSO}_4 \cdot 7\text{H}_2\text{O})$	0.3	กรัม
- ไอโอดินซัลเฟตเอปทาไฮเดรต $(\text{FeSO}_4 \cdot 7\text{H}_2\text{O})$	5	มิลลิกรัม
- แมงกานีสซัลเฟต $(\text{MnSO}_4 \cdot \text{H}_2\text{O})$	1.6	มิลลิกรัม
- ซิงค์ซัลเฟตเอปทาไฮเดรต $(\text{ZnSO}_4 \cdot 7\text{H}_2\text{O})$	1.4	มิลลิกรัม
- โคบอลต์คลอไรด์ $(\text{CoCl}_2 \cdot 6\text{H}_2\text{O})$	2	มิลลิกรัม
- เพปตโน (peptone)	5	กรัม
- ไตรตอน เอกซ์-100 (triton x-100)	1	มิลลิลิตร
- แอลฟ่า-เซลลูโลส (α -cellulose)	10	กรัม
- วัุนผง	15	กรัม
- น้ำกลั่น	1,000	มิลลิลิตร

ละลายส่วนผสมทั้งหมดในน้ำกลั่น ปรับค่าพีเอชให้ได้เท่ากับ 6 นำไปปั่นจากเชื้อที่อุณหภูมิ 121 องศาเซลเซียส ความดัน 15 ปอนด์ต่อตารางนิ้ว นาน 15 นาที

5. Potato Dextrose Agar (PDA) ที่เติมสารปฏิชีวนะแอมホテอริชิน บี

- PDA สำเร็จรูปของ Difco Laboratories	0.78	กรัม
- น้ำกลั่น	20	มิลลิลิตร
- แอมホテอริชิน บี ความเข้มข้น	5	มิลลิกรัมต่อมิลลิลิตร

ละลายผง PDA สำเร็จในน้ำกลั่น 20 มิลลิลิตรแล้วนำไปต้มจนเดือด ด้วยเครื่องไมโครเวฟเพื่อให้รุ่นละลาย และนำไปนึ่งไฟชีว์โดยความร้อนซึ่งที่อุณหภูมิ 121 องศาเซลเซียส และความดัน 15 ปอนด์ต่อตารางนิว เป็นเวลา 15 นาที ก่อนนำอาหารไปเทในจานเพาะเชื้อ ทิ้งไว้ให้มีอุณหภูมิ 50 องศาเซลเซียส เติมสารปฏิชีวนะที่ผ่านการฆ่าเชื้อด้วยการกรองผ่านกราฟฟิตที่มีรูรูปไข่ 0.2 ไมครอน

หมายเหตุ : PDA สำเร็จจะเป็น 20 มิลลิลิตรต่อหนึ่งจานเพาะเชื้อ และควรระวังในขั้นตอนการเติมยาปฏิชีวนะไม่ควรให้อุณหภูมิอาหารเกิน 50 องศาเซลเซียส เพราะจะทำให้ยาเสื่อมสภาพ

5. CMC agar

- ญี่รี่ย	0.3	กรัม
- แอมโมเนียมซัลเฟต ($(\text{NH}_4)_2\text{SO}_4$)	1.4	กรัม
- โพแทสเซียมไอกไซโดเจนฟอสเฟต (KH_2PO_4)	2	กรัม
- แคลเซียมคลอไรด์ไฮเดรต ($\text{CaCl}_2 \cdot 2\text{H}_2\text{O}$)	0.4	กรัม
- แมกนีเซียมซัลเฟต ($\text{MgSO}_4 \cdot 7\text{H}_2\text{O}$)	0.3	กรัม
- ไอโรมันซัลเฟตไฮเดรต ($\text{FeSO}_4 \cdot 7\text{H}_2\text{O}$)	5	มิลลิกรัม
- แมงกานีสซัลเฟต ($\text{MnSO}_4 \cdot \text{H}_2\text{O}$)	1.6	มิลลิกรัม
- ซิงค์ซัลเฟตไฮเดรต ($\text{ZnSO}_4 \cdot 7\text{H}_2\text{O}$)	1.4	มิลลิกรัม
- โคบอลต์คลอไรด์ ($\text{CoCl}_2 \cdot 6\text{H}_2\text{O}$)	2	มิลลิกรัม
- เพปตโน (peptone)	5	กรัม
- ไตรตอง เอการ์-100 (triton x-100)	1	มิลลิลิตร
- CMC	10	กรัม
- รุ่นผง	15	กรัม
- น้ำกลั่น	1,000	มิลลิลิตร

ละลายส่วนผสมทั้งหมดในน้ำกลั่นยกเว้น CMC และรุ่นผง นำไปตั้งไฟให้พออุ่น ค่อยๆ เติม CMC ทีละน้อย ปั่นการตัวยแท่งแม่เหล็ก พอก CMC ละลายหมดให้ค่อยๆ เติมรุ่นผง อุ่นจนเดือด ปรับค่าพีเอชให้ได้เท่ากับ 6 นำไปนึ่งไฟชีว์ที่อุณหภูมิ 121 องศาเซลเซียส ความดัน 15 ปอนด์ต่อตารางนิว นาน 15 นาที

ภาคผนวก ฯ
วิธีการเตรียมสารเคมี

1. สารละลายน้ำดับปริมาณโปรตีน

1.1 สารละลายบีบูเรต (biuret reagent)

- 1% คอปเปอร์ชัลเฟต ($\text{CuSO}_4 \cdot 5\text{H}_2\text{O}$)	0.5	มิลลิลิตร
- 2% โซเดียมโพแทสเซียมทาร์เทต ($\text{KNaC}_4\text{H}_4\text{O}_6$)	0.5	มิลลิลิตร
- 2% โซเดียมคาร์บอเนต (Na_2CO_3) ใน 0.1 มоляร์ โซเดียมไฮド록ไซด์ (0.1 M NaOH)	50	มิลลิลิตร

1.2 สารละลายฟอลินฟีโนลรีเอเจนท์ (folin phenol reagent)

- สารละลายฟอลินฟีโนลรีเอเจนท์	1	ส่วน
- น้ำกลั่น	1	ส่วน

2. สารเคมีในการสกัดดีเอ็นเอ

2.1 ทริสบัฟเฟอร์ ความเข้มข้น 1 มоляร์ pH 8.0

- ทริส เบส	121	กรัม
- น้ำกลั่น	800	มิลลิลิตร

ละลายทริส เบส ให้เข้ากันกับน้ำกลั่น ปรับ pH ด้วย HCl ให้เท่ากับ 8.0 จากนั้นเติมน้ำกลั่นจนปริมาตรเป็น 1 ลิตร นำไปปั่นเชือโดยความร้อนซึ่นที่อุณหภูมิ 121 องศาเซลเซียส ความดัน 15 ปอนด์ต่อตารางนิ้ว เป็นเวลา 15 นาที เก็บไว้ที่อุณหภูมิ 4 องศาเซลเซียส

2.2 EDTA (ethylenediamine tetraacetic acid) ความเข้มข้น 0.5 มоляร์

- EDTA	186.10	กรัม
- น้ำกลั่น	800	มิลลิลิตร

ละลาย EDTA ให้เข้ากัน ปรับ pH ให้ได้ 8 ด้วย NaOH จากนั้นเติมน้ำกลั่นจนปริมาตรเป็น 1 ลิตร นำไปปั่นเชือโดยความร้อนซึ่นที่อุณหภูมิ 121 องศาเซลเซียส ความดัน 15 ปอนด์ต่อตารางนิ้ว เป็นเวลา 15 นาที เก็บไว้ที่อุณหภูมิ 4 องศาเซลเซียส

2.3 Washing buffer

- PVP (polyvinylpyrrolidone)	2	กรัม
------------------------------	---	------

- กรดแอกซิโคร์บิก (ascorbic acid)	1.76	กรัม
- ทริสบัฟเฟอร์ ความเข้มข้น 1 มิลลิตร pH 8.0	20	มิลลิลิตร
- 2-เมอร์แคปโตเอทานอล (2-mercaptoethanol)	4	มิลลิลิตร

เติมน้ำกับลันที่จะนำเข้าเครื่องปรับปริมาณตรเท่ากับ 200 มิลลิลิตร ผสมให้เข้ากัน หุ้มภาชนะที่เก็บตัวอย่าง พลอยด์ เก็บไว้ที่อุณหภูมิ 4 องศาเซลเซียส

2.4 2X CTAB lysis buffer

- CTAB	4	กรัม
- ทริสบัฟเฟอร์ ความเข้มข้น 1 มิลลาร์ pH 8.0	20	มิลลิลิตร
- EDTA ความเข้มข้น 0.5 มิลลาร์ pH 8.0	8	มิลลิลิตร
- โซเดียมครอไรด์ (NaCl)	16.36	กรัม
- 2-เมอร์แคปโตเอทานอล (2-mercaptoethanol)	1	มิลลิลิตร

เติมน้ำกับลันที่จะนำไปปรับปริมาณตรเท่ากับ 200 มิลลิลิตร ผสมให้เข้ากัน เก็บไว้ที่อุณหภูมิห้อง

2.5 คลอโรฟอร์ม/ไอโซเอมิล แอลกอฮอล์ (24: 1, v/v)

- คลอโรฟอร์ม (choloroform)	192	มิลลิลิตร
- ไอโซเอมิล แอลกอฮอล์ (isoamyl alcohol)	8	มิลลิลิตร

2.6 20 % Polyethylene glycol 6000 (PEG)

- PEG 6000 (Polyethylene glycol)	20	กรัม
- โซเดียมครอไรด์ (NaCl)	14.61	กรัม

เติมน้ำกับลันที่จะนำไปปรับปริมาณตรเท่ากับ 200 มิลลิลิตร ผสมให้เข้ากัน เก็บไว้ที่อุณหภูมิห้อง

2.7 Tris-EDTA buffer (TE buffer)

- ทริสบัฟเฟอร์ ความเข้มข้น 1 มิลลาร์ pH 8.0	10	มิลลิลิตร
- EDTA ความเข้มข้น 0.5 มิลลาร์ pH 8.0	2	มิลลิลิตร

เติมน้ำกับลันจนได้ปริมาณเป็น 1 ลิตร แล้วผสมให้เข้ากัน นำไป放進去โดยความร้อนชั่วขณะที่อุณหภูมิ 121 องศาเซลเซียส ความดัน 15 ปอนด์ต่อตารางนิ้ว เป็นเวลา 15 นาที เก็บไว้ที่อุณหภูมิห้อง

3. สารเคมีในการทำพีซีอาร์ และอิเล็กโตรโฟรีซิส

3.1 Bovine serum albumin

- Bovine serum albumin	20	มิลลิกรัม
- น้ำกลัน	1	มิลลิลิตร

เก็บไว้ที่อุณหภูมิ 4 องศาเซลเซียส

3.2 10X Tris-boric acid EDTA (10X TBE)

- Tris (hydroxymethyl) amino methane	54	กรัม
- EDTA	4.65	กรัม
- กรดบอริก (boric acid)	27.50	กรัม

เติมน้ำกลันที่ม่าเชือกแล้วให้ได้ปริมาตรเป็น 500 มิลลิลิตร ผสมให้เข้ากัน เก็บไว้ที่อุณหภูมิห้อง

3.3 เอธิดีียมบอร์มายด์ (ethidium bromide)

-เอธิดีียมบอร์มายด์	0.2	กรัม
-น้ำกลัน	20	มิลลิลิตร

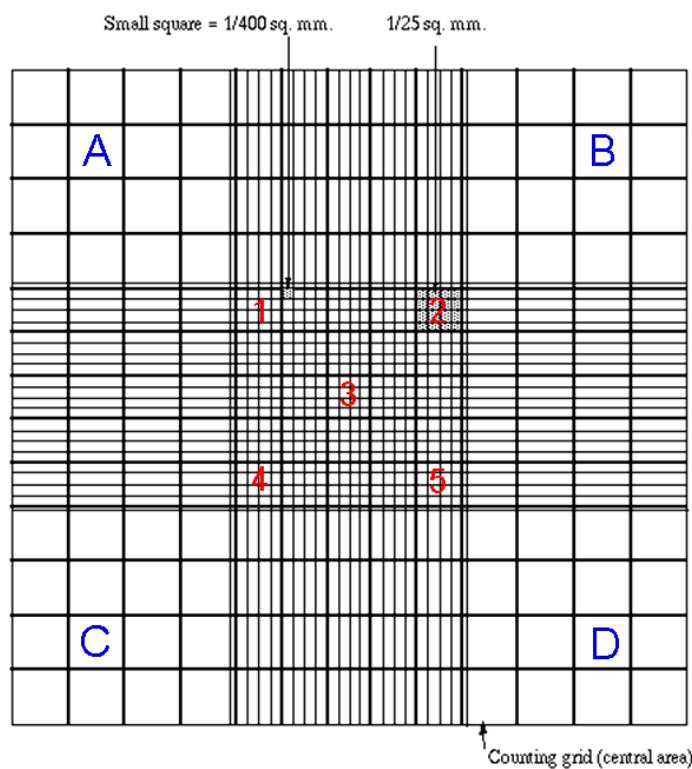
ผสมให้เข้ากันเก็บไว้ในขวดสีชา ที่อุณหภูมิ 4 องศาเซลเซียส

3.4 1% Agarose gel (w/w)

- อะガโรส (agarose)	1	กรัม
- 0.5 X TBE	100	มิลลิลิตร
- เอธิดีียมบอร์มายด์	4	ไมโครลิตร

ภาคผนวก ค
วิธีการนับจำนวนสปอร์

การนับจำนวนสปอร์จำเป็นต้องใช้เครื่องมือเดียวกับเครื่องมือที่ใช้นับเม็ดเลือดที่มีชื่อเรียกว่า haemacytometer โดยบนสไลด์จะมีการแบ่งช่องไว้แน่นอน ขิดแบ่งที่กำหนดไว้ประกอบด้วยช่องสี่เหลี่ยมจตุรัสใหญ่ 25 ช่อง แต่ละช่องมีขนาด 0.2×0.2 ตารางมิลลิเมตร ในแต่ละช่องใหญ่จะมีขีดแบ่งช่องเล็ก 16 ช่อง แต่ละช่องมีขนาด 0.05×0.05 ตารางมิลลิเมตร



การคำนวณ

- ช่องใหญ่ (กำลังขยาย 40X) หากวินามatr น้ำภายนอกจากสูตร กว้าง x ยาว x ลึก เท่ากับ 0.1 เซนติเมตร $\times 0.1$ เซนติเมตร $\times 0.01$ เซนติเมตร = 0.0001 ลูกบาศก์เซนติเมตร หรือ 0.0001 มิลลิลิตร

ค่าเฉลี่ยสปอร์ในช่องเท่ากับ $(A+B+C+D)/4 \times 10^4$ สปอร์ต่อมิลลิลิตร

- ช่องเล็ก (กำลังขยาย 100X) หากวินามatr น้ำภายนอกจากสูตร กว้าง x ยาว x ลึก

เท่ากับ $0.02 \text{ เซนติเมตร} \times 0.02 \text{ เซนติเมตร} \times 0.01 \text{ เซนติเมตร} = 0.000004 \text{ ลูกบาศก์เซนติเมตร}$
หรือ $0.000004 \text{ มิลลิลิตร}$

ค่าเฉลี่ยสปอร์ในช่องเท่ากับ $(1+2+3+4+5)/5 \times 1/4 \times 10^6 \text{ สปอร์ต่อ มิลลิลิตร}$

วิธีการใช้ haemacytometer

- วาง cover glass บน haemacytometer โดยแผ่น cover glass จะอยู่เหนือผิวน้ำร่าง 0.1 มิลลิเมตร
- ใช้ปูเปตดูดสารละลายสปอร์ประมาณ 9-10 ไมโครลิตร วางปลายปูเปตที่บริเวณระหว่างสไลด์และ cover glass ค่อยๆ หยดสารละลายสปอร์จนกระทั่งเต็มพื้นที่ตาราง
- วาง haemacytometer บนที่วางวัตถุบนกล้องจุลทรรศน์ ปรับกำลังขยายให้เหมาะสม โดยถ้าสปอร์มีขนาดใหญ่ให้ใช้กำลังขยาย 40X (ในกรณีที่ใช้ช่องใหญ่) ถ้าสปอร์ขนาดเล็กใช้กำลังขยาย 100X (ในกรณีที่ใช้ช่องเล็ก)
- นำสปอร์ที่นับได้มาคำนวณหาความเข้มข้นสปอร์ หมายเหตุ cover glass ที่ใช้จะต้องเป็น cover glass ที่ใช้เฉพาะกับ haemacytometer เท่านั้น

ภาคผนวก ง
วิธีการวัดแอกทิวิตีเอนไซม์

1. การวัดแอกทิวิตีเอนไซค์กลูแคนส์ ดัดแปลงจากวิธีของ Ghose (1987)

- 1.1 นำ crude enzyme 0.5 มิลลิลิตร ใส่ลงในหลอดทดลอง ถ้าเป็นหลอดควบคุมให้เติม 0.05 citrate buffer pH 4.8 แทน crude enzyme
- 1.2 เติม 2% CMC ที่ละลายใน 0.05 M citrate buffer pH 4.8 ปริมาตร 0.5 มิลลิลิตร เขย่าให้เข้ากัน
- 1.3 นำไปบ่มที่อุณหภูมิ 50 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 30 นาที
- 1.4 เติมสารละลาย DNS ปริมาตร 3 มิลลิลิตร ทันที เขย่าให้เข้ากัน นำไปบ่มที่อุณหภูมิ 100 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 5 นาที หลังจากนั้นนำไปแข็งในน้ำเย็น
- 1.5 นำสารที่ทำปฏิกิริยาในข้อ 1.4 มาใส่ในหลุมของไมโครเพลต 100 ไมโครลิตร และเติมน้ำกลั่น 150 ไมโครลิตร นำไปวัดค่าการดูดกลืนแสงที่ความยาวคลื่นแสง 540 นาโนเมตร ในการสร้างกราฟมาตราตรฐานใช้น้ำตาลกลูโคส เพื่อนำไปเปรียบเทียบหาปริมาณน้ำตาลวีดิวซ์ และคำนวนหาค่าแอกทิวิตีจำเพาะของเอนไซม์

2. การวัดแอกทิวิตีเอกโซไซค์กลูแคนส์ ดัดแปลงจากวิธีของ Ghose (1987)

- 2.1 นำ crude enzyme 0.5 มิลลิลิตร ใส่ลงในหลอดทดลอง ถ้าเป็นหลอดควบคุมให้เติม 0.05 M citrate buffer pH 4.8 แทน crude enzyme
- 2.2 เติม 0.05 M citrate buffer pH 4.8 ปริมาตร 1 มิลลิลิตร และกระดาษกรอง Whatman เบอร์ 1 ขนาด 1.0×6.0 เซนติเมตร เขย่าให้เข้ากัน
- 2.3 นำไปบ่มที่อุณหภูมิ 50 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 60 นาที
- 2.4 เติมสารละลาย DNS ปริมาตร 3 มิลลิลิตร ทันที เขย่าให้เข้ากัน นำไปบ่มที่อุณหภูมิ 100 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 5 นาที หลังจากนั้นนำไปแข็งในน้ำเย็น
- 2.5 นำสารที่ทำปฏิกิริยาในข้อ 2.4 มาใส่ในหลุมของไมโครเพลต 100 ไมโครลิตร และเติมน้ำกลั่น 150 ไมโครลิตร นำไปวัดค่าการดูดกลืนแสงที่ความยาวคลื่นแสง 540 นาโนเมตร ในการสร้างกราฟมาตราตรฐานใช้น้ำตาลกลูโคส เพื่อนำไปเปรียบเทียบหาปริมาณน้ำตาลวีดิวซ์ และคำนวนหาค่าแอกทิวิตีจำเพาะของเอนไซม์

3. การวัดแยกทิวิตีเบต้า-กลูโคซิเดส ด้วยแปลงจากวิธีของ Sternberg, Vijayakumar และ Reese (1977)

3.1 นำ crude enzyme 0.5 มิลลิลิตร ใส่ลงในหลอดทดลอง ถ้าเป็นหลอดควรคุ้มให้เติม 0.025 M citrate buffer pH 4.5 แทน crude enzyme

3.2 เติม 4 มิลลิกรัมต่อมิลลิลิตรของ salicin ที่ละลายใน 0.025 M citrate buffer pH 4.5 ปริมาตร 0.5 มิลลิลิตร เขย่าให้เข้ากัน

3.3 นำไปบ่มที่อุณหภูมิ 50 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 30 นาที

3.4 เติมสารละลาย DNS ปริมาตร 3 มิลลิลิตร ทันทีเขย่าให้เข้ากัน นำไปบ่มที่อุณหภูมิ 100 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 5 นาที หลังจากนั้นนำไปแขวนน้ำเย็น

3.5 นำสารที่ทำปฏิกิริยาในข้อ 3.4 มาใส่ในหลุมของไมโครเพลต 100 ไมโครลิตร และเติมน้ำกลั่น 150 ไมโครลิตร นำไปวัดค่าการดูดกลืนแสงที่ความยาวคลื่นแสง 540 นาโนเมตร ในการสร้างกราฟมาตรฐานให้น้ำตาลกลูโคส เพื่อนำไปเปรียบเทียบหาปริมาณน้ำตาลรีดิวช์ และคำนวนหาค่าแยกทิวิตีจำเพาะของเอนไซม์

ภาคผนวก จ
กราฟมาตรฐาน

1. ปริมาณสารที่ใช้ในการทำกราฟมาตรฐานของน้ำตาล สำหรับนำไปคำนวณแยกทิวิตีของเอนไซกฤคานेसและเอกไซกฤคานेस

ตารางแสดง ปริมาณสารที่ใช้ในการทำกราฟมาตรฐานกลูโคส เพื่อใช้ในการคำนวณแยกทิวิตีของเอนไซกฤคานे�ส และเอกสารไซกฤคานेस

ปริมาณของสารที่ใช้ (มิลลิลิตร)		
ปริมาณน้ำตาล (มิลลิกรัมต่อมิลลิลิตร)	สารละลายกลูโคสใน 0.05 M sodium citrate buffer pH 4.8	0.05 M sodium citrate buffer pH 4.8 (10 mg/ml)
0	0	500
0.3	15	485
0.6	30	470
0.9	45	455
1.2	60	440
1.5	75	425
1.8	90	410
2.1	105	395
2.4	120	380

วิธีการทำร้าฟมาตรฐานของน้ำตาล เพื่อสำหรับการคำนวณหา例外ทิวิตีของเอนไซค์กูลูแคนส์

1. เตรียมสารละลายกลูโคสใน 0.05 M sodium citrate buffer pH 4.8 ที่ความเข้มข้น 10 มิลลิกรัมต่อมิลลิลิตร ทำการเจือจางกลูโคสด้วย 0.05 M sodium citrate buffer pH 4.8 ดังตารางที่ ๑-๑

2. เติม 2% CMC ที่ละลายใน 0.05 M citrate buffer pH 4.8 ปริมาตร 0.5 มิลลิลิตร เขย่าให้เข้ากัน นำไปปั่นที่อุณหภูมิ 50 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 30 นาที

3. เติมสารละลาย DNS ปริมาตร 3 มิลลิลิตร ทันที เขย่าให้เข้ากัน นำไปปั่นที่อุณหภูมิ 100 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 5 นาที หลังจากนั้นนำไปแช่ในน้ำเย็น

4. นำสารที่ทำปฏิกิริยาในข้อ 3 มาใส่ในหลุมของไมโครเพลต 100 ไมโครลิตร และเติมน้ำกลั่น 150 ไมโครลิตร นำไปวัดค่าการดูดกลืนแสงที่ความยาวคลื่นแสง 540 นาโนเมตร

วิธีการทำร้าฟมาตรฐานของน้ำตาล เพื่อสำหรับการคำนวณหา例外ทิวิตีของเอกไซค์กูลูแคนส์

1. เตรียมสารละลายกลูโคสใน 0.05 M sodium citrate buffer pH 4.8 ที่ความเข้มข้น 10 มิลลิกรัมต่อมิลลิลิตร ทำการเจือจางกลูโคสด้วย 0.05 M sodium citrate buffer pH 4.8 ดังตารางที่ ๑-๑

2. เติม 0.05 M citrate buffer pH 4.8 ปริมาตร 1 มิลลิลิตร เขย่าให้เข้ากัน นำไปปั่นที่อุณหภูมิ 50 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 60 นาที

3. เติมสารละลาย DNS ปริมาตร 3 มิลลิลิตร ทันที เขย่าให้เข้ากัน นำไปปั่นที่อุณหภูมิ 100 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 5 นาที หลังจากนั้นนำไปแช่ในน้ำเย็น

4. นำสารที่ทำปฏิกิริยาในข้อ 3 มาใส่ในหลุมของไมโครเพลต 100 ไมโครลิตร และเติมน้ำกลั่น 150 ไมโครลิตร นำไปวัดค่าการดูดกลืนแสงที่ความยาวคลื่นแสง 540 นาโนเมตร

2. ปริมาณสารที่ใช้ในการทำกราฟมาตรฐานของน้ำตาล สำหรับนำไปคำนวณแยกทิวิตีของเบต้า-กลูโคซิเดส

ตารางแสดง ปริมาณสารที่ใช้ในการทำกราฟมาตรฐานกูลูโคส เพื่อใช้ในการคำนวณแยกทิวิตีของเบต้า-กลูโคซิเดส

ปริมาณน้ำตาล (มิลลิกรัมต่อมิลลิลิตร)	ปริมาณสารที่ใช้ (ไมโครลิตร)	
	สารละลายกูลูโคสใน 0.025 M sodium citrate buffer pH 4.5	0.025 M sodium citrate buffer pH 4.5 (10 mg/ml)
0	0	500
0.2	10	490
0.4	20	480
0.6	30	470
0.8	40	460
1.0	50	450
1.2	60	440
1.4	70	430

วิธีการทำกราฟมาตรฐานของน้ำตาล เพื่อสำหรับการคำนวณหาแยกทิวิตีของเอนโดกูลูคานেส

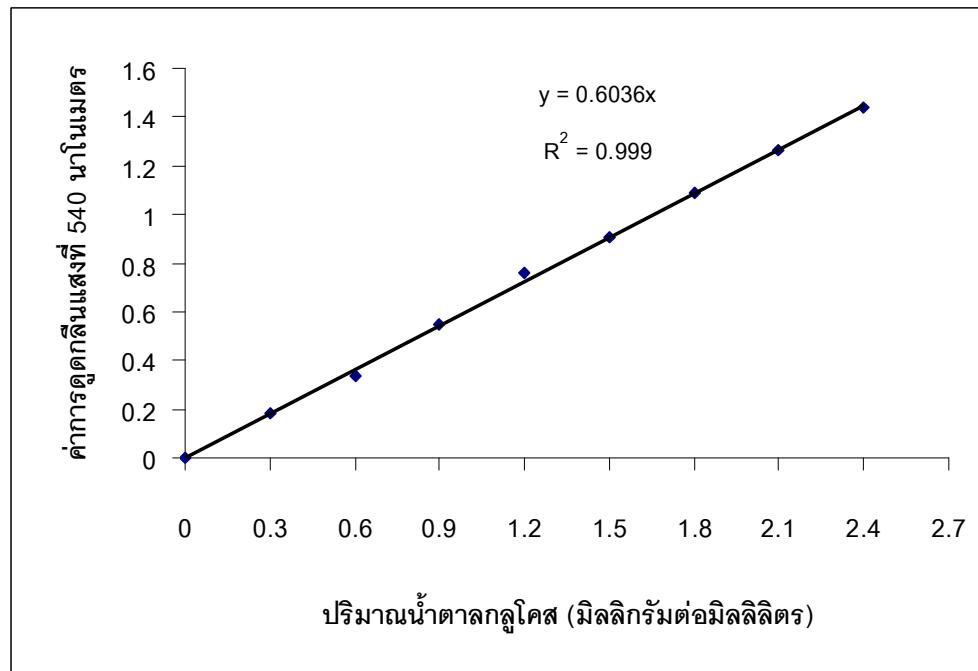
1. เตรียมสารละลายกูลูโคสใน 0.025 M sodium citrate buffer pH 4.5 ที่ความเข้มข้น 10 มิลลิกรัมต่อมิลลิลิตร ทำการเจือจางกูลูโคสด้วย 0.025 M sodium citrate buffer pH 4.5 ดัง ตารางที่ ๑-๑

2. เติม 4 มิลลิกรัมต่อมิลลิลิตรของ salicin ที่ละลายใน 0.025 M citrate buffer pH 4.5 ปริมาณ 0.5 มิลลิลิตร เขย่าให้เข้ากัน นำไปปั่นที่อุณหภูมิ 50 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 30 นาที

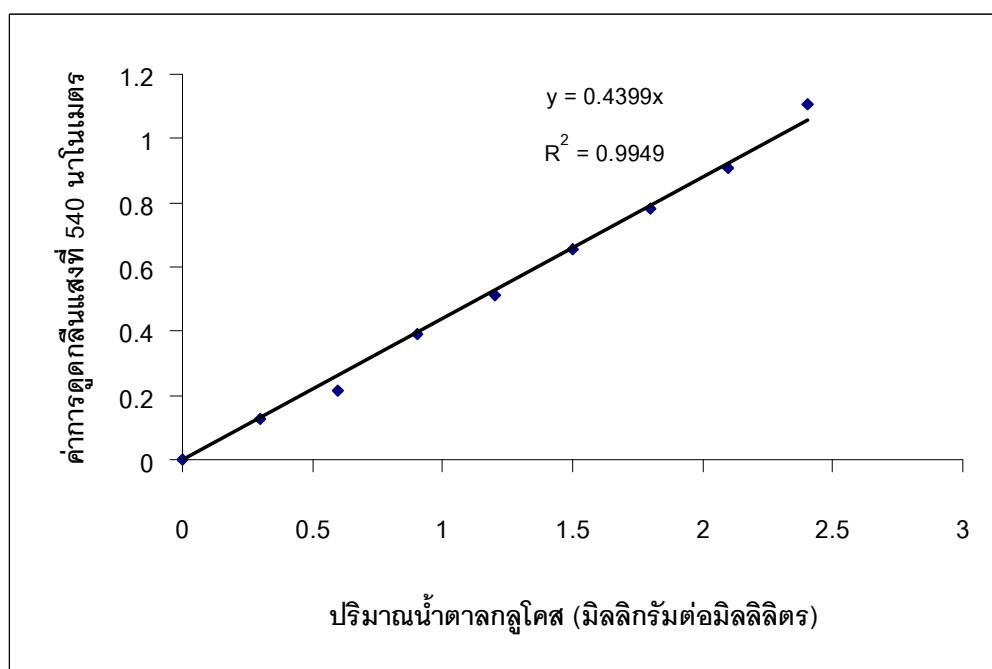
3. เติมสารละลาย DNS ปริมาณ 3 มิลลิลิตร ทันที เขย่าให้เข้ากัน นำไปปั่นที่อุณหภูมิ 100 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 5 นาที หลังจากนั้นนำไปแช่ในน้ำเย็น

4. นำสารที่ทำปฏิกิริยาในข้อ 3 มาใส่ในหลุมของไมโครเพลต 100 ไมโครลิตร และเติมน้ำกลั่น 150 ไมโครลิตร นำไปวัดค่าการดูดกลืนแสงที่ความยาวคลื่นแสง 540 นาโนเมตร

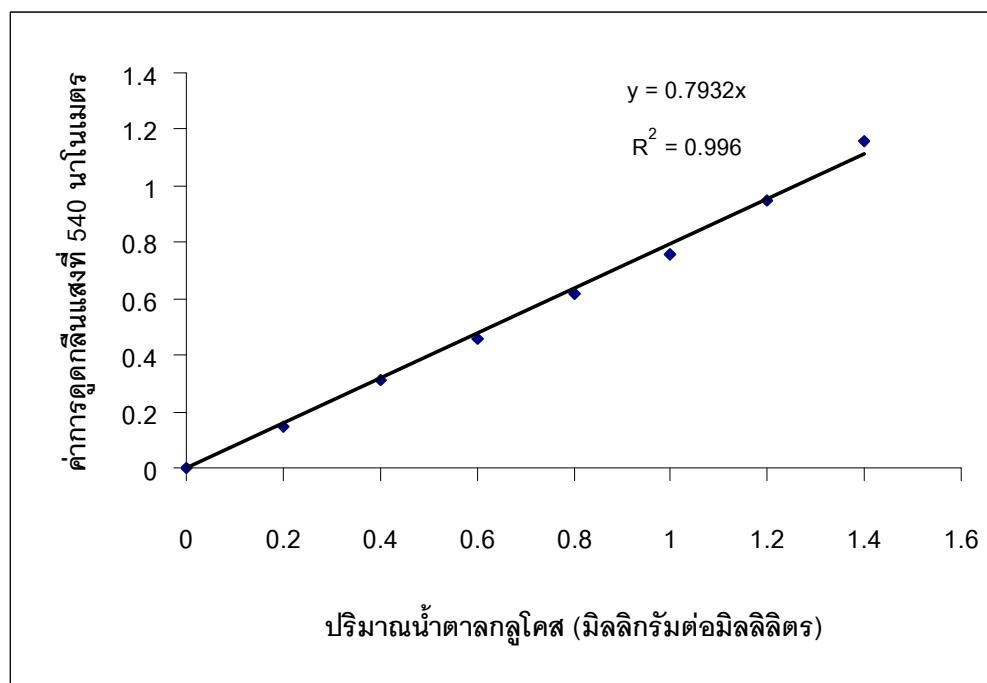
3. กราฟมาตรฐานของน้ำตาลกลูโคส



ภาพแสดง กราฟมาตรฐานของน้ำตาลกลูโคส เพื่อการคำนวณหาแยกทิวิตีของเอกโซเดกูลคานেส



ภาพแสดง กราฟมาตรฐานของน้ำตาลกลูโคส เพื่อการคำนวณหาแยกทิวิตีของเอกโซเดกูลคานเนส



ภาพแสดง กราฟมาตราฐานของน้ำตากลูโคส เพื่อการคำนวณหาเอกสารทิวิติของเบต้า-กลูโคซีเดส

4. กราฟมาตรฐานปริมาณ BSA ที่ 0-10 ไมโครกรัม
ตารางแสดง ปริมาณสารที่ใช้ในการทำกราฟมาตรฐานโปรตีน

ปริมาณ BSA (มิลลิกรัมต่อมิลลิลิตร)	ปริมาณของสารที่ใช้ (ไมโครลิตร)	
	ความเข้มข้นของ BSA (1 มิลลิกรัมต่อมิลลิลิตร)	น้ำกัลลัน
0	0	100
0.05	5	95
0.10	10	90
0.15	15	85
0.20	20	80
0.25	25	75
0.30	30	70
0.35	35	65
0.40	40	60

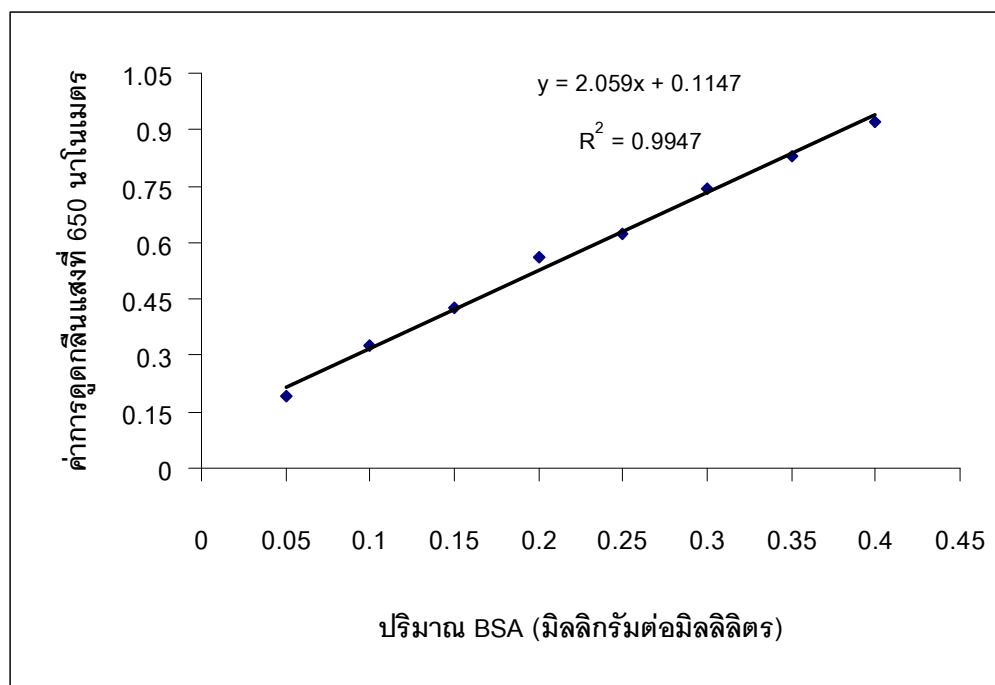
วิธีการทำกราฟมาตรฐาน BSA

1. เตรียมสารละลายไบยูเรต (biuret reagent) ซึ่งประกอบด้วย 2% โซเดียมโพแทสเซียม ทาร์เกรต 0.5 มิลลิลิตร 2% โซเดียมคาร์บอเนต ใน 0.1 ไมลาร์ โซเดียมไอก្រอกไซด์ 50 มิลลิลิตร 1% คอปเปอร์ชัลเฟต 0.5 มิลลิลิตร

2. เตรียมสาร BSA ที่ความเข้มข้น 1 มิลลิกรัมต่อมิลลิลิตร และทำการเจือจางปริมาณ โปรตีนด้วยน้ำกัลลันดังตารางที่ 4-3

3. นำสารละลายไบยูเรตปริมาตร 200 ไมโครลิตรดูดลงในแต่ละหลุมของไมโครเพลตและ บ่มกับ BSA 100 ไมโครลิตร เป็นเวลา 10-15 นาที ที่อุณหภูมิห้องโดยทำการทดลอง 3 ชั้น

4. เตรียมสารละลายโพลินฟีโนลวีโอดเจนท์ โดยใช้สารละลายโพลินฟีโนลวีโอดเจนท์ 1 ส่วน และน้ำกัลลัน 1 ส่วน (1:1) และดูดลงในแต่ละหลุมของไมโครเพลตปริมาตร 20 ไมโครลิตร ผสมให้เข้ากัน ทำการบ่มที่อุณหภูมิห้อง 30 นาที วัดค่าการดูดกลืนแสงที่ 650 นาโนเมตร นำไปปรับร่าง กราฟมาตรฐานโปรตีน



ภาพแสดง กราฟผนماตรฐานโปรตีนที่ใช้ BSA ที่ระดับความเข้มข้น 0-0.4 มิลลิกรัมต่อมิลลิลิตร

ภาคผนวก ๙
วิธีการคำนวณแยกหิวตีของเอนไซม์

1. การคำนวณหาแยกหิวตีของเอกไซกูลูคานেส

น้ำหนักโมเลกุลของกลูโคส ($C_6H_{12}O_6$) มีค่าเท่ากับ 0.18 มิลลิกรัมต่อไมโครโมล
 จาก 1 ยูนิตของเอนไซม์ = 1 ไมโครโมลของชั้บสเตรทที่ถูกย่อยภายในเวลา 1 นาที
 = 0.18 มิลลิกรัมของกลูโคสที่ถูกปล่อยออกมานะใน 1 นาที
 ในการทำทดลองเวลาในการทำปฏิกิริยาของชั้บสเตรทกับเอนไซม์ใช้เวลา 60 นาที ได้ว่า
 0.18 มิลลิกรัมของกลูโคสที่ถูกปล่อยออกมานะใน 1 นาที มีค่า 1 ยูนิต
 1.00 มิลลิกรัมของกลูโคสที่ถูกปล่อยออกมานะใน 60 นาที = $1/(0.18 \times 60)$ ยูนิตต่อมิลลิลิตร

ในการทดลองใช้เอนไซม์ปริมาณ 0.5 มิลลิลิตร จะได้ว่า มิลลิกรัมของกลูโคส $\times 0.185$
 ค่าที่ได้จะมีหน่วยเป็นยูนิตต่อมิลลิลิตร

2. การคำนวณหาแยกหิวตีของเอนไดกูลูคานेस

น้ำหนักโมเลกุลของกลูโคส ($C_6H_{12}O_6$) มีค่าเท่ากับ 0.18 มิลลิกรัมต่อไมโครโมล
 จาก 1 ยูนิตของเอนไซม์ = 1 ไมโครโมลของชั้บสเตรทที่ถูกย่อยภายในเวลา 1 นาที
 = 0.18 มิลลิกรัมของกลูโคสที่ถูกปล่อยออกมานะใน 1 นาที
 ในการทำทดลองเวลาในการทำปฏิกิริยาของชั้บสเตรทกับเอนไซม์ใช้เวลา 30 นาที ได้ว่า
 0.18 มิลลิกรัมของกลูโคสที่ถูกปล่อยออกมานะใน 1 นาที มีค่า 1 ยูนิต
 1.00 มิลลิกรัมของกลูโคสที่ถูกปล่อยออกมานะใน 30 นาที = $1/(0.18 \times 30)$ ยูนิตต่อมิลลิลิตร

ในการทดลองใช้เอนไซม์ปริมาณ 0.5 มิลลิลิตร จะได้ว่า มิลลิกรัมของกลูโคส $\times 0.37$
 ค่าที่ได้จะมีหน่วยเป็นยูนิตต่อมิลลิลิตร

3. การคำนวณหาเอกทิวิตีของเบต้า-กลูโคซิเดส

น้ำหนักโมเลกุลของกลูโคส ($C_6H_{12}O_6$) มีค่าเท่ากับ 0.18 มิลลิกรัมต่อไมโครโมล
 จาก 1 ยูนิตของเอนไซม์ = 1 ไมโครโมลของชีบสเตรทที่ถูกย่อยภายในเวลา 1 นาที
 = 0.18 มิลลิกรัมของกลูโคสที่ถูกปล่อยออกมานะใน 1 นาที

ในการทดลองเวลาในการทำปฏิกิริยาของชีบสเตรทกับเอนไซม์ใช้เวลา 30 นาที ได้ว่า
 0.18 มิลลิกรัมของกลูโคสที่ถูกปล่อยออกมานะใน 1 นาที มีค่า 1 ยูนิต
 1.00 มิลลิกรัมของกลูโคสที่ถูกปล่อยออกมานะใน 30 นาที = $1/(0.18 \times 30)$ ยูนิตต่อมิลลิลิตร

ในการทดลองใช้เอนไซม์ปริมาตร 0.5 มิลลิลิตร จะได้ว่า มิลลิกรัมของกลูโคส $\times 0.37$
 ค่าที่ได้จะมีหน่วยเป็นยูนิตต่อมิลลิลิตร

ภาคผนวก ๗
การวิเคราะห์ทางสถิติ

ตารางแสดง ตาราง ANOVA เปรียบเทียบค่าอัตราส่วนระหว่างโคโลนีและวงไส ในอาหาร CMC agar ของ T. reesei TISTR 3081 ที่เหนี่ยวนำให้เกิดสายพันธุ์กล้ายด้วยสารเอทิลเมทีนชัลโฟเนต

ANOVA

Ratio

	Sum of Squares	df	Mean Square	F	Sig.
Between Groups	.060	15	.004	25.408	.000
Within Groups	.005	32	.000		
Total	.065	47			

ตารางแสดง ตาราง ANOVA เปรียบเทียบค่าอัตราส่วนระหว่างโคโลนีและวงไส ในอาหาร CMC agar ของ EMS11 ที่เหนี่ยวนำให้เกิดการกล้ายดพันธุ์ขี้ด้วยรังสีอัลตราไวโอเลต

ANOVA

Ratio

	Sum of Squares	df	Mean Square	F	Sig.
Between Groups	.640	59	.011	14.626	.000
Within Groups	.089	120	.001		
Total	.729	179			

ตารางแสดง ตาราง ANOVA เปรียบเทียบค่าอัตราส่วนระหว่างโคลนีและวงไส ในอาหาร CMC agar ของ EMS45 ที่เนี่ยวนำมาให้เกิดการกลایพันธุ์ขึ้นด้วยรังสีอัลตราไวโอเลต

ANOVA

Ratio

	Sum of Squares	df	Mean Square	F	Sig.
Between Groups	.573	54	.011	30.514	.000
Within Groups	.038	110	.000		
Total	.611	164			

ตารางแสดง ตาราง ANOVA เปรียบเทียบค่าอัตราส่วนระหว่างโคลนีและวงไส ในอาหาร CMC agar ของ E45-UV24 ที่ใช้ 0.1 เปอร์เซ็นต์โคดิชีน

ANOVA

Ratio

	Sum of Squares	df	Mean Square	F	Sig.
Between Groups	1.052	52	.020	14.995	.000
Within Groups	.143	106	.001		
Total	1.195	158			

ตารางแสดง ตาราง ANOVA เปรียบเทียบค่าอัตราส่วนระหว่างโคโลนีและวงไส ในอาหาร CMC agar ของ E45-UV26 ที่ใช้ 0.1 เพรอร์เซ็นต์คลีชีน

ANOVA

Ratio

	Sum of Squares	df	Mean Square	F	Sig.
Between Groups	.366	60	.006	2.427	.000
Within Groups	.307	122	.003		
Total	.673	182			

ตารางแสดง ตาราง ANOVA เปรียบเทียบค่าอัตราส่วนระหว่างโคโลนีและวงไส ในอาหาร CMC agar ของ E45-UV39 ที่ใช้ 0.1 เพรอร์เซ็นต์คลีชีน

ANOVA

Ratio

	Sum of Squares	df	Mean Square	F	Sig.
Between Groups	.288	70	.004	5.473	.000
Within Groups	.107	142	.001		
Total	.395	212			

ภาคผนวก ๗

ข้อมูล

ตารางแสดง ความสามารถในการทำงานของเอนไซค์เคนส์ของ *T. reesei* TISTR 3081 ที่เหนี่ยวนำให้เกิดการกลایพันธุ์ด้วยสารเอทิลเมทีนซัลไฟเนต

ไอลเซเลต	ชั่วรุ่นที่ 1				ชั่วรุ่นที่ 5			
	ค่าแยกทิวตี (ยูนิต/มิลลิลิตร)	ปริมาณโปรตีน (มิลลิกรัม/มิลลิลิตร)	ค่าแยกทิวตีจำเพาะ (ยูนิต/มิลลิกรัมโปรตีน)	ค่าแยกทิวตี (ยูนิต/มิลลิลิตร)	ปริมาณโปรตีน (มิลลิกรัม/มิลลิลิตร)	ค่าแยกทิวตีจำเพาะ (ยูนิต/มิลลิกรัมโปรตีน)		
EMS9	25.7456 ± 1.293	1.4298 ± 0.004	18.0067 ± 0.904	31.9061 ± 0.363	2.7473 ± 0.027	11.6137 ± 0.117		
EMS10	28.2703 ± 0.078	1.5669 ± 0.010	18.0421 ± 0.050	24.7132 ± 0.818	1.8547 ± 0.096	13.3616 ± 1.110		
EMS11	28.1765 ± 0.107	1.7432 ± 0.010	16.1635 ± 0.061	30.3498 ± 0.921	2.3741 ± 0.255	12.8662 ± 1.192		
EMS12	27.1018 ± 0.039	1.9587 ± 0.020	13.8365 ± 0.020	30.5655 ± 1.368	2.3299 ± 0.355	13.3272 ± 2.137		
EMS14	28.6200 ± 0.026	1.8186 ± 0.027	15.7377 ± 0.014	31.6072 ± 1.223	2.6047 ± 0.095	12.1494 ± 0.757		
EMS17	24.1592 ± 0.039	1.6347 ± 0.015	14.7788 ± 0.024	30.2111 ± 1.189	2.3596 ± 0.164	12.8373 ± 0.846		
EMS28	30.2320 ± 0.026	1.6829 ± 0.032	17.9638 ± 0.015	30.7813 ± 1.552	2.4535 ± 0.146	12.5534 ± 0.372		
EMS34	30.3941 ± 0.165	1.9241 ± 0.013	15.7969 ± 0.086	22.6083 ± 1.246	1.7789 ± 0.141	12.7514 ± 1.072		
EMS42	23.6559 ± 0.554	1.4358 ± 0.007	16.4757 ± 0.386	32.7998 ± 0.954	2.5921 ± 0.071	12.6557 ± 0.301		
EMS45	30.8120 ± 0.341	1.7628 ± 0.030	17.4789 ± 0.193	19.7392 ± 2.698	1.6915 ± 0.223	11.9537 ± 3.308		
EMS46	28.9270 ± 0.117	1.7221 ± 0.007	16.7973 ± 0.068	24.3865 ± 2.732	1.8156 ± 0.225	13.4499 ± 0.550		
EMS47	25.7200 ± 0.039	1.4584 ± 0.001	17.6357 ± 0.027	21.2369 ± 6.817	1.6804 ± 0.472	12.5316 ± 1.271		
EMS48	27.7671 ± 0.256	1.5880 ± 0.008	17.4855 ± 0.161	22.7193 ± 0.547	1.8879 ± 0.079	12.0522 ± 0.698		
EMS49	27.0250 ± 0.271	1.5549 ± 0.003	17.3811 ± 0.174	26.9228 ± 0.505	1.9321 ± 0.217	14.0279 ± 1.246		
EMS50	22.8968 ± 1.100	1.2685 ± 0.008	18.0498 ± 0.867	20.2939 ± 8.677	1.6312 ± 0.509	12.0986 ± 1.681		
WT	18.5640 ± 0.320	1.7432 ± 0.008	10.6492 ± 0.183	18.9102 ± 4.436	1.5564 ± 0.199	12.0518 ± 1.707		

ตารางแสดง ความสามารถในการทำงานของເອົກໂຈກລູຄານີສຂອງ *T. reesei* TISTR 3081 ທີ່ເໜື່ອວຳໄໝເກີດກາງກລາຍພັນຖຸດ້ວຍສາຣເອທິລມີເທັນຊັລໂຟເນຕ

ໄອໂສເລຕ	ຫັ້ງວຸນທີ 1				ຫັ້ງວຸນທີ 5			
	ค่าແອກທິວີ		ปรິມານໂປຣຕິນ		ค่าແອກທິວີຈຳເພາະ		ปรິມານໂປຣຕິນ	
	(ຢູ່ນິຕ/ມິລລິລິຕຣ)	(ມິລລິກຮັມ/ມິລລິລິຕຣ)	(ຢູ່ນິຕ/ມິລລິກຮັມໂປຣຕິນ)	(ຢູ່ນິຕ/ມິລລິລິຕຣ)	(ມິລລິກຮັມ/ມິລລິລິຕຣ)	(ຢູ່ນິຕ/ມິລລິກຮັມໂປຣຕິນ)	(ມິລລິກຮັມ/ມິລລິລິຕຣ)	(ຢູ່ນິຕ/ມິລລິກຮັມໂປຣຕິນ)
EMS9	1.1909 ± 0.009	1.4298 ± 0.004	0.8329 ± 0.006	2.1775 ± 0.088	2.7473 ± 0.027	0.7928 ± 0.039		
EMS10	1.3214 ± 0.020	1.5669 ± 0.010	0.8433 ± 0.013	1.5361 ± 0.144	1.8547 ± 0.096	0.8308 ± 0.103		
EMS11	1.4443 ± 0.038	1.7432 ± 0.010	0.8285 ± 0.022	2.0343 ± 0.120	2.3741 ± 0.255	0.8606 ± 0.058		
EMS12	1.4333 ± 0.047	1.9587 ± 0.020	0.7318 ± 0.024	1.9260 ± 0.231	2.3299 ± 0.355	0.8297 ± 0.032		
EMS14	1.5226 ± 0.015	1.8186 ± 0.027	0.8372 ± 0.009	1.9019 ± 0.106	2.6047 ± 0.095	0.7299 ± 0.017		
EMS17	1.1971 ± 0.012	1.6347 ± 0.015	0.7323 ± 0.007	1.9411 ± 0.087	2.3596 ± 0.164	0.8243 ± 0.046		
EMS28	1.3543 ± 0.021	1.6829 ± 0.032	0.8047 ± 0.012	1.8417 ± 0.156	2.4535 ± 0.146	0.7504 ± 0.041		
EMS34	1.4512 ± 0.007	1.9241 ± 0.013	0.7542 ± 0.004	1.3267 ± 0.106	1.7789 ± 0.141	0.7462 ± 0.032		
EMS42	1.2342 ± 0.005	1.4358 ± 0.007	0.8596 ± 0.004	2.0427 ± 0.187	2.5921 ± 0.071	0.7878 ± 0.063		
EMS45	1.8790 ± 0.015	1.7628 ± 0.030	1.0659 ± 0.009	1.5794 ± 0.082	1.6915 ± 0.223	0.9421 ± 0.100		
EMS46	1.8673 ± 0.002	1.7221 ± 0.007	1.0843 ± 0.001	1.4408 ± 0.238	1.8156 ± 0.225	0.7914 ± 0.044		
EMS47	1.2671 ± 0.008	1.4584 ± 0.001	0.8688 ± 0.006	1.1570 ± 0.337	1.6804 ± 0.472	0.6895 ± 0.084		
EMS48	1.5542 ± 0.088	1.5880 ± 0.008	0.9787 ± 0.055	1.3723 ± 0.104	1.8879 ± 0.079	0.7291 ± 0.084		
EMS49	1.5892 ± 0.018	1.5549 ± 0.003	1.0221 ± 0.012	1.5233 ± 0.131	1.9321 ± 0.217	0.7905 ± 0.044		
EMS50	1.1765 ± 0.010	1.2685 ± 0.008	0.9274 ± 0.008	1.2363 ± 0.563	1.6312 ± 0.509	0.7345 ± 0.114		
WT	0.9368 ± 0.014	1.7432 ± 0.008	0.5374 ± 0.008	1.0115 ± 0.067	1.5564 ± 0.199	0.6536 ± 0.045		

ตารางแสดง ความสามารถในการทำงานของเบตา-กลูโคซิเดสของ *T. reesei* TISTR 3081 ที่เนี่ยวนำให้เกิดการกลยพันธุ์ด้วยสารเอกลีมีเทนชัลฟenedet

ไอโซเลต	ช่วงที่ 1						ช่วงที่ 5					
	ค่าเอกทิวิตि		ปริมาณโปรตีน		ค่าเอกทิวิติจำเพาะ		ค่าเอกทิวิตि		ปริมาณโปรตีน		ค่าเอกทิวิติจำเพาะ	
	(มูนิต/มิลลิลิตร)	(มิลลิกรัม/มิลลิลิตร)	(มูนิต/มิลลิกรัมโปรตีน)	(มูนิต/มิลลิลิตร)	(มูนิต/มิลลิกรัมโปรตีน)	(มิลลิกรัม/มิลลิลิตร)	(มูนิต/มิลลิกรัมโปรตีน)	(มิลลิกรัม/มิลลิลิตร)	(มิลลิกรัม/มิลลิลิตร)	(มูนิต/มิลลิกรัมโปรตีน)	(มูนิต/มิลลิกรัมโปรตีน)	
EMS9	0.2710 ± 0.005	1.4298 ± 0.004	0.1895 ± 0.003	0.0919 ± 0.003	2.7473 ± 0.027	0.0335 ± 0.001						
EMS10	0.2903 ± 0.008	1.5669 ± 0.010	0.1853 ± 0.005	0.1108 ± 0.019	1.8547 ± 0.096	0.0602 ± 0.013						
EMS11	0.4184 ± 0.005	1.7432 ± 0.010	0.2400 ± 0.003	0.1162 ± 0.009	2.3741 ± 0.255	0.0493 ± 0.006						
EMS12	0.3998 ± 0.004	1.9587 ± 0.020	0.2041 ± 0.002	0.1205 ± 0.017	2.3299 ± 0.355	0.0518 ± 0.001						
EMS14	0.3712 ± 0.003	1.8186 ± 0.027	0.2041 ± 0.002	0.0824 ± 0.001	2.6047 ± 0.095	0.0317 ± 0.001						
EMS17	0.3258 ± 0.004	1.6347 ± 0.015	0.1993 ± 0.003	0.1081 ± 0.014	2.3596 ± 0.164	0.0462 ± 0.009						
EMS28	0.2382 ± 0.002	1.6829 ± 0.032	0.1415 ± 0.001	0.1343 ± 0.061	2.4535 ± 0.146	0.0557 ± 0.028						
EMS34	0.3815 ± 0.016	1.9241 ± 0.013	0.1983 ± 0.008	0.1679 ± 0.070	1.7789 ± 0.141	0.0935 ± 0.034						
EMS42	0.1838 ± 0.001	1.4358 ± 0.007	0.1280 ± 0.001	0.0879 ± 0.012	2.5921 ± 0.071	0.0339 ± 0.004						
EMS45	0.2766 ± 0.001	1.7628 ± 0.030	0.1569 ± 0.001	0.1041 ± 0.017	1.6915 ± 0.223	0.0628 ± 0.016						
EMS46	0.2437 ± 0.007	1.7221 ± 0.007	0.1415 ± 0.004	0.1552 ± 0.027	1.8156 ± 0.225	0.0856 ± 0.013						
EMS47	0.2214 ± 0.002	1.4584 ± 0.001	0.1518 ± 0.001	0.1104 ± 0.019	1.6804 ± 0.472	0.0686 ± 0.017						
EMS48	0.2290 ± 0.001	1.5880 ± 0.008	0.1442 ± 0.001	0.1136 ± 0.020	1.8879 ± 0.079	0.0605 ± 0.012						
EMS49	0.2301 ± 0.003	1.5549 ± 0.003	0.1480 ± 0.002	0.1153 ± 0.015	1.9321 ± 0.217	0.0603 ± 0.012						
EMS50	0.1274 ± 0.001	1.2685 ± 0.008	0.1004 ± 0.001	0.1449 ± 0.043	1.6312 ± 0.509	0.0941 ± 0.038						
WT	0.2157 ± 0.007	1.7432 ± 0.008	0.1237 ± 0.004	0.1269 ± 0.025	1.5564 ± 0.199	0.0811 ± 0.006						

ตารางแสดง ความสามารถในการทำงานของเอนโดกลูคานส์ ของ EMS 11 ที่เนี่ยวนำให้เกิดการถ่ายพันธุ์ช้าด้วยรังสีอัลตราไวโอเลต

ไอโซเลต	ชั่วโมงที่ 1					ชั่วโมงที่ 5				
	ค่าแยกทิวตี		ปริมาณโปรตีน		ค่าแยกทิวตีจำเพาะ		ค่าแยกทิวตี		ปริมาณโปรตีน	
	(มูนิต/มิลลิลิตร)	(มิลลิกรัม/มิลลิลิตร)	(มูนิต/มิลลิกรัมโปรตีน)	(มิลลิกรัม/มิลลิลิตร)	(มูนิต/มิลลิลิตร)	(มิลลิกรัมโปรตีน)	(มูนิต/มิลลิกรัมโปรตีน)	(มิลลิกรัม/มิลลิลิตร)	(มูนิต/มิลลิกรัมโปรตีน)	(มิลลิกรัม/มิลลิลิตร)
E11-UV1	23.9798 ± 0.073	1.5549 ± 0.018	15.4225 ± 0.047	22.8134 ± 3.819	1.3208 ± 0.228	17.3788 ± 1.954				
E11-UV19	27.7647 ± 0.123	1.7749 ± 0.007	15.6433 ± 0.069	10.3656 ± 2.790	0.9837 ± 0.112	10.4152 ± 1.662				
E11-UV20	21.9821 ± 0.265	1.5096 ± 0.003	14.5611 ± 0.176	20.8956 ± 5.943	1.2645 ± 0.253	16.3299 ± 1.487				
E11-UV27	24.3302 ± 0.929	0.9822 ± 0.007	24.7707 ± 0.946	23.7996 ± 2.334	1.4644 ± 0.101	16.2301 ± 0.540				
E11-UV29	21.0943 ± 0.590	1.3876 ± 0.015	15.2022 ± 0.425	17.6435 ± 0.271	1.3248 ± 0.055	13.3355 ± 0.665				
E11-UV32	23.9914 ± 0.513	1.5729 ± 0.019	15.2527 ± 0.326	20.2993 ± 4.035	1.3544 ± 0.038	14.9665 ± 2.821				
E11-UV42	14.8561 ± 0.161	0.9792 ± 0.007	15.1716 ± 0.164	8.8862 ± 0.358	1.1731 ± 0.247	7.7947 ± 1.568				
E11-UV43	13.2673 ± 0.778	1.0304 ± 0.016	12.8754 ± 0.755	17.8336 ± 2.575	1.4810 ± 0.225	12.1416 ± 1.700				
E11-UV51	10.6739 ± 0.333	1.1329 ± 0.254	9.4217 ± 0.294	12.6089 ± 2.686	1.2896 ± 0.054	9.8031 ± 2.173				
E11-UV52	10.5220 ± 0.214	0.7848 ± 0.012	13.4071 ± 0.273	27.2677 ± 1.508	1.7111 ± 0.058	15.9285 ± 0.336				
E11-UV54	10.9893 ± 0.467	0.7999 ± 0.034	13.7387 ± 0.583	6.6880 ± 1.802	0.9551 ± 0.111	6.9278 ± 1.247				
E11-UV55	26.7134 ± 0.375	1.6181 ± 0.007	16.5086 ± 0.232	21.1051 ± 3.781	1.3735 ± 0.240	15.3570 ± 0.119				
E11-UV56	21.5616 ± 0.272	1.4253 ± 0.027	15.1282 ± 0.191	20.8440 ± 1.186	1.4358 ± 0.036	14.5106 ± 0.514				
E11-UV57	12.9636 ± 0.280	0.7471 ± 0.005	17.3510 ± 0.375	4.1127 ± 1.867	1.0008 ± 0.172	4.0095 ± 1.177				
E11-UV58	22.1807 ± 0.350	1.3800 ± 0.015	16.0724 ± 0.254	28.5634 ± 2.746	1.8417 ± 0.130	15.4965 ± 0.677				
WT	19.9611 ± 0.073	1.6181 ± 0.016	12.3358 ± 0.045	16.9505 ± 2.880	1.3263 ± 0.091	12.7490 ± 1.593				
EMS11	21.3163 ± 0.268	1.6362 ± 0.055	13.0517 ± 0.164	20.9375 ± 0.968	1.5197 ± 0.149	13.8334 ± 0.972				

ตารางแสดง ความสามารถในการทำงานของเอกซิการ์ดูคานส์ ของ EMS 11 ที่เน้นย้ำให้เกิดการกลยุทธ์ชัดเจน สีอัลตราไวโอลেต

ไอโซเลต	ชั้วรุ่นที่ 1						ชั้วรุ่นที่ 5					
	ค่าแยกทิวิตี้		ปริมาณโปรตีน		ค่าแยกทิวิตี้จำเพาะ		ค่าแยกทิวิตี้		ปริมาณโปรตีน		ค่าแยกทิวิตี้จำเพาะ	
	(ยูนิต/มิลลิลิตร)	(มิลลิกรัม/มิลลิลิตร)	(ยูนิต/มิลลิกรัมโปรตีน)	(ยูนิต/มิลลิกรัมโปรตีน)	(ยูนิต/มิลลิลิตร)	(มิลลิกรัม/มิลลิลิตร)	(ยูนิต/มิลลิกรัมโปรตีน)	(ยูนิต/มิลลิกรัมโปรตีน)	(มิลลิกรัม/มิลลิลิตร)	(ยูนิต/มิลลิกรัมโปรตีน)	(ยูนิต/มิลลิกรัมโปรตีน)	
E11-UV1	1.2466	± 0.044	1.5549	± 0.018	0.8017	± 0.028	1.1409	± 0.050	1.3208	± 0.228	0.8882	± 0.212
E11-UV19	1.3134	± 0.056	1.7749	± 0.007	0.7400	± 0.032	0.3238	± 0.070	0.9837	± 0.112	0.3271	± 0.036
E11-UV20	1.8271	± 0.071	1.5096	± 0.003	1.2103	± 0.047	0.8643	± 0.229	1.2645	± 0.253	0.6773	± 0.048
E11-UV27	1.3225	± 0.013	0.9822	± 0.007	1.3465	± 0.013	1.0641	± 0.197	1.4644	± 0.101	0.7227	± 0.086
E11-UV29	1.3598	± 0.003	1.3876	± 0.015	0.9800	± 0.002	0.8743	± 0.049	1.3248	± 0.055	0.6604	± 0.040
E11-UV32	1.6333	± 0.041	1.5729	± 0.019	1.0384	± 0.026	1.2172	± 0.178	1.3544	± 0.038	0.8974	± 0.117
E11-UV42	0.9411	± 0.030	0.9792	± 0.007	0.9611	± 0.031	0.3737	± 0.054	1.1731	± 0.247	0.3244	± 0.054
E11-UV43	0.5179	± 0.011	1.0304	± 0.016	0.5026	± 0.011	1.0873	± 0.242	1.4810	± 0.225	0.7285	± 0.060
E11-UV51	0.3462	± 0.006	1.1329	± 0.254	0.3056	± 0.005	0.2247	± 0.003	1.2896	± 0.054	0.1744	± 0.005
E11-UV52	0.6661	± 0.037	0.7848	± 0.012	0.8487	± 0.047	1.3693	± 0.076	1.7111	± 0.058	0.8000	± 0.026
E11-UV54	0.7557	± 0.030	0.7999	± 0.034	0.9448	± 0.037	0.3415	± 0.081	0.9551	± 0.111	0.3546	± 0.053
E11-UV55	1.7176	± 0.024	1.6181	± 0.007	1.0615	± 0.015	1.0168	± 0.296	1.3735	± 0.240	0.7299	± 0.096
E11-UV56	1.2815	± 0.006	1.4253	± 0.027	0.8991	± 0.004	1.2020	± 0.102	1.4358	± 0.036	0.8371	± 0.066
E11-UV57	0.7170	± 0.023	0.7471	± 0.005	0.9596	± 0.031	0.7941	± 0.150	1.0008	± 0.172	0.8041	± 0.173
E11-UV58	1.2070	± 0.023	1.3800	± 0.015	0.8746	± 0.017	0.9096	± 0.009	1.8417	± 0.130	0.4954	± 0.031
WT	1.4943	± 0.129	1.6181	± 0.016	0.9234	± 0.080	1.0645	± 0.179	1.3263	± 0.091	0.8046	± 0.138
EMS11	1.4669	± 0.065	1.6362	± 0.055	0.8965	± 0.040	0.8637	± 0.091	1.5197	± 0.149	0.5694	± 0.050

ตารางแสดง ความสามารถในการทำงานของเปต้า-กลูโคซิเดส ของ EMS 11 ที่เหนี่ยวนำให้เกิดการถ่ายพันธุ์ข้าด้วยรังสีอัลตราไวโอลেต

ไอโซเลต	ชั้วรุนที่ 1				ชั้วรุนที่ 5			
	ค่าแยกทิวิตี		ปริมาณโปรตีน		ค่าแยกทิวิตีจำเพาะ		ปริมาณโปรตีน	
	(มูนิต/มิลลิลิตร)	(มิลลิกรัม/มิลลิลิตร)	(มูนิต/มิลลิกรัมโปรตีน)	(มิลลิกรัม/มิลลิลิตร)	(มูนิต/มิลลิลิตร)	(มิลลิกรัม/มิลลิลิตร)	(มูนิต/มิลลิกรัมโปรตีน)	
E11-UV1	0.1029 ± 0.002	1.5549 ± 0.018	0.0662 ± 0.001	0.0780 ± 0.005	1.3208 ± 0.228	0.0608 ± 0.016		
E11-UV19	0.1272 ± 0.003	1.7749 ± 0.007	0.0717 ± 0.002	0.0809 ± 0.010	0.9837 ± 0.112	0.0828 ± 0.012		
E11-UV20	0.1093 ± 0.001	1.5096 ± 0.003	0.0724 ± 0.001	0.0787 ± 0.006	1.2645 ± 0.253	0.0634 ± 0.009		
E11-UV27	0.1300 ± 0.001	0.9822 ± 0.007	0.1324 ± 0.001	0.0739 ± 0.003	1.4644 ± 0.101	0.0507 ± 0.005		
E11-UV29	0.0958 ± 0.001	1.3876 ± 0.015	0.0690 ± 0.001	0.0719 ± 0.001	1.3248 ± 0.055	0.0544 ± 0.002		
E11-UV32	0.1049 ± 0.001	1.5729 ± 0.019	0.0667 ± 0.001	0.0749 ± 0.006	1.3544 ± 0.038	0.0554 ± 0.006		
E11-UV42	0.1421 ± 0.003	0.9792 ± 0.007	0.1451 ± 0.003	0.0802 ± 0.001	1.1731 ± 0.247	0.0704 ± 0.014		
E11-UV43	0.0965 ± 0.004	1.0304 ± 0.016	0.0937 ± 0.004	0.0850 ± 0.002	1.4810 ± 0.225	0.0585 ± 0.011		
E11-UV51	0.2757 ± 0.002	1.1329 ± 0.254	0.2434 ± 0.002	0.0648 ± 0.001	1.2896 ± 0.054	0.0503 ± 0.002		
E11-UV52	0.0919 ± 0.002	0.7848 ± 0.012	0.1171 ± 0.003	0.0705 ± 0.002	1.7111 ± 0.058	0.0412 ± 0.001		
E11-UV54	0.1014 ± 0.003	0.7999 ± 0.034	0.1268 ± 0.003	0.0845 ± 0.010	0.9551 ± 0.111	0.0890 ± 0.011		
E11-UV55	0.1504 ± 0.005	1.6181 ± 0.007	0.0930 ± 0.003	0.0807 ± 0.002	1.3735 ± 0.240	0.0600 ± 0.011		
E11-UV56	0.1353 ± 0.007	1.4253 ± 0.027	0.0949 ± 0.005	0.0959 ± 0.006	1.4358 ± 0.036	0.0668 ± 0.002		
E11-UV57	0.0925 ± 0.004	0.7471 ± 0.005	0.1238 ± 0.006	0.0916 ± 0.007	1.0008 ± 0.172	0.0940 ± 0.022		
E11-UV58	0.0846 ± 0.004	1.3800 ± 0.015	0.0613 ± 0.001	0.0816 ± 0.003	1.8417 ± 0.130	0.0445 ± 0.004		
WT	0.1111 ± 0.002	1.6181 ± 0.016	0.0687 ± 0.001	0.0760 ± 0.003	1.3263 ± 0.091	0.0575 ± 0.003		
EMS11	0.1236 ± 0.003	1.6362 ± 0.055	0.1096 ± 0.003	0.0844 ± 0.004	1.5197 ± 0.149	0.0558 ± 0.004		

ตารางแสดง ความสามารถในการทำงานของเอนโดกลูคานส์ ของ EMS 45 ที่เนี่ยวนำให้เกิดการกลایพันธุ์ข้าด้วยรังสีอัลตราไวโอเลต

ไอโซเลต	ชั้วรุ่นที่ 1				ชั้วรุ่นที่ 5			
	ค่าแอกทิวิตี้		ปริมาณโปรตีน		ค่าแอกทิวิตี้จำเพาะ		ปริมาณโปรตีน	
	(ยูนิต/มิลลิลิตร)	(มิลลิกรัม/มิลลิลิตร)	(ยูนิต/มิลลิกรัมโปรตีน)	(ยูนิต/มิลลิลิตร)	(มิลลิกรัม/มิลลิลิตร)	(ยูนิต/มิลลิกรัมโปรตีน)	(มิลลิกรัม/มิลลิลิตร)	(ยูนิต/มิลลิกรัมโปรตีน)
E45-UV8	21.8597 ± 0.157	1.2580 ± 0.039	17.3767 ± 0.125	19.2550 ± 1.093	1.8778 ± 0.119	10.2566 ± 0.066		
E45-UV12	29.7152 ± 0.259	1.3620 ± 0.018	21.8179 ± 0.190	23.5225 ± 1.532	2.2566 ± 0.089	10.4323 ± 0.729		
E45-UV24	12.7957 ± 0.581	0.7803 ± 0.006	16.3986 ± 0.745	10.0852 ± 1.599	0.7070 ± 0.135	14.3330 ± 0.811		
E45-UV25	22.9314 ± 0.169	1.1615 ± 0.008	19.7422 ± 0.145	19.6128 ± 0.604	1.8773 ± 0.085	10.4685 ± 0.745		
E45-UV26	32.2348 ± 0.366	1.6438 ± 0.005	19.6104 ± 0.222	13.3341 ± 3.007	0.8893 ± 0.065	14.9766 ± 2.967		
E45-UV27	23.7409 ± 0.437	1.0440 ± 0.007	22.7403 ± 0.418	12.8700 ± 1.384	1.1877 ± 0.080	10.8345 ± 0.834		
E45-UV29	16.0564 ± 0.455	0.9717 ± 0.005	16.5246 ± 0.469	15.2744 ± 3.354	1.5749 ± 0.441	9.8293 ± 0.709		
E45-UV30	22.1219 ± 0.526	1.2746 ± 0.003	17.3565 ± 0.413	19.6321 ± 1.409	1.3007 ± 0.051	15.1100 ± 1.224		
E45-UV31	28.4268 ± 0.258	1.4765 ± 0.018	19.2529 ± 0.175	23.4967 ± 1.914	2.0582 ± 0.016	11.4176 ± 0.947		
E45-UV32	22.9656 ± 0.209	1.1646 ± 0.014	19.7205 ± 0.179	12.5767 ± 1.207	1.8593 ± 0.101	6.7674 ± 0.597		
E45-UV35	28.7688 ± 0.247	1.4961 ± 0.021	19.2295 ± 0.165	22.8327 ± 0.812	2.0883 ± 0.124	10.9728 ± 1.020		
E45-UV36	27.5603 ± 0.142	1.3816 ± 0.009	19.9488 ± 0.103	23.7191 ± 1.476	2.1521 ± 0.156	11.0458 ± 0.808		
E45-UV37	25.9185 ± 0.154	1.4117 ± 0.014	18.3599 ± 0.109	18.6039 ± 3.004	1.8653 ± 0.330	9.9958 ± 0.250		
E45-UV39	23.8549 ± 0.071	1.1224 ± 0.006	21.2542 ± 0.063	19.0906 ± 3.098	1.2610 ± 0.208	15.1447 ± 0.266		
E45-UV48	20.7766 ± 0.172	0.8933 ± 0.001	23.2580 ± 0.193	14.9715 ± 1.229	1.3886 ± 0.223	10.9165 ± 1.390		
WT	17.0027 ± 0.427	1.6031 ± 0.006	10.6063 ± 0.266	20.6796 ± 0.862	1.9577 ± 0.217	10.6205 ± 0.777		
EMS45	22.1561 ± 0.274	1.3333 ± 0.003	16.6171 ± 0.206	24.2541 ± 2.008	1.6598 ± 0.045	14.6031 ± 0.948		

ตารางแสดง ความสามารถในการทำงานของเอกซิการ์ดูคานส์ ของ EMS 45 ที่เน้นย้ำให้เกิดการกลยุทธ์ชัดเจน สีอัลตราไวโอลেต

ไอโซเลต	ชั้วรุ่นที่ 1						ชั้วรุ่นที่ 5		
	ค่าแอกทิวิตี้		ปริมาณโปรตีน		ค่าแอกทิวิตี้จำเพาะ		ค่าแอกทิวิตี้		ปริมาณโปรตีน
	(ยูนิต/มิลลิลิตร)	(มิลลิกรัม/มิลลิลิตร)	(ยูนิต/มิลลิกรัมโปรตีน)	(ยูนิต/มิลลิกรัมโปรตีน)	(ยูนิต/มิลลิลิตร)	(มิลลิกรัม/มิลลิลิตร)	(ยูนิต/มิลลิกรัมโปรตีน)	(มิลลิกรัม/มิลลิลิตร)	
E45-UV8	1.2033 ± 0.042	1.2580 ± 0.039	0.9565 ± 0.033	1.0609 ± 0.089	1.8778 ± 0.119	0.5648 ± 0.025			
E45-UV12	1.6819 ± 0.013	1.3620 ± 0.018	1.2349 ± 0.009	1.5132 ± 0.079	2.2566 ± 0.089	0.6706 ± 0.024			
E45-UV24	0.4259 ± 0.009	0.7803 ± 0.006	0.5458 ± 0.012	0.5369 ± 0.016	0.7070 ± 0.135	0.7747 ± 0.121			
E45-UV25	1.1181 ± 0.017	1.1615 ± 0.008	0.9626 ± 0.014	1.1174 ± 0.060	1.8773 ± 0.085	0.5962 ± 0.045			
E45-UV26	1.8481 ± 0.044	1.6438 ± 0.005	1.1243 ± 0.027	0.6926 ± 0.087	0.8893 ± 0.065	0.7777 ± 0.056			
E45-UV27	1.2994 ± 0.020	1.0440 ± 0.007	1.2446 ± 0.019	0.5523 ± 0.072	1.1877 ± 0.080	0.4638 ± 0.035			
E45-UV29	0.8750 ± 0.017	0.9717 ± 0.005	0.9005 ± 0.017	1.0103 ± 0.157	1.5749 ± 0.441	0.6695 ± 0.172			
E45-UV30	1.5253 ± 0.010	1.2746 ± 0.003	1.1967 ± 0.008	0.8221 ± 0.129	1.3007 ± 0.051	0.6323 ± 0.097			
E45-UV31	1.7197 ± 0.015	1.4765 ± 0.018	1.1647 ± 0.010	1.3749 ± 0.162	2.0582 ± 0.016	0.6683 ± 0.082			
E45-UV32	1.1627 ± 0.045	1.1646 ± 0.014	0.9984 ± 0.039	0.9343 ± 0.213	1.8593 ± 0.101	0.4999 ± 0.089			
E45-UV35	1.9531 ± 0.020	1.4961 ± 0.021	1.3055 ± 0.013	1.4074 ± 0.102	2.0883 ± 0.124	0.6742 ± 0.036			
E45-UV36	1.6029 ± 0.026	1.3816 ± 0.009	1.1602 ± 0.019	1.4324 ± 0.113	2.1521 ± 0.156	0.6654 ± 0.006			
E45-UV37	1.1463 ± 0.011	1.4117 ± 0.014	0.8120 ± 0.008	1.2026 ± 0.370	1.8653 ± 0.330	0.6358 ± 0.121			
E45-UV39	1.2479 ± 0.028	1.1224 ± 0.006	1.1118 ± 0.025	0.4234 ± 0.014	1.2610 ± 0.208	0.3438 ± 0.073			
E45-UV48	0.9691 ± 0.007	0.8933 ± 0.001	1.0848 ± 0.008	0.9164 ± 0.249	1.3886 ± 0.223	0.6928 ± 0.312			
WT	0.8276 ± 0.023	1.6031 ± 0.006	0.5163 ± 0.014	0.8931 ± 0.038	1.9577 ± 0.217	0.4607 ± 0.065			
EMS45	0.7899 ± 0.041	1.3333 ± 0.003	0.5924 ± 0.031	1.0854 ± 0.026	1.6598 ± 0.045	0.6544 ± 0.031			

ตารางแสดง ความสามารถในการทำงานของเบตา-กลูโคซิเดส ของ EMS 45 ที่เห็นยานำให้เกิดการถ่ายพันธุ์ข้าด้วยวังสีอัลตราไวโอลेट

ไอโซเลต	ช่วงรุ่นที่ 1				ช่วงรุ่นที่ 5			
	ค่าแอกทิวิตี้		ปริมาณโปรตีน		ค่าแอกทิวิตี้จำเพาะ		ปริมาณโปรตีน	
	(มูนิต/มิลลิลิตร)	(มิลลิกรัม/มิลลิลิตร)	(มูนิต/มิลลิกรัมโปรตีน)	(มูนิต/มิลลิลิตร)	(มิลลิกรัม/มิลลิลิตร)	(มิลลิกรัม/มิลลิลิตร)	(มิลลิกรัม/มิลลิลิตร)	(มิลลิกรัม/มิลลิลิตร)
E45-UV8	0.2885 ± 0.009	1.2580 ± 0.039	0.2294 ± 0.007	0.0830 ± 0.006	1.8778 ± 0.119	0.0443 ± 0.004		
E45-UV12	0.2622 ± 0.002	1.3620 ± 0.018	0.1925 ± 0.002	0.1250 ± 0.007	2.2566 ± 0.089	0.0554 ± 0.002		
E45-UV24	0.1783 ± 0.004	0.7803 ± 0.006	0.2285 ± 0.005	0.1075 ± 0.014	0.7070 ± 0.135	0.1568 ± 0.043		
E45-UV25	0.2237 ± 0.016	1.1615 ± 0.008	0.1926 ± 0.014	0.1059 ± 0.015	1.8773 ± 0.085	0.0567 ± 0.010		
E45-UV26	0.2263 ± 0.005	1.6438 ± 0.005	0.1377 ± 0.003	0.1173 ± 0.036	0.8893 ± 0.065	0.1321 ± 0.039		
E45-UV27	0.1728 ± 0.002	1.0440 ± 0.007	0.1655 ± 0.002	0.0883 ± 0.009	1.1877 ± 0.080	0.0742 ± 0.003		
E45-UV29	0.2702 ± 0.004	0.9717 ± 0.005	0.2781 ± 0.004	0.1440 ± 0.012	1.5749 ± 0.441	0.0957 ± 0.023		
E45-UV30	0.2939 ± 0.004	1.2746 ± 0.003	0.2306 ± 0.003	0.1329 ± 0.022	1.3007 ± 0.051	0.1022 ± 0.016		
E45-UV31	0.2465 ± 0.003	1.4765 ± 0.018	0.1670 ± 0.002	0.0948 ± 0.014	2.0582 ± 0.016	0.0461 ± 0.007		
E45-UV32	0.2522 ± 0.006	1.1646 ± 0.014	0.2166 ± 0.005	0.0944 ± 0.008	1.8593 ± 0.101	0.0507 ± 0.003		
E45-UV35	0.2385 ± 0.004	1.4961 ± 0.021	0.1594 ± 0.002	0.1173 ± 0.026	2.0883 ± 0.124	0.0563 ± 0.013		
E45-UV36	0.2958 ± 0.007	1.3816 ± 0.009	0.2141 ± 0.005	0.1276 ± 0.007	2.1521 ± 0.156	0.0595 ± 0.005		
E45-UV37	0.3298 ± 0.005	1.4117 ± 0.014	0.2336 ± 0.003	0.1312 ± 0.019	1.8653 ± 0.330	0.0717 ± 0.014		
E45-UV39	0.1890 ± 0.002	1.1224 ± 0.006	0.1684 ± 0.002	0.0954 ± 0.051	1.2610 ± 0.208	0.0761 ± 0.037		
E45-UV48	0.2631 ± 0.004	0.8933 ± 0.001	0.2945 ± 0.005	0.1162 ± 0.002	1.3886 ± 0.223	0.0851 ± 0.013		
WT	0.1931 ± 0.002	1.6031 ± 0.006	0.1204 ± 0.002	0.0986 ± 0.037	1.9577 ± 0.217	0.0522 ± 0.026		
EMS45	0.2340 ± 0.002	1.3333 ± 0.003	0.1755 ± 0.002	0.0889 ± 0.009	1.6598 ± 0.045	0.0536 ± 0.006		

ตารางแสดง ความสามารถในการทำงานของเอนโดกลูคานส์ ที่เข้มข้น 0.1 เปอร์เซ็นต์ คลอชีน

ไอโซเลต	ชั้วรุ่นที่ 1				ชั้วรุ่นที่ 5			
	ค่าแอกทิวิตี้		ปริมาณโปรตีน		ค่าแอกทิวิตี้จำเพาะ		ปริมาณโปรตีน	
	(ยูนิต/มิลลิลิตร)	(มิลลิกรัม/มิลลิลิตร)	(ยูนิต/มิลลิกรัมโปรตีน)	(ยูนิต/มิลลิลิตร)	(มิลลิกรัม/มิลลิลิตร)	(ยูนิต/มิลลิกรัมโปรตีน)	(มิลลิกรัม/มิลลิลิตร)	(ยูนิต/มิลลิกรัมโปรตีน)
EV24-C31	39.0468 ± 0.518	1.8940 ± 0.111	20.6684 ± 1.349	26.1541 ± 3.047	2.1442 ± 0.365	12.3677 ± 1.890		
EV24-C33	31.6327 ± 4.598	1.5148 ± 0.091	20.8471 ± 2.347	26.8559 ± 1.146	1.9721 ± 0.133	13.6350 ± 0.435		
EV24-C37	37.8684 ± 1.518	1.9252 ± 0.076	19.6714 ± 0.341	28.1597 ± 0.584	1.7420 ± 0.310	16.4688 ± 2.574		
EV24-C46	35.1317 ± 0.468	1.3821 ± 0.318	26.2369 ± 5.375	29.0897 ± 1.463	1.6896 ± 0.090	17.2412 ± 1.066		
EV24-C50	33.5390 ± 2.621	1.5191 ± 0.201	22.4714 ± 4.473	24.0335 ± 4.609	1.6942 ± 0.043	14.2379 ± 3.117		
EV24-C51	29.7147 ± 6.618	1.7143 ± 0.114	17.2176 ± 2.623	26.9491 ± 3.152	1.6106 ± 0.169	16.7196 ± 0.226		
EV26-C9	46.3024 ± 1.952	1.7638 ± 0.146	26.4182 ± 3.094	27.1083 ± 2.962	1.5956 ± 0.286	17.2759 ± 2.898		
EV26-C21	18.2194 ± 3.971	0.9744 ± 0.153	18.5739 ± 1.179	26.7195 ± 2.456	1.5715 ± 0.130	17.0570 ± 1.733		
EV26-C37	25.0785 ± 5.309	1.1827 ± 0.298	21.5755 ± 3.281	30.5797 ± 1.628	1.7225 ± 0.190	17.8845 ± 1.983		
EV26-C41	25.0288 ± 4.681	1.0869 ± 0.132	22.9617 ± 2.693	26.5178 ± 3.102	1.7276 ± 0.196	15.3524 ± 0.559		
EV26-C52	29.8636 ± 0.768	1.2906 ± 0.159	23.3506 ± 2.635	23.3947 ± 3.621	1.4631 ± 0.227	15.9994 ± 0.486		
EV39-C11	31.0649 ± 2.439	1.9222 ± 0.235	16.2482 ± 1.335	28.1549 ± 1.230	1.6094 ± 0.147	17.5779 ± 1.590		
EV39-C43	28.0477 ± 0.946	1.8189 ± 0.211	15.5860 ± 2.216	28.3879 ± 3.260	1.6446 ± 0.206	17.2777 ± 0.296		
EV39-C53	27.4484 ± 1.874	1.9540 ± 0.070	14.0386 ± 0.540	30.0502 ± 1.848	1.7005 ± 0.314	17.9521 ± 2.388		
EV39-C63	29.8154 ± 2.416	1.9463 ± 0.188	15.3574 ± 0.989	29.6285 ± 2.306	1.8816 ± 0.278	15.8651 ± 1.315		
EV39-C69	29.5592 ± 2.508	1.7950 ± 0.275	16.5928 ± 1.242	33.9778 ± 2.658	1.4215 ± 0.071	23.9380 ± 2.138		
WT	16.2013 ± 3.851	1.5862 ± 0.271	13.4874 ± 1.106	13.9339 ± 2.598	1.2583 ± 0.160	11.0739 ± 1.615		
E45-UV24	12.0342 ± 0.747	1.2670 ± 0.094	9.5363 ± 0.991	12.6207 ± 2.295	1.1352 ± 0.274	11.2333 ± 0.911		
E45-UV26	11.8147 ± 2.439	0.9880 ± 0.145	11.8879 ± 0.768	13.8105 ± 1.063	1.1705 ± 0.222	12.0796 ± 2.363		
E45-UV39	19.7661 ± 0.608	1.1367 ± 0.109	17.4981 ± 1.808	14.7619 ± 2.144	0.9769 ± 0.315	15.7515 ± 3.495		

ตารางแสดง ความสามารถในการทำงานของເກົ່າໂຄງລູຄານີສ ທີ່ເຂົ້ອທີ່ໃໝ່ 0.1 ເປົ້ອງເຫັນຕໍ່ໂຄລື້ຈິ່ນ

ໄອໂຊເລຕ	ຫົວໜ້າທີ 1						ຫົວໜ້າທີ 5					
	ຄ່າແອກທິວີຕີ		ປຣິມານໂປຣຕິນ		ຄ່າແອກທິວີຕີຈຳເພາະ		ຄ່າແອກທິວີຕີ		ປຣິມານໂປຣຕິນ		ຄ່າແອກທິວີຕີຈຳເພາະ	
	(ຢູ່ນິຕ/ມີລືລິລືຕິຮ)	(ມີລືລິກຮັມ/ມີລືລິລືຕິຮ)	(ຢູ່ນິຕ/ມີລືລິກຮັມໂປຣຕິນ)	(ຢູ່ນິຕ/ມີລືລິລືຕິຮ)	(ຢູ່ນິຕ/ມີລືລິລືຕິຮ)	(ມີລືລິກຮັມ/ມີລືລິລືຕິຮ)	(ຢູ່ນິຕ/ມີລືລິກຮັມໂປຣຕິນ)	(ຢູ່ນິຕ/ມີລືລິລືຕິຮ)	(ມີລືລິກຮັມ/ມີລືລິລືຕິຮ)	(ຢູ່ນິຕ/ມີລືລິກຮັມໂປຣຕິນ)	(ຢູ່ນິຕ/ມີລືລິລືຕິຮ)	
EV24-C31	2.4480	± 0.267	1.8940	± 0.111	1.2908	± 0.091	1.9173	± 0.349	2.1442	± 0.365	0.8929	± 0.012
EV24-C33	1.8670	± 0.178	1.5148	± 0.091	1.2320	± 0.083	1.6395	± 0.056	1.9721	± 0.133	0.8335	± 0.055
EV24-C37	2.4273	± 0.283	1.9252	± 0.076	1.2585	± 0.105	1.9707	± 0.291	1.7420	± 0.310	1.1543	± 0.273
EV24-C46	1.9843	± 0.483	1.3821	± 0.318	1.4348	± 0.094	2.0028	± 0.234	1.6896	± 0.090	1.1876	± 0.148
EV24-C50	2.0292	± 0.350	1.5191	± 0.201	1.3621	± 0.344	1.5744	± 0.084	1.6942	± 0.043	0.9288	± 0.026
EV24-C51	2.5107	± 0.392	1.7143	± 0.114	1.4605	± 0.158	1.7278	± 0.127	1.6106	± 0.169	1.0782	± 0.106
EV26-C9	1.8645	± 0.536	1.7638	± 0.146	1.0758	± 0.393	1.6937	± 0.324	1.5956	± 0.286	1.0696	± 0.158
EV26-C21	1.3752	± 0.042	0.9744	± 0.153	1.4308	± 0.186	1.7527	± 0.204	1.5715	± 0.130	1.1174	± 0.117
EV26-C37	1.6059	± 0.186	1.1827	± 0.298	1.4109	± 0.344	2.0369	± 0.197	1.7225	± 0.190	1.1851	± 0.078
EV26-C41	1.6356	± 0.412	1.0869	± 0.132	1.4896	± 0.236	1.9646	± 0.194	1.7276	± 0.196	1.1387	± 0.029
EV26-C52	1.9043	± 0.220	1.2906	± 0.159	1.5029	± 0.334	1.5447	± 0.327	1.4631	± 0.227	1.0498	± 0.071
EV39-C11	1.8464	± 0.369	1.9222	± 0.235	0.9568	± 0.101	2.0065	± 0.129	1.6094	± 0.147	1.2538	± 0.145
EV39-C43	2.2835	± 0.080	1.8189	± 0.211	1.2708	± 0.199	1.8825	± 0.270	1.6446	± 0.206	1.1474	± 0.115
EV39-C53	2.2167	± 0.227	1.9540	± 0.070	1.1382	± 0.159	2.0185	± 0.143	1.7005	± 0.314	1.2092	± 0.192
EV39-C63	2.4224	± 0.251	1.9463	± 0.188	1.2507	± 0.150	1.8670	± 0.272	1.8816	± 0.278	0.9924	± 0.016
EV39-C69	2.3401	± 0.272	1.7950	± 0.275	1.3204	± 0.219	1.4153	± 0.272	1.4215	± 0.071	0.9911	± 0.141
WT	1.0846	± 0.172	1.5862	± 0.271	0.6846	± 0.011	0.9087	± 0.067	1.2583	± 0.160	0.7325	± 0.126
E45-UV24	0.7864	± 0.199	1.2670	± 0.094	0.6298	± 0.202	0.9807	± 0.039	1.1352	± 0.274	0.8998	± 0.223
E45-UV26	1.3260	± 0.186	0.9880	± 0.145	1.3622	± 0.269	1.3443	± 0.346	1.1705	± 0.222	1.1372	± 0.092
E45-UV39	1.1545	± 0.050	1.1367	± 0.109	1.0239	± 0.135	1.0070	± 0.193	0.9769	± 0.315	1.0630	± 0.202

ตารางแสดง ความสามารถในการทำงานของเบตา-กลูโคซิเดส ที่เข้มข้น 0.1 เปอร์เซ็นต์ โคลชีน

ไอโซเลต	ชั้วรุ่นที่ 1					ชั้วรุ่นที่ 5				
	ค่าแยกทิวิติ		ปริมาณโปรตีน		ค่าแยกทิวิติจำเพาะ	ค่าแยกทิวิติ		ปริมาณโปรตีน		ค่าแยกทิวิติจำเพาะ
	(ยูนิต/มิลลิลิตร)	(มิลลิกรัม/มิลลิลิตร)	(ยูนิต/มิลลิกรัมโปรตีน)		(ยูนิต/มิลลิลิตร)	(มิลลิกรัม/มิลลิลิตร)	(ยูนิต/มิลลิกรัมโปรตีน)			
EV24-C31	0.2156 ± 0.012	1.8940 ± 0.111	0.1140 ± 0.008		0.1367 ± 0.025	2.1442 ± 0.365	0.0657 ± 0.019			
EV24-C33	0.2533 ± 0.013	1.5148 ± 0.091	0.1673 ± 0.004		0.1592 ± 0.042	1.9721 ± 0.133	0.0800 ± 0.017			
EV24-C37	0.1937 ± 0.032	1.9252 ± 0.076	0.1003 ± 0.012		0.1809 ± 0.030	1.7420 ± 0.310	0.1076 ± 0.032			
EV24-C46	0.1249 ± 0.017	1.3821 ± 0.318	0.0937 ± 0.026		0.2004 ± 0.015	1.6896 ± 0.090	0.1191 ± 0.014			
EV24-C50	0.1134 ± 0.004	1.5191 ± 0.201	0.0757 ± 0.012		0.1322 ± 0.028	1.6942 ± 0.043	0.0779 ± 0.015			
EV24-C51	0.1166 ± 0.009	1.7143 ± 0.114	0.0680 ± 0.001		0.1664 ± 0.010	1.6106 ± 0.169	0.1042 ± 0.015			
EV26-C9	0.1476 ± 0.038	1.7638 ± 0.146	0.0851 ± 0.029		0.1250 ± 0.004	1.5956 ± 0.286	0.0801 ± 0.015			
EV26-C21	0.1686 ± 0.012	0.9744 ± 0.153	0.1767 ± 0.037		0.2079 ± 0.031	1.5715 ± 0.130	0.1321 ± 0.014			
EV26-C37	0.1569 ± 0.019	1.1827 ± 0.298	0.1379 ± 0.033		0.1172 ± 0.006	1.7225 ± 0.190	0.0685 ± 0.008			
EV26-C41	0.2648 ± 0.041	1.0869 ± 0.132	0.2436 ± 0.023		0.1775 ± 0.032	1.7276 ± 0.196	0.1052 ± 0.032			
EV26-C52	0.1508 ± 0.006	1.2906 ± 0.159	0.1177 ± 0.011		0.2072 ± 0.029	1.4631 ± 0.227	0.1436 ± 0.027			
EV39-C11	0.1476 ± 0.010	1.9222 ± 0.235	0.0774 ± 0.009		0.1701 ± 0.003	1.6094 ± 0.147	0.1063 ± 0.011			
EV39-C43	0.1150 ± 0.012	1.8189 ± 0.211	0.0639 ± 0.011		0.1981 ± 0.020	1.6446 ± 0.206	0.1225 ± 0.026			
EV39-C53	0.1611 ± 0.003	1.9540 ± 0.070	0.0825 ± 0.002		0.1434 ± 0.024	1.7005 ± 0.314	0.0866 ± 0.022			
EV39-C63	0.1117 ± 0.014	1.9463 ± 0.188	0.0573 ± 0.002		0.1923 ± 0.040	1.8816 ± 0.278	0.1029 ± 0.022			
EV39-C69	0.1172 ± 0.013	1.7950 ± 0.275	0.0656 ± 0.003		0.1916 ± 0.007	1.4215 ± 0.071	0.1349 ± 0.007			
WT	0.1890 ± 0.016	1.5862 ± 0.271	0.1609 ± 0.026		0.1659 ± 0.014	1.2583 ± 0.160	0.1342 ± 0.027			
E45-UV24	0.1216 ± 0.010	1.2670 ± 0.094	0.0959 ± 0.003		0.0947 ± 0.003	1.1352 ± 0.274	0.0861 ± 0.017			
E45-UV26	0.1329 ± 0.014	0.9880 ± 0.145	0.1377 ± 0.034		0.1164 ± 0.005	1.1705 ± 0.222	0.1026 ± 0.025			
E45-UV39	0.1303 ± 0.005	1.1367 ± 0.109	0.1151 ± 0.008		0.1200 ± 0.004	0.9769 ± 0.315	0.1301 ± 0.034			

ประวัติผู้เขียนวิทยานิพนธ์

นางสาวมหัทธนี ภิญโญ เกิดเมื่อวันที่ 1 พฤษภาคม พ.ศ.2526 ที่อำเภอศรีราชา จังหวัดชลบุรี สำเร็จการศึกษาระดับปริญญาตรีวิทยาศาสตรบัณฑิต เกียรตินิยมอันดับสอง จากคณะเทคโนโลยีทางทะเล มหาวิทยาลัยมูรพา เมื่อปี พ.ศ. 2548 และเข้าศึกษาต่อในหลักสูตรวิทยาศาสตรมหาบัณฑิต สาขาวิชาเทคโนโลยีชีวภาพ จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย ในปีการศึกษา 2549 ได้รับทุนสนับสนุนการวิจัยจากสถาบันวิจัยและเทคโนโลยี บริษัท ปตท. จำกัด โดยมีการทำรายงานความก้าวหน้าเสนอ ปตท. ไปแล้วจำนวน 3 ครั้ง โดยงานวิจัยขึ้นนี้ได้มีการนำเสนอผลงานวิจัยแบบบรรยายในหัวข้อเรื่อง การเพิ่มเซลลูลาสเอกสารทิวิติของ *Trichoderma reesei* TISTR 3081 โดยการถ่ายพันธุ์ถูกเหนี่ยวนำด้วยเอทิลเมเทนซัลฟอนต และวังสีอัลตราไวโอเลต ในงานนิทรรศการวิจัยครั้งที่ 4 : การบริหารนวัตกรรม ประจำปี 2551 ระหว่างวันที่ 28-29 กรกฎาคม 2551 โดยได้ตีพิมพ์ในรายงานการประชุมฉบับสมบูรณ์ และการนำเสนอแบบโปสเทอร์ในหัวข้อเรื่อง Double mutagenesis by EMS and UV irradiation of *Trichoderma reesei* TISTR 3081 to enhance cellulose activity ในงาน 13th Biological Sciences Graduate Congress ระหว่างวันที่ 15-17 มีนาคม 2551 ณ National University of Singapore ประเทศสิงคโปร์ และงานวิจัยขึ้นนี้ได้ทำการยื่นจดสิทธิบัตรกระบวนการเหนี่ยวนำด้วยสารเอทิลเมเทนซัลฟอนตและวังสีอัลตราไวโอเลตให้เกิดเชื้อร่าไมโครเดอร์มาเรซิไอพันธุ์ถูกลาย (เลขที่ยื่นคำขอ 0901000962 วันที่ 5 มีนาคม 2552)