

การตรวจสอบอัลลีลของยีน ที่สร้างโปรตีนบนผิวเมอร์โรชอยต์ (MSP1) ของ
Plasmodium falciparum อย่างรวดเร็วโดยพอลิเมอเรสเซนรีแอ็กชันและการวิเคราะห์โดย
เอนโนนิวคลีอสชนิดตัดจำเพาะ



นางสาวสุนีย์ สีธรรมใจ

วิทยานิพนธ์นี้เป็นส่วนหนึ่งของการศึกษาตามหลักสูตรปริญญาวิทยาศาสตรมหาบัณฑิต
ภาควิชาชีววิทยา

บัณฑิตวิทยาลัย จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

พ.ศ. 2538

ISBN 974-631-753-9

ลิขสิทธิ์ของบัณฑิตวิทยาลัย จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

RAPID ALLELIC TYPING OF THE *Plasmodium falciparum* MEROZOITE
SURFACE PROTEIN 1 (MSP1) GENE BY POLYMERASE CHAIN REACTION
AND RESTRICTION ENDONUCLEASE ANALYSIS



Miss Sunee Seethamchai

A Thesis Submitted in Partial Fulfillment of the Requirements

for the Degree of Master of Science

Department of Biology

Graduate School

Chulalongkorn University

1995

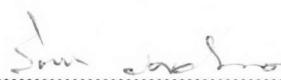
ISBN 974-631-753-9

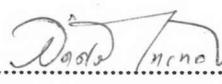
หัวข้อวิทยานิพนธ์	การตรวจสอบอัลลิลของยีน ที่สร้างโปรตีนบันผิวนมอร์โรซอยต์ (MSP1) ของ <i>Plasmodium falciparum</i> อย่างรวดเร็วโดย พอลิเมอเรสเซนรีเอ็กชันและการวิเคราะห์โดยแอนโคนิวคลีอส ชนิดตัดจำเพาะ
โดย	นางสาวสุนีร์ สีธรรมใจ
ภาควิชา	ชีววิทยา
อาจารย์ที่ปรึกษา	รองศาสตราจารย์ สดศรี ไทยทอง
อาจารย์ที่ปรึกษาร่วม	ผู้ช่วยศาสตราจารย์ นายแพทย์ ดร. สมชาย จงจุณิเวศย์

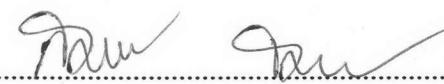
บันทึกวิทยาลัย จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย อนุมัติให้นับวิทยานิพนธ์นับนี้เป็น ส่วนหนึ่งของการศึกษาตามหลักสูตรปริญญามหาบัณฑิต

 คณบดีบันทึกวิทยาลัย
(รองศาสตราจารย์ ดร. สันติ ถุงสุวรรณ)

คณะกรรมการสอบวิทยานิพนธ์

 ประธานกรรมการ
(รองศาสตราจารย์ ดร. วิทยา ยศยิ่งวงศ์)

 อาจารย์ที่ปรึกษา
(รองศาสตราจารย์ สดศรี ไทยทอง)

 อาจารย์ที่ปรึกษาร่วม
(ผู้ช่วยศาสตราจารย์ นายแพทย์ ดร. สมชาย จงจุณิเวศย์)

 กรรมการ
(อาจารย์ ดร. พงษ์ษย หาญยุทธนากร)

พิมพ์ต้นฉบับทกดย่อวิทยานิพนธ์ภายนอกในกรอบสีเขียวเพียงแผ่นเดียว



สูตรรัฐธรรมนูญ : การตรวจสอบอัลลิสของเชื้อ *Plasmodium falciparum* ที่สร้างโดยตีนบนผิวเมอร์โรชอยด์ (MSP1) ของ *Plasmodium falciparum* อย่างรวดเร็วโดยพอลิเมอเรสเซนเร็อกซันและการวิเคราะห์โดยเอนโคลีฟิลล์อิเล็กทรอนิกส์ (RAPID ALLELIC TYPING OF THE *Plasmodium falciparum* MEROZOITE SURFACE PROTEIN 1 (MSP1) GENE BY POLYMERASE CHAIN REACTION AND RESTRICTION ENDONUCLEASE ANALYSIS) อ. ที่ปรึกษา : รศ. สดศรี ไวยหงส์, อ. ที่ปรึกษาร่วม : พศ. นพ. ดร. สมชาย จงจิตเวช, 144 หน้า . ISBN 974-631-753-9

โปรดตีนบนผิวเมอร์โรชอยด์ของ พลาสโนมเดียม ฟาลซิปารั่ม (MSP1) เป็นโปรดตีนที่มีศักยภาพในการผลิตวัคซีนป้องกันมาลาเรียสำหรับระบบที่เชื่อเจริญในเม็ดเลือดแดงโดยไม่ใช้เพค โปรดตีนชนิดนี้มีความหลากหลายของเอนติเจนระหว่างไอโซเลตมาก ดังนั้น MSP1 จึงสามารถใช้เป็นตัวแยกความแตกต่างระหว่างไอโซเลตของมาลาเรียที่น่าสนใจนั่นเอง อย่างไรก็ตามวิธีการตรวจสอบเชื้อในไทยปัจจุบัน ทั้งโมเลกุลถูกจำกัดโดยเชื้อที่มีขนาดใหญ่และปรกฏเป็น 2 รูปแบบ (dimorphic) โดยสามารถคิดการแยกเปลี่ยนสารพันธุกรรมภายในเชื้อโดยเกิดอัลลิสที่ต่างกัน การศึกษานี้ได้พัฒนาวิธีการตรวจสอบเชื้อในไทยปัจจุบัน อย่างรวดเร็วโดยอาศัยปัจจิตริยาลูค ใช้พอลิเมอเรสเพื่อเพิ่มปริมาณของเชื้อในส่วนของเยื่อตั้งแต่ bloock 1 ถึง 5 bloock 5 ถึง 13 และ bloock 12 ถึง 17 แล้วตัดด้วยเอ็นไซม์ตัดจำเพาะภายใน ดังนั้นสามารถแยกอัลลิส K1 และ R033 ในส่วนของ bloock 2 โดยดำเนินการตัดจำเพาะของ AluI และ PstI ในบริเวณดังกล่าวตามลำดับ นอกจากนี้ในส่วนของ bloock 4 สามารถแยกอัลลิส K1 และ MAD20 ได้โดยย่อตัวโดยเอ็นไซม์ HaeIII สำหรับผลิตผล PCR ตั้งแต่ bloock 5 ถึง 13 และ bloock 12 ถึง 17 สามารถแยกชนิดของอัลลิสโดยการย่อตัวโดยเอ็นไซม์ DraI และ HindIII ตามลำดับ เมื่อทำการตรวจสอบความถูกต้องของวิธีดังกล่าวโดยใช้ไอโซเลตที่ทราบอัลลิสจำนวน 15 ไอโซเลต และ 1 สายพันธุ์ และไม่ทราบอัลลิส 10 ไอโซเลต และ 4 สายพันธุ์ โดยเปรียบเทียบกับวิธี Southern blot hybridization โดยใช้ probe ที่มีความจำเพาะต่ออัลลิสพบว่าให้ผลสอดคล้องกัน นอกจากนี้การตรวจสอบเชื้อในไทยปัจจุบันนี้สามารถตรวจสอบการประปนของเชื้อที่มีอัลลิส MSP1 ต่างกันใน 8 ไอโซเลต โดยมีชีดจำกัดของการตรวจเมื่อเชื้อมีจำนวนไม่ต่ำกว่า 4 ตัว ดังนั้นวิธีดังกล่าวสามารถตรวจสอบเชื้อในไทยปัจจุบัน MSP1 ได้ทั้งอัลลิส และน่าจะใช้ศึกษาลักษณะที่ต่างกันในกลุ่มประชากรของ *P. falciparum*

ภาควิชา ชีววิทยา
สาขาวิชา สหวิทยา
ปีการศึกษา 2537

ลายมือชื่อนิสิต
ลายมือชื่ออาจารย์ที่ปรึกษา
ลายมือชื่ออาจารย์ที่ปรึกษาร่วม



C425261 : MAJOR ZOOLOGY

KEY WORD: *Plasmodium falciparum* / MSP1 GENE / PCR

SUNEE SEETHAMCHAI : RAPID TYPING OF *Plasmodium falciparum* MEROZOITE SURFACE PROTEIN 1 (MSP1) GENE BY POLYMERASE CHAIN REACTION AND RESTRICTION ENDONUCLEASE ANALYSIS. THESIS ADVISOR : ASSOC. PROF. SODSRI THAITHONG, M.Sc., THESIS CO-ADVISOR : ASS. PROF. SOMCHAI JONGWUTIWES, M.D., Ph.D.

144 pp. ISBN 974-631-753-9

The merozoite surface protein (MSP1) of *Plasmodium falciparum* is a potential vaccine candidate for asexual blood-stage malaria vaccine. MSP1 exhibits extensive antigenic diversity among parasite isolates. Therefore, MSP1 is also an attractive marker for differentiating parasite isolates. However, methods for genotyping the entire MSP1 have been limited because of its large dimorphic gene capable of intragenic recombination, generating different alleles. In the present study, rapid MSP1 genotyping is developed, exploiting polymerase chain reaction to amplify the MSP1 gene encompassing blocks 1 and 5, blocks 5 and 13, and blocks 12 and 17, followed by restriction endonuclease digestions. Thus, K1 type and RO33 type could be identified by *Alu*I site and *Pst*I site in block 2, respectively. In addition, block 4 of K1 type and MAD20 type were determined by *Hae*III digestion. On the other hand, PCR products from blocks 5 to 12 and from blocks 12 to 17 could be typed by *Dra*I and *Hind*III digestions, respectively. This technique has been verified using 15 *P. falciparum* field isolates and 1 clone of known MSP1 alleles, 10 uncharacterized field isolates and 4 clones. Concordant results were obtained from Southern blot hybridization with allele-specific probes and the technique developed in this study. Furthermore, genotyping by this technique could detect mixed infections of different MSP1 alleles in 8 isolates. The limit in the quantity required is as low as 4 parasites. Therefore, genotype of the entire MSP1 allele can be examined by this technique and should be suitable for characterization of *P. falciparum* population.

ภาควิชา จีวิทยา
สาขาวิชา สหวิทยา
ปีการศึกษา 2537

ลายมือชื่อนิสิต รุ่งเรือง ลักษณะ
ลายมือชื่ออาจารย์ที่ปรึกษา Prof. Dr. Somchai Jongwutiwes
ลายมือชื่ออาจารย์ที่ปรึกษาร่วม Prof. Dr. Sodsri Thaithong

กิตติกรรมประกาศ

**วิทยานิพนธ์ฉบับนี้สำเร็จลุล่วงได้ด้วยความช่วยเหลืออย่างดีเยี่ยมของ
รองศาสตราจารย์ สดศรี ไทยทอง อาจารย์ที่ปรึกษา ภาควิชาชีววิทยา คณะวิทยาศาสตร์
จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย ที่ได้กรุณากำหนดแนวทางและให้คำแนะนำ ข้อคิดเห็นต่างๆ ตลอดจนแก้ไขข้อบกพร่อง
วิทยานิพนธ์ มาด้วยดีเยี่ยมตลอด ข้าพเจ้าขอกราบขอบพระคุณเป็นอย่างสูง ไว้ ณ ที่นี่ด้วย
ขอกราบขอบพระคุณ ผู้ช่วยศาสตราจารย์ นายแพทย์ ดร. สมชาย จงวุฒิเวศย์ อาจารย์
ที่ปรึกษาร่วม ภาควิชาปรสิตวิทยา คณะแพทยศาสตร์ จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย ที่ได้กรุณากำหนด
ความรู้ ความเข้าใจ ข้อแนะนำในการแก้ปัญหาต่างๆ ในการวิจัย ตลอดจนแก้ไขข้อบกพร่อง
วิทยานิพนธ์ มาด้วยดีเยี่ยมตลอด ข้าพเจ้าขอกราบขอบพระคุณเป็นอย่างสูง ไว้ ณ ที่นี่ด้วย
ขอกราบขอบพระคุณ รองศาสตราจารย์ ดร. วิทยา ยศยิ่งยวด หัวหน้าภาควิชา
ชีววิทยา คณะวิทยาศาสตร์ จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย และ อาจารย์ ดร. พงษ์ย หาญยุทธนาการ
คณะวิทยาศาสตร์ มหาวิทยาลัยมหิดล ที่ได้กรุณากำหนดแนวทาง และช่วยแก้ไขวิทยานิพนธ์
ฉบับนี้ให้ถูกต้อง และสมบูรณ์ยิ่งขึ้น**

**ขอขอบพระคุณ อาจารย์ และเจ้าหน้าที่ ภาควิชาปรสิตวิทยา คณะแพทยศาสตร์
จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย ทุกท่านที่ได้อีอีเพื่อช่วยเหลือในด้านสถานที่ และเครื่องมือต่างๆ ที่
ใช้ในการทำวิจัย**

**ขอขอบพระคุณ เจ้าหน้าที่ ศูนย์วิจัยมาลาเรียร่วมองค์การอนามัยโลก เพื่อการ
ศึกษาคุณสมบัติของเชื้อมาลาเรีย สถาบันวิจัยวิทยาศาสตร์การแพทย์ และคณะวิทยาศาสตร์
จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย ที่กรุณาร่วมอีอีเพื่อตัวอย่างเชื้อมาลาเรีย ที่ใช้ในการวิจัยนี้**

**ขอขอบพระคุณ เจ้าหน้าที่แผนกโสตทศนศึกษา คณะแพทยศาสตร์ จุฬาลงกรณ์
มหาวิทยาลัย ที่ให้ความอีอีเพื่อในการถ่ายภาพ และสไตล์ ผลการวิจัย**

**งานวิจัยนี้ได้รับทุนสนับสนุนส่วนใหญ่ จากเงินทุนวิจัยที่ทางองค์การอนามัยโลก
มอบให้แก่ รองศาสตราจารย์สดศรี ไทยทอง ในโครงการ ID800 279 Epidemiology and
Immune Response to Potential Candidate vaccine Antigen for a P. falciparum Blood
Stage Vaccine และทุนวิจัยจากโครงการชีวโมเลกุล ปีพ.ศ 2537-2538 ที่คณะแพทยศาสตร์
จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย มอบให้แก่ ผู้ช่วยศาสตราจารย์ นายแพทย์ ดร. สมชาย จงวุฒิเวศย์
และบางส่วนจากทุนอุดหนุนการวิจัยของบัณฑิตวิทยาลัย นอกจากนี้วัสดุอุปกรณ์บางส่วนได้**

รับการสนับสนุนจากภาควิชาปรัชญาศาสตร์ คณะแพทยศาสตร์ จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย จึงขอ
ขอบพระคุณ องค์กรอนามัยโลก คณะแพทยศาสตร์ และ บัณฑิตวิทยาลัย จุฬาลงกรณ์
มหาวิทยาลัย ไว้ ณ ที่นี่ด้วย

ขอขอบพระคุณ โครงการผลิต และพัฒนาอาจารย์มหาวิทยาลัย ทบวงมหาวิทยาลัย
ที่ได้กรุณาให้ทุนการศึกษา ในระหว่างปีการศึกษา 2534-2535

ขอขอบพระคุณ ทุกๆ ท่านที่มีส่วนเกี่ยวข้องในการทำให้วิทยานิพนธ์ฉบับนี้สำเร็จ
ลงได้ด้วยดี

ท้ายที่สุดนี้ขอกราบขอบพระคุณ คุณพ่อ คุณแม่ ครูอาจารย์ และพี่น้องทุกคน ที่ให้
กำลังใจ และให้การสนับสนุนในการศึกษามาโดยตลอด



สารบัญ



หน้า

บทคัดย่อภาษาไทย	๑
บทคัดย่อภาษาอังกฤษ	๑
กิตติกรรมประกาศ	๙
สารบัญตาราง	๙
สารบัญรูป	๙
คำย่อ	๙
บทที่	
1 บทนำ	๑
2 บทสรุปส่วนเอกสาร	๔
3 อุปกรณ์และวิธีการทดลอง	๒๗
4 ผลการทดลอง	๔๙
5 วิจารณ์ผลการทดลอง	๑๑๐
6 สรุปผลการทดลองและข้อเสนอแนะ	๑๑๙
รายการอ้างอิง	๑๒๑
ภาคผนวก	๑๓๓
ภาคผนวก ก	๑๓๔
ภาคผนวก ข	๑๓๘
ประวัติผู้เขียน	๑๔๔

สารบัญตาราง

ตารางที่	หน้า
1 แสดงผลการป้องกันการติดเชื้อมาลาเรีย <i>P. falciparum</i> ภายหลังจากการนិត กระตุ้นภูมิคุ้มกันด้วย MSP1 หรือส่วนอื่นๆ ของ MSP1	23-24
2 แสดงตัวอย่างดีเอ็นเอของเชื้อมาลาเรียชนิด <i>P. falciparum</i> แหล่งที่มา และปีที่ทำ การเก็บเชื้อ ที่ทราบ MSP1 allele จำนวน 1 สายพันธุ์ และ 15 ไอโซเลต	27-28
3 แสดงตัวอย่างดีเอ็นเอของเชื้อมาลาเรียชนิด <i>P. falciparum</i> แหล่งที่มา และปีที่ทำ การเก็บเชื้อ ที่ไม่ทราบ MSP1 allele จำนวน 4 สายพันธุ์ และ 10 ไอโซเลต	28-29
4 แสดงผลการวิเคราะห์อัลลิลจากการตัดผล PCR ด้วยอีนไซม์ตัดจำเพาะภายใน ของยีน MSP1	56
5 แสดงผลการวิเคราะห์อัลลิลใน block ต่างๆ ที่ได้จากการทำ Southern blot hybridization	60
6 รูปแบบอัลลิลของยีน MSP1 จากการทำ Southern blot hybridization และ DNA sequencing เปรียบเทียบกับผลการศึกษาโดยวิธี PCR และ Restriction endonuclease ในกลุ่มตัวอย่างที่ทราบอัลลิลจำนวน 16 ตัวอย่าง	92

สารบัญรูป

ข้อที่	หน้า
1 แผนภาพวงชีวิตของมาลาเรีย	7
2 แสดงโครงสร้าง และความหลากหลายของยีน MSP1 ในสายพันธุ์ต่างๆ	15
3 แสดงลำดับนิวคลีโอไทด์ตำแหน่งที่ถูกตัดด้วยเย็น ไซม์ตัดจำเพาะภายใน <i>PstI</i> (-CTGCA/G-) และ <i>AluI</i> (-AG/CT-) ของ K1 type, MAD20 type และ RO33 type	18
4 แสดงลำดับนิวคลีโอไทด์ตำแหน่งที่ถูกตัดด้วยเย็น ไซม์ตัดจำเพาะภายใน <i>HaeIII</i> (-GG/CC-) ของ K1 type	19
5 แสดงลำดับนิวคลีโอไทด์ตำแหน่งที่ถูกตัดด้วยเย็น ไซม์ตัดจำเพาะภายใน <i>DraI</i> (-TTT/AAA-) และ <i>HindIII</i> (-A/AGCTT-) ของ K1 type และ MAD20 type	20
6 ตำแหน่งของ PCR primers P1, P2, P3, P4, P5 และ P6 บนยีน MSP1	39
7 ส่วนประกอบของ vacuum blotter	42
8 ตำแหน่งของ Probes ที่ใช้ใน block 2, 4, 6 และ 16 ของอัลลีส์ K1, MAD20 และ RO33 ใน Southern blot hybridization	44
9 แสดงผลิตผลจาก PCR ในช่วง block 1 ถึง block 5 เทียบกับดีเอ็นเอมาตรฐาน $\varnothing X174/HaeIII$	62-64
10-19 แสดงแถบดีเอ็นเอบน 1.7% อะกาโรสเจล ของผลิตผลจาก PCR และแถบดีเอ็นเอ จากการตัดด้วยเย็น ไซม์ <i>PstI</i> และ <i>AluI</i> เทียบกับดีเอ็นเอมาตรฐาน <i>Lambda/HindIII/EcoRI</i> และ $\varnothing X174/HaeIII$	65-84
20-25 แสดงแถบดีเอ็นเอบน 1.7% อะกาโรสเจล ของผลิตผลจาก PCR และแถบดีเอ็นเอ จากการตัดด้วยเย็น ไซม์ <i>HaeIII</i> เทียบกับดีเอ็นเอมาตรฐาน $\varnothing X174/HaeIII$	85-96
26-28 แสดงแถบดีเอ็นเอบน 1% อะกาโรสเจล ของผลิตผลจาก PCR ในช่วง block 5 ถึง block 13 เทียบกับดีเอ็นเอมาตรฐาน <i>Lambda/HindIII/EcoRI</i>	97-102
29-31 แสดงแถบดีเอ็นเอบน 1% อะกาโรสเจล ของผลิตผลจาก PCR ในช่วง block 12 ถึง block 17 เทียบกับดีเอ็นเอมาตรฐาน <i>Lambda/HindIII/EcoRI</i> ...103-108	

32	แสดงแบบคีเอ็นเอจากผลิตผล PCR (ก) และ จาก Southern blot hybridization (ข) ที่ได้จากการทำ limiting dilution	109
33	ขั้นตอนการวิเคราะห์อัลลิลของยีน MSP1	115

คำย่อ

a.a.	amino acid
bp	base pair
C	degree celsius
cm	centimetre
EtBr	ethidium bromide
ddw	double distilled water
g	gram
Kb	kilobase
l	litre
μg	microgram
μl	microlitre
μM	micromolar
mg	milligram
ml	millilitre
mm	millimetre
mM	millimolar
ng	nanogram