

อุปกรณ์และวิธีการ

1. โครงสร้างของข้อมูล (Data Structure)

ข้อมูลที่ใช้ในการศึกษาในครั้งนี้ เป็นข้อมูลของสุกรพันธุ์แท้ 3 สายพันธุ์ คือ พันธุ์ ลาร์จไวท์ พันธุ์แลนด์เรซ และพันธุ์ดुरอค ตั้งแต่ปี พ.ศ. 2537 -2541 ข้อมูลประกอบด้วย เบอร์สุกร พันธุ์สุกร วันเดือนปีเกิด เบอร์พ่อ เบอร์แม่ อัตราการเจริญเติบโต อัตราการแลก น้ำหนัก ความหนาไขมันสันหลัง และอายุที่น้ำหนัก ๕0 กิโลกรัม โดยเก็บรวบรวมข้อมูลจาก ศูนย์วิจัยและบำรุงพันธุ์สัตว์ของกรมปศุสัตว์จำนวน 5 แห่ง คือ

- สถาบันวิจัยและทดสอบพันธุ์สุกร นครราชสีมา จ.นครราชสีมา
- ศูนย์วิจัยและบำรุงพันธุ์สัตว์ทับกวาง จ.สระบุรี
- ศูนย์วิจัยและบำรุงพันธุ์สัตว์ท่าพระ จ.ขอนแก่น
- ศูนย์วิจัยและบำรุงพันธุ์สัตว์เชียงใหม่ จ.เชียงใหม่
- ศูนย์วิจัยและบำรุงพันธุ์สัตว์สุราษฎร์ธานี จ.สุราษฎร์ธานี

รายละเอียดของข้อมูลแต่ละแห่งดังแสดงในตารางที่ 3.1

ตารางที่ 3.1 จำนวนสุกรที่ใช้ในการศึกษาแยกตามสถานที่และพันธุ์สุกร

สถานที่รวบรวมข้อมูล	ดुरอค	ลาร์จไวท์	แลนด์เรซ	รวม
สถาบัน ฯ นครราชสีมา (แคนาดา)	265	54	506	825
ศูนย์วิจัย ฯ ทับกวาง (แคนาดา)	63	433	183	679
ศูนย์วิจัย ฯ ท่าพระ (อเมริกา)	80	62	84	226
ศูนย์วิจัย ฯ เชียงใหม่ (นอร์เวย์)	-	78	148	226
ศูนย์วิจัย ฯ สุราษฎร์ธานี (แคนาดา)	4	24	29	57
รวม	412	651	950	2013

2. วิธีการเก็บข้อมูล

การคัดเลือกสุกรเข้าทดสอบพันธุ์

ขั้นแรกจะต้องคัดครอกที่จะเข้าทำการทดสอบ โดยคัดจากครอกที่ต้องการทดสอบ พ่อพันธุ์ (progeny test) และลูกสุกรในครอกมีความสม่ำเสมอกัน ขนาดครอกเมื่อคลอดมีชีวิตอย่างน้อย 9 ตัว และหย่านมอย่างน้อย 8 ตัว

หลังจากคัดเลือกครอกสุกรที่จะทำการทดสอบพันธุ์ได้แล้ว ขั้นตอนต่อไปจะต้องทำการคัดเลือกตัวสุกรเพื่อที่จะนำเข้าทดสอบพันธุ์ โดยคัดเลือกครอกละ 4 ตัว (เพศผู้ 2 ตัว และเพศเมีย 2 ตัว) ซึ่งมีหลักเกณฑ์ในการคัดเลือกดังนี้

1. คัดเลือกเมื่อลูกสุกรมีอายุประมาณ 8 สัปดาห์ น้ำหนักประมาณ 20 - 25 กิโลกรัม
2. ตัวโตกว่าตัวอื่น ๆ ในครอกเดียวกัน
3. ลักษณะรูปร่างดี ตัวยาว ลันหนา ตรง หรือโค้งเล็กน้อยไม่แอ่น พื้นท้องตรงไม่ห้อยยาน สะโพกใหญ่ โครงสร้างกระดูกใหญ่ หน้าอกใหญ่ ข้อมขาแข็งแรง
4. ระบบสืบพันธุ์มีความสมบูรณ์ดี อัณฑะหรืออวัยวะเพศเมีย มีขนาดไม่เล็กจนเกินไปหรือมีลักษณะผิดปกติ
5. เต้านมมีจำนวนไม่น้อยกว่า 7 คู่ สำหรับพันธุ์ลาร์จไวท์และแลนด์เรซ ไม่น้อยกว่า 6 คู่ สำหรับพันธุ์ดรูออค และควรมีระยะห่างสม่ำเสมอ
6. สุกรที่จะนำเข้าทดสอบพันธุ์จะต้องมาจากครอกที่ไม่มีลักษณะผิดปกติ หรือพิการทางพันธุกรรม

การจัดสุกรเข้าทดสอบพันธุ์

ควรจัดสุกรเข้าทดสอบพันธุ์เป็นชุดๆ และสุกรมีน้ำหนักประมาณ 20 - 25 กิโลกรัม มีการจัดสุมคอกให้สุกรแต่ละตัวเพื่อลดอคติ

วิธีการทดสอบพันธุ์

จัดสุกรเข้าคอกทดสอบขนาด 1.2 x 2.4 เมตร ที่มีระบบให้น้ำแบบอัตโนมัติ และมีอาหารให้กินเต็มที่ เริ่มบันทึกข้อมูลเมื่อสุกรมีน้ำหนักประมาณ 30 กิโลกรัม ทำการชั่งน้ำหนักทุก 3 สัปดาห์ และสิ้นสุดการทดสอบเมื่อน้ำหนัก 90 กิโลกรัม ข้อมูลที่ทำการบันทึก ได้แก่ น้ำหนักตัวของสุกร ปริมาณอาหารที่สุกรกิน จำนวนวันที่ทำการทดสอบเมื่อสุกรมีน้ำหนัก 90 กิโลกรัม ทำการวัดความหนาไขมันสันหลังโดยใช้เครื่องอัลตราโซนิก (RENCO PREG - ALERT) โดยวัดห่างจากเส้นกึ่งกลางลำตัว (midline) ประมาณ 4.5 เซนติเมตร ทำการวัดบริเวณ

- ซีโครงซี่สุดท้าย
- สะโพก (บริเวณกระดูกสันหลังข้อสุดท้ายต่อกับกระดูกโคนหาง)

3. ลักษณะที่ใช้ในการศึกษา

- อัตราการเจริญเติบโต (กรัมต่อวัน)

$$ADG = \frac{\text{น้ำหนักเมื่อสิ้นสุดการทดสอบ} - \text{น้ำหนักเมื่อเริ่มต้น}}{\text{จำนวนวันที่ทดสอบ}}$$

- อัตราการแลกน้ำหนัก

$$FCR = \frac{\text{อาหารที่กินทั้งหมดในระหว่างทดสอบ}}{\text{น้ำหนักที่เพิ่มขึ้นในระหว่างทดสอบ}}$$

$$BF = \frac{\text{ความหนาไขมันสันหลังบริเวณซีโครงซี่สุดท้าย} + \text{สะโพก}}{2}$$

- อายุเมื่อน้ำหนัก 90 กก. (วัน) (Agricultural Canada, 1983)

หมายถึง จำนวนวันจากเกิดถึงน้ำหนัก 90 กิโลกรัม

1. ในกรณีที่น้ำหนักไม่ถึง 90 กก.

$$\text{สูตรการปรับอายุ} = \frac{90 - \text{น้ำหนักที่ชั่งได้จริง}}{\text{ADG ระยะสุดท้าย}}$$

2. ในกรณีที่น้ำหนักเกิน 90 กก.

$$\text{สูตรการปรับอายุ} = \frac{\text{น้ำหนักที่ชั่งได้จริง} - 90}{\text{ADG ระยะสุดท้าย}}$$

4 ข้อมูลที่ใช้ในการศึกษา

ข้อมูลที่ใช้ในการศึกษาแบ่งเป็น 2 ไฟล์ข้อมูล คือ

1. ข้อมูลเกี่ยวกับลักษณะการผลิต ประกอบด้วย

- 1.1) เลขประจำตัวสุกร
- 1.2) พันธุ์
- 1.3) เพศ
- 1.4) วันเดือนปีเกิด
- 1.5) วันเดือนปีที่เข้าทดสอบ
- 1.6) วันเดือนปีที่สิ้นสุดการทดสอบ
- 1.7) ปริมาณอาหารที่กินทั้งหมด
- 1.8) อัตราการเจริญเติบโตเฉลี่ยต่อวัน
- 1.9) อัตราการแลกน้ำหนัก
- 1.10) ความหนาไขมันสันหลัง
- 1.11) อายุเมื่อน้ำหนัก 90 กก.

2. ข้อมูลพันธุ์ประวัติ โดยจัดเรียงตามวันเดือนปีเกิดของสุกร ประกอบด้วย

- 2.1) เลขประจำตัวของสุกร
- 2.2) เลขประจำตัวพ่อของสุกร
- 2.3) เลขประจำตัวแม่ของสุกร

5 การวิเคราะห์ทางสถิติ

5.1 ตรวจสอบการกระจายของข้อมูล เนื่องจากข้อมูลที่ใช้ในการศึกษาค้างนี้เป็นข้อมูลที่เก็บมาจากภาคสนาม (field data) ซึ่งปัจจัยต่างๆ ของสิ่งแวดล้อมมีอิทธิพลต่อลักษณะที่ใช้ในการศึกษา เช่น อิทธิพลของ ฝูง-ปี-เดือนที่สุกรเข้าทดสอบพันธุ์แตกต่างกัน อิทธิพลของเพศที่ต่างกัน อีกทั้งจำนวนข้อมูลในแต่ละชั้นของปัจจัยต่างๆก็ไม่มีเท่ากัน เมื่อทำการตรวจสอบการกระจายของข้อมูลด้วยโปรแกรมสำเร็จรูป Statistical Analysis System (SAS) ด้วยคำสั่ง PROC UNIVARIATE (SAS, 1985) พบว่า ข้อมูลอัตราการเจริญเติบโต อัตราการแลกน้ำหนัก ความหนา ไขมันสันหลัง และอายุที่น้ำหนัก 90 กิโลกรัม ของสุกรพันธุ์ดุดรอด พันธุ์ลาร์จไวท์ และพันธุ์แลนต์เรซ ที่ใช้ในการศึกษาในครั้งนี้ มีการกระจายแบบปกติ

5.2 แบบหุ่น Animal Model การวิเคราะห์องค์ประกอบความแปรปรวนของลักษณะที่ทำการศึกษาเพื่อจะนำไปใช้ในการประมาณคุณค่าการผสมพันธุ์ได้ทำการวิเคราะห์องค์ประกอบความแปรปรวนด้วยวิธี DFREML เป็นการวิเคราะห์ครึ่งละลักษณะ สามารถจำแนกออกเป็นปัจจัยคงที่และปัจจัยสุ่ม ดังมีแบบหุ่นทางสถิติ (Statistical Model) ดังนี้

$$y_{ijk} = \mu + HYM_i + S_j + A_k + e_{ijk}$$

เมื่อ y_{ijk} = ลักษณะที่ทำการศึกษาแจกแจงตาม HYM ที่ i เพศที่ j ของสุกรตัวที่ k

μ = ค่าเฉลี่ยของลักษณะเป็นอิทธิพลร่วมซึ่งค่าสังเกตทุกค่าได้รับ

HYM_i = อิทธิพลคงที่ของ ฝูง-ปี-เดือนที่เข้าทดสอบ ที่ i (i = 1,2,...,300)

S_j = อิทธิพลคงที่ของเพศที่ j (j = 1,2)

A_k = อิทธิพลสุ่มเนื่องจากสุกรตัวที่ k โดย $A_k \sim NID(0, \sigma_a^2)$

e_{ijk} = อิทธิพลสุ่มอื่นๆ ที่ค่าสังเกตได้รับ

โดย $e_{ijk} \sim NID(0, \sigma_e^2)$

5.3 การหาองค์ประกอบความแปรปรวนของตัวสัตว์ และองค์ประกอบความคลาดเคลื่อน ค่าความแปรปรวนที่ได้จะนำมาใช้ในการคำนวณหาค่าการผสมพันธุ์ด้วยวิธี Best Linear Unbiased Prediction (BLUP) แบ่งการคำนวณเป็น 3 ขั้นตอน คือ

1) สร้างเมตริกซ์ความสัมพันธ์ระหว่างตัวสัตว์ที่กลับเมตริกซ์แล้ว (A^{-1})

2) เตรียมข้อมูล จากแบบหุ่น Animal Model สำหรับการคำนวณและใช้สร้างแบบหุ่นแบบผสมที่มีแบบหุ่นทั่วไป (general model) หรือ mixed model equation (MME) ได้ในแบบหุ่นเดียวกันดังนี้

$$\underline{y} = X\underline{\beta} + Z\underline{u} + \underline{e}$$

โดยที่

$$\underline{y} = \text{เวกเตอร์ (vector) ของค่าสังเกต}$$

- ลักษณะอัตราการเจริญเติบโต
- ลักษณะอัตราการแลกน้ำหนัก
- ลักษณะความหนาไขมันสันหลัง
- ลักษณะอายุที่น้ำหนัก 90 กิโลกรัม

$$X = \text{เป็นเมตริกซ์ที่แสดงความสัมพันธ์ระหว่างค่าสังเกต}$$

กับปัจจัยคงที่ ที่ประกอบด้วยค่าเฉลี่ยของอิทธิพลร่วม 1 ระดับ อิทธิพลของ ฝูง-ปี-เดือนที่เข้าทดสอบ 300 ระดับ อิทธิพลของเพศ 2 ระดับ

$$\underline{\beta} = \text{เวกเตอร์ของปัจจัยคงที่ ที่ไม่ทราบค่า}$$

$$Z = \text{เป็นเมตริกซ์ที่แสดงความสัมพันธ์ระหว่างค่าสังเกต}$$

กับปัจจัยสุ่ม ซึ่งเป็นปัจจัยเนื่องมาจากอิทธิพลของตัวสุกร

พันธุ์ดูรอก มีขนาด 412×412

พันธุ์ลาร์จไวท์ มีขนาด 651×651

พันธุ์แลนด์เรซ มีขนาด 950×950

$$\underline{u} = \text{เวกเตอร์ของค่าการผสมพันธุ์ของสัตว์แต่ละตัว}$$

พันธุ์ดูรอก มีขนาด 412×1

พันธุ์ลาร์จไวท์ มีขนาด 651×1

พันธุ์แลนด์เรซ มีขนาด 950 x 1

โดยที่ $u \sim \text{NID}(0, A\sigma_a^2)$

e = เวกเตอร์ของความคลาดเคลื่อน (error)

โดยที่ $e \sim \text{NID}(0, I\sigma_a^2)$

ผลจากขั้นตอนนี้โปรแกรมจะบอกค่าส่วนเบี่ยงเบนมาตรฐาน (standard deviation, S.D.) ของข้อมูลในแต่ละลักษณะที่ทำการศึกษา ซึ่งค่าส่วนเบี่ยงเบนมาตรฐานยกกำลังสองเท่ากับค่าความแปรปรวนของลักษณะปรากฏ

$$(\text{S.D.})^2 = \sigma_p^2$$

3) คำนวณองค์ประกอบความแปรปรวน เพื่อหาค่าสูงสุดของฟังก์ชัน ในขั้นตอนนี้โปรแกรมต้องการค่าความแปรปรวนทางพันธุกรรม หรือ ค่าความแปรปรวนของอำนาจยีนแบบบวกสะสม สำหรับเริ่มต้น (prior value) คำนวณค่าความแปรปรวนทางพันธุกรรม จากสูตรการคำนวณค่าอัตราพันธุกรรมของ Falconer และ Mackay (1996) ดังนี้

$$h^2 = \sigma_a^2 / \sigma_p^2 \text{ จะได้ } \sigma_a^2 = h^2 \sigma_p^2$$

แล้วนำค่า σ_a^2 ที่คำนวณได้เป็นค่าเริ่มต้น เพื่อจะได้ประหยัดเวลาในการคำนวณและให้ผลลัพธ์ขององค์ประกอบความแปรปรวนของตัวสัตว์และความคลาดเคลื่อนที่ได้มีค่าน่าเชื่อถือ

การประมาณค่าอัตราพันธุกรรม

สำหรับการประมาณค่าอัตราพันธุกรรมนั้น จะต้องใช้ค่าความแปรปรวนของอำนาจยีนแบบบวกสะสม และความแปรปรวนเนื่องจากสิ่งแวดล้อม (environmental variance, σ_a^2) ค่าอัตราพันธุกรรมที่ได้เรียกว่าอัตราพันธุกรรมอย่างแคบ จากค่าองค์ประกอบความแปรปรวนข้างต้นสามารถหาค่าอัตราพันธุกรรมได้จากสูตรการคำนวณดังนี้ (Falconer and Mackay, 1996)

$$h^2 = \frac{\sigma_a^2}{\sigma_a^2 + \sigma_e^2}$$

การประมาณค่าสหสัมพันธ์ทางพันธุกรรมระหว่างลักษณะที่ทำการศึกษา

จากค่าองค์ประกอบความแปรปรวนข้างต้นสามารถหาค่าสหสัมพันธ์ของคุณค่าการผสมพันธุ์ (correlation of breeding value) ของระหว่างลักษณะทางการเจริญเติบโต ได้แก่ อัตราการเจริญเติบโต อัตราการแลกน้ำหนัก ความหนาไขมันสันหลัง และอายุที่น้ำหนัก 90 กิโลกรัม ด้วยโปรแกรมสำเร็จรูป SAS วิเคราะห์ภายใต้คำสั่ง PROC CORR (SAS, 1985) ได้จากสูตรการคำนวณดังนี้ (Falconer and Mackay, 1996)

$$\text{สหสัมพันธ์ของคุณค่าการผสมพันธุ์ } (r_{gg}) = \frac{\text{COV}_{g1g2}}{\sqrt{v_{g1}v_{g2}}}$$

การประเมินคุณค่าการผสมพันธุ์

การวิเคราะห์อิทธิพลของปัจจัยคงที่และประเมินคุณค่าการผสมพันธุ์สามารถกระทำได้พร้อมกันโดยใช้วิธี BLUP โดยใช้โปรแกรมสำเร็จรูป MATVEC (Wang, 1995) ข้อกำหนดของวิธี BLUP คือไม่ทราบค่าเฉลี่ยแต่ทราบค่าความแปรปรวน ในการคำนวณครั้งนี้ใช้ค่าความแปรปรวนที่คำนวณได้จากโปรแกรมสำเร็จรูป MATVEC ทำการประเมินคุณค่าการผสมพันธุ์ โดยใช้แบบหุ่น Animal Model