การโคลนย่อยยืนไซโคลเดกซ์ทรินไกลโคลซิลทรานสเฟอร์เรส จาก *Bacillus* sp. A11 เข้าสู่พาหะของ *Bacillus*



นางสาว วิภาวรรณ วิทยกฤตศิริกุล

วิทยานิพนธ์นี้เป็นส่วนหนึ่งของการศึกษาตามหลักสุตรปริญญาวิทยาศาสตรมหาบัณฑิต หลักสุตรเทคโนโลยีทางชีวภาพ

บัณฑิตวิทยาลัย จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

พ.ศ.๒៤๓๘

ISBN 974-632-396-2

ลิขสิทธิ์ของบัณฑิตวิทยาลัย จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

SUBCLONING OF CYCLODEXTRIN GLYCOSYLTRANSFERASE GENE

FROM Bacillus sp. A11 INTO Bacillus VECTORS



MISS VIPAWAN VITAYAKRITSIRIKUL

A Thesis Submitted in Partial Fulfillment of the Requirements

for the Degree of Master of Education

Graduated Program of Biotechnology

Graduate School

Chulalongkorn University

1995

ISBN 974-632-396-2

Thesis Title

Subcloning of Cyclodextrin Glycosyl Transferase

Gene from Bacillus sp. All into Bacillus

Miss Vipawan Vitayakritsirikul

Graduated School

Biotechnology

Thesis Advisor

Associate Professor Siriporn Sittipraneed, Ph.D.

Thesis Co-advisor Lecturer Vichien Rimphanitchayakit, Ph.D.

Accepted by the Graduate School. Chulalongkorn University in Partial Fulfillment of the Requirements for the Master's Degree.

Dean of Graduate School

Associate Professor Santi Thoongsuwan, Ph.D.

Thesis Committee

Tejago Lugiseu Chairman

(Assistant Professor Tipaporn Limpaseni, Ph.D.)

Siriparn Sitipranced Thesis Advisor

Associate Professor Siriporn Sittipraneed. Ph.D.)

Thesis Co-advisor

Lecturer Vichien Rimphanitchayakit, Ph.D.,

a Tassanahy Member

(Assistant Professor Anchalee Tassanakajon, Ph.D.)

P. Rysawardi Member

Associate Professor Piamsook Pongsawasdi, Ph.D.

พิมพ์ตันฉบับบทคัดย่อวิทยานิพนธ์ภายในกรอบสีเขียวนี้เพียงแผ่นเดียว

วิภาวรรณ วิทยกฤตศิริกุล : การโคลนย่อยยืนไซโคลเดกซ์ทรินไกลโคซิลทรานสเฟอรเรสจาก Bacillus sp. A11 เข้าสู่พาหะของ Bacillus (CYCLODEXTRIN GLYCOSYLTRANSFERASE GENE FROM Bracillus sp. A11 INTO Bacillus VECTORS) อ.ที่ปรึกษา : รศ.ดร.ศิริพร สิทธิประณีต. อ. ที่ปรึกษา ช่วม : อ. ดร. วิเชียร ริมพณิชยกิจ, 99 หน้า. ISBN 974-632-396-2

จดม่งหมายของการศึกษานี้คือ ต้องการโคลนย่ขยยืน CGTase จาก Bacillus sp. All ในรีคขม บิแนนท์พลาสมิค pCSBC5 หรือ pCSBC8 เพื่อให้มีการแสดงออกของยืนใน Bacillus subtilis โดยใช้ pUB110 เป็นพาหะของ Bacillus sp. และ pHV33 เป็นดีเอนเอพาหะ ผลการทดลองที่ได้ปรากภว่า การโคลนย่อยยืน CGTase ลงใน pHV33 ที่ตำแหน่ง HindIII,SalI และ EcoRI ไม่ประสบผลสำเร็จ เนื่องจากไม่สามารถเตรียมชิ้น พาหะ bHV33 ได้โดยการตัดด้วยเรสทริกชั่นเอนไซม์ที่ตำแหน่งดังกล่าว นอกจากนั้น ยังมีการโคลนย่อยยืน CGTase ลงใน pUB110 ที่ตำแหน่ง EcoRI และ PvoII ไม่ประสบผลสำเร็จเช่นเดียวกัน เพราะไม่สามารถ เตรียมชิ้นยีน CGTase ได้ และเมื่อโคลนย่อยยืน CGTase จาก pCSBC5 หรือ pCSBC8 ลงในพาหะ pHV33 ปรากภูว่าไม่มีทราสฟอร์แมนท์เกิดขึ้น ดังนั้น จึงได้มีการรีโคลนยืน CGTase จาก Bacillus sp. A11 ลงใน พาหะ pUC18 เพื่อสร้างโคลนใหม่ ยืน CGTase ถูกแยกออกด้วยการตัดโครโมโซมของ Bacillus sp. A11 ด้วยเรสทริกซั่นเอนไซม์ HindIII โดยวิธีการทำดีเอ็นเอไฮบริไดซ์เซซั่นซึ่งมี pCSBC5 เป็น probe นำมาเชื่อม ต่อกับพาหะ pUC18 ที่ถูกตัดด้วยเรสทริกชั่นเอนไซม์ HindIII แล้วทรานสฟอร์มเช้าสู่ E. coli JM101 การ ทดสอบทรานสฟอร์แมนท์ที่ได้มากกว่า 1,000 โคโลนี เพื่อหาแอคติวิตีในการย่อยแป้งของเอนไซม์ CGTase โดยการทดสอบกับไอโอดีน พบว่ามีเพียงทรานสฟอร์แมนท์หมายเลข 17 เท่านั้น ที่มีแลคติวิตี รีคลม บิแนนท์พลาสมิดหมายเลข 17 ถูกนำมาทดสอบหายืน CGTase โดยใช้ส่วนของยืน CGTase 2 ส่วนที่เตรียม จากยืน CGTase ใน pCSBC5 เป็น probes พบว่า ส่วนของดีเอ็นเอขนาด 3.54 kb ที่ได้จากการตัดรีคอม บิแนนท์พลาสมิดหมายเลข 17 ด้วยเรสทริกชั่นเอนไซม์ HindIII สามารถไฮบริไลซ์กับ probes ส่วนของยืน CGTase ขนาด 1.7 และ 3 kb ที่เตรียมจาก pCSBC5 เอย่างไวก็ตาม ทรานสฟอร์แมนท์หมายเลข 17 ได้สญ เสียแอคติวิตีของการย่อยแป้ง หลังจากการ subculture ซึ่งแสดงว่ารีคอมบิแนนท์พลาสมิดที่เตรียมได้นี้ไม่ เสถียร

ลายมือชื่อนิสิต Vipawan Vitayakoi tri rikul

ลายมือชื่ออาจารย์ที่ปรึกษาร่วม

ภาควิชา	เทคโนโลยีทางชีวภาพ
สาขาวิชา	เทคโนโลยีทางชีวภาพ
ปีการศึกษา	2537

ผมพัต้นจบับบทกฤยอวาเยานิพบธ์มายในกรอบสาขยานี้เพียงแผ่เกตียว

C32652:5MAJOR BIOTECHNOLOGY

KEY WORD:

CYCLODEXTRIN GLYCOSYLTRANSFERASE / SUBCLONING
VIPAWAN VITAYAKRITSIRIKUL: SUBCLONING OF CYCLODEXTRIN
GLYCOSYLTRANSFERASE GENE FROM Bacillus sp. All INTO Bacillus
VECTORS THESIS ADVISOR: ASSOC. PROF. SIRIPORN SITTIPRANEED,
Ph.D. THESIS CO-ADVISOR: LECTURER VICHIEN RIMPHANITCHAYAKIT,
Ph.D. 99 pp. ISBN 974-632-396-2

The aim of this study was to subclone CGTase gene from Bacillus sp. A11 in E. coli recombinant plasmids pCSBC5 or pCSBC8, into an expression system of Bacillus subtilis host using pUB110, Bacillus sp. DNA vector and pHV33, as the DNA vector. However, subcloning of CGTase gene into pHV33 at Hind III, SalI, EcoRI sites and subcloning of CGTase gene into pUB110 at EcoRI, PvuII sites were unsuccessful. Since, the vector pHV33 and CGTase gene containing fragment from pCSBC5 could not be prepared for ligation by cleaving at the designing of restriction sites, and when CGTase gene from pCSBC5 or pCSBC8 was subcloned into pHV33, it appeared that there were no transformant at all. It was later found out that the CGTase activity in pCSBC5 and pCSBC8 could not be detected. Therefore, recloning of the CGTase gene from Bacillus sp. A11 into the plasmid vector pUC18 was performed. The CGTase gene fragments were isolated from HindIII-digested chromosomal DNA of Bacillus sp. A11 via DNA-DNA hybridization using pCSBC5 as a DNA probe, then ligated with HindIIIdigested pUC18, and transformed into E. coli JM101. More than 1,000 transformants containing recombinant plasmids were screened for dextrinizing activity by iodine test. It appeared that only one transformant, namely no.17, showed dextrinizing activity by hydrolyzing starch resulting in clear zone formation. To ascertain if the plasmid isolated from transformant no.17 contained the CGTase gene, it was hybridized with 2 CGTase gene probes (1.7 and 3kb) prepared from the CGTase gene in pCSBC5. The DNA fragment 3.54 kb from the HindIII-digested recombinant plasmid no 17 could hybridize with both the labeled 1.7 and 3 kb CGTase probes from pCSBC5. Upon subculture, however, the transformant no.17 lost its dextrinizing activity.

ภาควิชา เทคโนโลยีทางชีวภาพ สาขาวิชา ^{เทค}โนโลยีทางชีวภาพ ปีการศึกษา 2537

ลายมือชื่อนิสิต Vipawan Vitayaksitsเกา kul ลายมือชื่ออาจารย์ที่ปรึกษา

ลายมือชื่ออาจารย์ที่ปรึกษาร่วม.....



ACKNOWLEDGEMENTS

I am greatly indebted to my advisors, Assoc.Prof.Dr.Siriporn Sittipraneed and Dr.Vichien Rimphanitchayakit, who never let me down in any situations with their excellent guidance, understanding and constant encouragement throughout my study.

I would like to express my gratefulness to Asst. Prof.

Dr. Tipaporn Limpaseni, Asst. Prof. Dr. Anchalee Tassanakajon and

Assoc. Prof. Dr. Piamsook Pongsawasdi for serving as thesis

committee, for their valuable comments and useful suggestions

The greatest appreciation would be expressed to all the staffs and members in the Department of Biochemistry for their assistance and friendship.

Finally, I wish to express my deepest gratitute to my parents, sister, and brothers for their unlimited love and understanding.



ABBREVIATIONS

α Alpha

Am Ampicillin

β Beta

bp Base pair

CD Cyclodextrin

cfu Colony forming units

Cm Chloramphenicol

cm Centrimeter

cm² Square centrimeter

°C Degree Celcius

ddH₂O Double distilled water

DNA Deoxyribonucleic acid

dUTP Deoxyuridine 5' Triphasphate

EDTA Ethylene diamine tetraacetic acid

EGTA Ethyleneglycol-bis-(β-aminoethylether)-N,

N'-tetraacetic acid

g Gram

8 Gamma

h Hour

kb Kilobases

kg Kilogram

Km Kanamycin

l Liter

M Molar

дд Microgram

μl Microliter

mg Milligram

ml Milliliter

mM Millimolar

mm³ Cubric millimeter

min Minute

ng Nanogram

nm Nanometer

ORI Origin of Replication

PEG Polyethylene glycol

pg Picogram

RNase A Ribonuclease A

SDS sodium dodecyl sulfate

Tc Tetracycline

TCE Trichloroethylene

V Volume

W Weight



CONTENTS

P a.	ge
THAI ABSTRACT	I V
ENGLISH ABSTRACT	٧
ACKNOWLEDGEMENTS	VΙ
CONTENTS V	ΙI
LIST OF TABLES	ΙX
LIST OF FIGURES	X
ABBREVIATIONSXI	ΙI
CHAPTER	
I INTRODUCTION	1
II MATERIALS AND METHODS	10
Bacterial Strains and Plasmids	10
Procedure for Extraction of Plasmid DNA	10
Procedure for Extraction of Chromosomal DNA	14
Agarose Gel Electrophoresis	15
Restriction Enzymes Digestion	16
DNA Recovery after Agarose Gel Electrophoresis	16
Ligation	19
Transformation	20
Selection of CGTase Producing Transformant	22
DNA-DNA Hybridization	24
III RESULTS	3 1
Drowarstion and Characterization of Plasmid DNAS	2.1

Pa_{i}	ge
Subcloning of CGTase Gene from pCSBC8 to Shuttle Vector	
pHV33 at <i>Hin</i> dIII and <i>Sal</i> I sites	3 4
Subcloning of pC194 Segment from pHV33 into HindIII Site	
of pCSBC8 and pCSBC5	43
Subcloning of CGTase Gene from pCSBC5 to Modified Shuttle	
Vector pHV33 at EcoRI and HindIII Sites	47
Subcloning of CGTase Gene Containing Fragment from pCSBC5	
to pUB110 at EcoRI and PvuII Sites	53
Detection and Isolation of CGTase Gene by DNA-DNA	
Hybridization to Chromosomal DNA of Bacillus sp. All Using	
pCSBC5 as a Probe	57
Cloning of CGTase Gene from Bacillus sp. All	62
Detection of Recombinant Plasmids that Carried CGTase	
Gene	65
IV DISCUSSION AND CONCLUSION	71
REFERENCES	80
APPENDIX	87
BIOGRAPHY	99

LIST OF TABLES

age	P	Table
6	Present and anticipated world market for cyclodextrin	1.1
7	Bacteria which produce CGTases	1.2
11	Bacterial strains and plasmids	2.1
17	List of restriction endonucleases used	2.2
	Number of E. coli transformants obtained after ligation	3.1
	and transformation of restriction enzymes-digested	
48	plasmid DNAs	
	Number of $\it F.~coli$ transformants obtained after ligation	3.2
54	and transformantion of plasmid DNAs	
	Number of transformants from the cloning of chromosomal	3.3
	DNA of Bacillus sp. All digested with HindIII, into	
64	plasmid vector pUC18 at HindIII site	

LIST OF FIGURES

Figure	P	age
1.1	Structure of α -, β -and δ -cyclodextrins	4
1.2	Illustration of inclusion of cyclodextrin	5
1.3	Illustration of the recombinant plasmids construction pSV1,	
	pSV2, pSV3, pSV4 and pSV5	9
2.1	Preparation of Southern transfer of DNA fragment	27
3.1	Electrophoretic analysis of plasmids pCSBC8 and pHV33	32
3.2	Electrophoretic analysis of plasmid pCSBC8	33
3.3	Electrophoretic analysis of plasmid vector pHV33	35
3.4	Experimental design of the subcloning of CGTase gene to	
	shuttle vector pHV33 at <i>Hin</i> dIII and <i>Sal</i> I sites	36
3.5	Electrophoretic analysis of pCSBC8 to demonstrate excision	
	CGTase gene with restriction endonucleases	
	HindIII and SalI	37
3.6	Electrophoretic analysis of pCSBC8 to demonstrate the	
	separation of CGTase gene with restriction endonucleases,	
	Clai, Hindiii and Sali	38
3.7	Electrophoretic analysis of vector pHV33, completely	
	digested with restriction endonucleases Sal I and then	
	partially digested with HindIII	40
3.8	Electrophoretic analysis of vector pHV33, partially	
	digested with restriction endonucleases HindIII and then	
	completely digested with Sall	42

	P	age
3.9	Subcloning of pC194 segment from pHV33 into	
	HindIII site of pCSBC8 and pCSBC5	44
3.10	Electrophoretic analysis of HindIII-digested pCSBC8	
	and pCSBC5	45
3.11	Electrophoretic analysis of <i>Hin</i> dIII-cleaved pHV33	46
3.12	Subcloning of CGTase gene containing fragment from pCSBC5	
	to modified shuttle vector pHV33	
	at EcoRI and HindIII sites	49
3.13	Electrophoretic analysis of pCSBC5 digested with	
	restriction endonucleases $\mathit{Hin} \mathtt{dIII}$ and $\mathit{Eco} \mathtt{RI}$ order to	
	demonstrate the separation of CGTase gene	
	containing fragment	50
3.14	Electrophoretic analysis of PvuII-cleaved pHV33	52
3.15	Subcloning of CGTase gene containing fragment from pCSBC5	
	to pUB110 at EcoRI and PvuII sites	55
3.16	Electrophoretic analysis of vector pUB110 digested with	
	restriction endonucleases EcoRI and PvuII	56
3.17	Electrophoretic analysis of pCSBC5 digested with	
	restriction endonucleases EcoRI and HincII	58
3.18	Estimation of DNA concentration of nonradioactive	
	DIG-labeled probes by chemiluminescent detection	60

	· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·	Page
3.19	Chemiluminescent dot blot hybridization of chromosomal	
	DNA of Bacillus sp.A11 with DIG-labeled probes	61
3.20	Electrophoretic analysis (A) and Southern blot	
	hybridization of (A) with nonradioactive labeled pCSBC5	
	probe (B)	63
3.21	Electrophoretic analysis (A) and Southern blot	
	hybridization of (A) with nonradioactive labeled	
	1.7 kb CGTase gene fragment probe (B)	68
3.22	Electrophoretic analysis (A) and Southern blot	
	hybridization of (A) with nonradioactive labeled	
	3 kb CGTase gene fragment probe (B)	70