

การประยุกต์ใช้พีชคณิตเชิงเส้น ในกระบวนการแยกโปรตีน โดยพีเชช พาราเมตริกบี้มปิง

นายศุภมิตร จตุพรห้องชัย



วิทยานิพนธ์นี้เป็นส่วนหนึ่งของการศึกษาหลักสูตรปริญญาวิทยาศาสตรมหาบัณฑิต

สาขาวิชาวิศวกรรมเคมี ภาควิชาวิศวกรรมเคมี

บัณฑิตวิทยาลัย จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

ปีการศึกษา 2541

ISBN 974-639-408-8

เป็นลิขสิทธิ์ของบัณฑิตวิทยาลัย จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

THE APPLICATION OF LINEAR ALGEBRA IN PROTEIN SEPARATION SYSTEM VIA
pH - PARAMETRIC PUMPING

MR.SUPAMIT JATUPONKONGCHAI

A Thesis Submitted in Partial Fulfillment of the Requirements
for the Degree of Master of Engineering in Chemical Engineering

Department of Chemical Engineering

Graduate School


Chulalongkorn University

Academic Year 1998

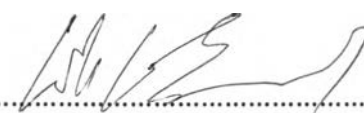
ISBN 974-639-408-8


หัวข้อวิทยานิพนธ์ การประยุกต์ใช้พีชคณิตเชิงเส้น ในกระบวนการแยกโปรตีน โดยพีเอช
พาราเมตริก-บัมปีง
ชื่อนิสิต นายศุภมิตร จตุพรหม่องชัย
อาจารย์ที่ปรึกษา รองศาสตราจารย์ ดร.อุรา ปานเจริญ
ภาควิชา วิศวกรรมเคมี

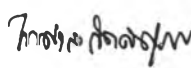
บัณฑิตวิทยาลัย จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย อนุมัติวิทยานิพนธ์ฉบับนี้เป็นส่วนหนึ่งของการศึกษาตามหลักสูตรปริญญาวิทยาศาสตรบัณฑิต


.....คณบดีบัณฑิตวิทยาลัย
(ศาสตราจารย์ นายแพทย์ศุภวัฒน์ ชูติวงศ์)

คณะกรรมการสอบวิทยานิพนธ์


.....ประธานกรรมการ
(รองศาสตราจารย์ ดร.เกริกชัย สุกาญจน์จที)



.....อาจารย์ที่ปรึกษา
(รองศาสตราจารย์ ดร.อุรา ปานเจริญ)


.....กรรมการ
(อาจารย์ ดร.ไพศาล กิตติศุภกร)

ศุภมิตร จตุพรหม่องชัย : การประยุกต์ใช้พีชคณิตเชิงเส้น ในกระบวนการแยกโปรตีนโดย พีเอช-พาราเมตริก-ปั๊มปั๊ม (THE APPLICATION OF LINEAR ALGEBRA IN PROTEIN SEPARATION SYSTEM VIA pH - PARAMETRIC PUMPING) อ.ที่ปรึกษา : รศ.ดร.อุรา ปานเจริญ ; 189 หน้า. ISBN 974-639-408-8.

การศึกษานี้เป็นการใช้หลักพีชคณิตเชิงเส้น เพื่อการทำนายผลการทดลอง ของการแยกสารผสมโปรตีน ด้วยเครื่องมือตามกระบวนการ พีเอช พาราเมตริก ปั๊มปั๊ม (pH parametric pumping) สำหรับระบบสองคอลัมน์ โดยทำการคำนวณหาค่าความเข้มข้นของโปรตีน ในแต่ละรอบของการทดลองแล้วนำผลการคำนวณไปเปรียบเทียบกับ ผลการทดลองจริง (Chen, U.Pancharoen (1980)) โดยในการศึกษานี้ได้ตั้งสมมติฐานให้สมมูลของการแยกสารผสม เป็นฟังก์ชันโพลีโนเมียล ซึ่งในการทำนายผลการทดลองได้ใช้โปรแกรมคอมพิวเตอร์ภาษาเทอร์โบปาสคาลช่วยแก้ปัญหา พบว่าวิธีการดังกล่าวสามารถให้ผลในการทำนายที่แม่นยำกว่า เมื่อเปรียบเทียบกับค่าที่ได้จากสมมติ แบบเดิมที่ให้สมมูลของการแยกสารผสมเป็นฟังก์ชันเชิงเส้น รวมถึงการใช้โปรแกรมดังกล่าวในการทำนายผลการแยกสารโปรตีนในระบบหลายคอลัมน์

ภาควิชา วิศวกรรมเคมี
สาขาวิชา วิศวกรรมเคมี
ปีการศึกษา 2541

ลายมือชื่อนิสิต ศุภมิตร จตุพรหม่องชัย
ลายมือชื่ออาจารย์ที่ปรึกษา 
ลายมือชื่ออาจารย์ที่ปรึกษาร่วม

3971897021 : MAJOR CHEMICAL ENGINEERING

KEY WORD: LINEAR ALGEBRA / PROTEIN SEPARATION / PH - PARAMETRIC PUMPING

SUPAMIT JATUPONKONGCHAI : THE APPLICATION OF LINEAR ALGEBRA IN PROTEIN

SEPARATION SYSTEM VIA pH - PARAMETRIC PUMPING. THESIS ADVISOR :ASSOC.PROF.

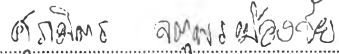
URA PANCHAROEN, Ph.D. 189 pp. ISBN 974-639-408-8.

The thesis is based on the linear algebra principle to predict the result of the experiment of the separation of protein through the pH - parametric pumping equipment in the two - column system (Chen, U.Pancharoen (1980)). The experiment used the pascal computer programme to determine the value of the protein concentration in several types of protein mixture. The experiment is based on equilibrium equation for protein separation, which is in the polynomial function. It found that the result from the calculation through the linear algebra principle is accurate and reliable.

ภาควิชา.....วิศวกรรมเคมี

สาขาวิชา.....วิศวกรรมเคมี

ปีการศึกษา..... 2541

ลายมือชื่อนิสิต..... 

ลายมือชื่ออาจารย์ที่ปรึกษา..... 

ลายมือชื่ออาจารย์ที่ปรึกษาร่วม.....



กิตติกรรมประกาศ

วิทยานิพนธ์ฉบับนี้ สำเร็จลุล่วงไปได้ด้วยความช่วยเหลืออย่างยิ่งของรองศาสตราจารย์ ดร.อุรา ปานเจริญ อาจารย์ที่ปรึกษาวิทยานิพนธ์ ซึ่งท่านได้ให้ความช่วยเหลือ และให้คำแนะนำ ข้อคิดเห็นต่างๆที่เป็นประโยชน์ในการวิจัยด้วยดีตลอด

ท้ายนี้ ผู้วิจัยใคร่ขอกราบขอบพระคุณ บิดา-มารดา ซึ่งสนับสนุนในด้านการเงินและให้กำลังใจแก่ผู้วิจัยเสมอมาจนสำเร็จการศึกษา

สารบัญ

	หน้า
บทคัดย่อภาษาไทย	ง
บทคัดย่อภาษาอังกฤษ	จ
กิตติกรรมประกาศ	ฉ
สารบัญตารางประกอบ	ณ
สารบัญรูปประกอบ	ญ
คำอธิบายสัญลักษณ์	ด
บทที่	
1. บทนำ	1
1.1 งานวิจัยที่ผ่านมา	3
1.2 ความสำคัญของปัญหา	4
1.3 วัตถุประสงค์งานวิจัย	5
1.4 ขอบเขตของงานวิจัย	5
1.5 ขั้นตอนการดำเนินงานวิจัย	6
2. ทฤษฎี	
2.1 การแยกสารผสมโปรตีนโดยกระบวนการพีเอช พาราเมตริก บั้มปัง แบบคอลัมน์เดี่ยว	7
2.2 การแยกสารผสมโปรตีนโดยกระบวนการพีเอช พาราเมตริก บั้มปัง แบบสองคอลัมน์	11
2.2.1 การทดลองแยกโปรตีน ฮีโมโกลบิน-อัลบูมิน รูปแบบที่ 1.....	11
2.2.2 การทดลองแยกโปรตีน ฮีโมโกลบิน-อัลบูมิน รูปแบบที่ 2.....	14
2.2.3 การทดลองแยกโปรตีน ฮีโมโกลบิน-อัลบูมิน รูปแบบที่ 3.....	19
2.2.4 การทดลองแยกโปรตีน ฮีโมโกลบิน-อัลบูมิน รูปแบบที่ 4.....	23
2.3 การแยกสารผสมโปรตีนโดยกระบวนการพีเอช พาราเมตริก บั้มปัง แบบหลายคอลัมน์	26
3. เครื่องมือและข้อมูลพื้นฐานที่ใช้ในการทำงาน	
3.1 การทดลอง และเครื่องมือที่ใช้ในการทดลอง.....	28
3.2 การพัฒนาโปรแกรมเพื่อการคำนวณตามหลักการทางพีชคณิต.....	30

4. ผลการคำนวณ	
4.1 ผลการคำนวณเปรียบเทียบกับผลการทดลอง 3 รูปแบบการทดลอง.....	42
4.2 สมการค่าสมดุล.....	47
5. สรุปและวิจารณ์ผลการทำนาย	
5.1 วิจารณ์ผลการคำนวณ	52
5.2 สรุปผลการคำนวณ	63
รายการอ้างอิง	66
ภาคผนวก ก.....	67
ภาคผนวก ข.....	76
ประวัติผู้เขียน	189

สารบัญตาราง

ตารางที่	หน้า
4.1 ผลการคำนวณค่าความเข้มข้นของโปรตีน ฮีโมโกลบิน ในสภาวะของเหลว ของรูปแบบการทดลองที่ 1.....	42
4.2 ผลการคำนวณค่าความเข้มข้นของโปรตีน ฮีโมโกลบิน ในสภาวะของเหลว ของรูปแบบการทดลองที่ 2.....	43
4.3 ผลการคำนวณค่าความเข้มข้นของโปรตีน อัลบูมิน ในสภาวะของเหลว ของรูปแบบการทดลองที่ 2.....	44
4.4 ผลการคำนวณค่าความเข้มข้นของโปรตีน ฮีโมโกลบิน ในสภาวะของเหลว ของรูปแบบการทดลองที่ 4.....	45
4.5 ผลการคำนวณค่าความเข้มข้นของโปรตีน อัลบูมิน ในสภาวะของเหลว ของรูปแบบการทดลองที่ 4.....	46
4.6 แสดงค่าคงที่ สำหรับสมการในการหาค่าสมมูลเพื่อใช้ในการคำนวณค่า ความเข้มข้นของโปรตีน ฮีโมโกลบิน.....	47
4.7 แสดงค่าคงที่ สำหรับสมการในการหาค่าสมมูลเพื่อใช้ในการคำนวณค่า ความเข้มข้นของโปรตีน อัลบูมิน	48
4.8 ผลการคำนวณค่าความเข้มข้นของโปรตีน ฮีโมโกลบิน ในสภาวะของเหลว ของรูปแบบการทดลองที่ 3.....	49
4.9 ผลการคำนวณค่าความเข้มข้นของโปรตีน อัลบูมิน ในสภาวะของเหลว ของรูปแบบการทดลองที่ 3.....	49

- 4.10 ผลการคำนวณค่าความเข้มข้นของโปรตีน ฮีโมโกลบิน ในสภาวะของเหลว
ของรูปแบบการทดลองที่ 1 จำนวน 4 คอลัมน์..... 50
- 4.11 ผลการคำนวณค่าความเข้มข้นของโปรตีน ฮีโมโกลบิน ในสภาวะของเหลว
ของรูปแบบการทดลองที่ 1 จำนวน 6 คอลัมน์..... 50
- 4.12 ผลการคำนวณค่าความเข้มข้นของโปรตีน ฮีโมโกลบิน ในสภาวะของเหลว
ของรูปแบบการทดลองที่ 1 จำนวน 8 คอลัมน์..... 51
- 5.1 ตารางเปรียบเทียบค่าคงที่สำหรับสมการในการหาค่าสมมูลเพื่อใช้ในการคำนวณ
ค่าความเข้มข้นของโปรตีน ฮีโมโกลบินกับค่าคงที่ของ Chen..... 64
- 5.2 ตารางเปรียบเทียบค่าคงที่สำหรับสมการในการหาค่าสมมูลเพื่อใช้ในการคำนวณ
ค่าความเข้มข้นของโปรตีน อัลบูมินกับค่าคงที่ของ Chen 64

สารบัญรูปประกอบ

รูปที่	หน้า
1.ระบบพาราเมตริก บีม ینگ แบบแบทซ์.....	1
2.1กระบวนการแยกสารผสม ด้วยกระบวนการ พีเอช พาราเมตริก บีม ینگ แบบ 1 คอลัมน์.....	8
2.2 ผลการแยกสารผสม ด้วยกระบวนการ พีเอช พาราเมตริก บีม ینگ แบบ 1 คอลัมน์.....	10
2.3 กระบวนการแยกสารผสม ด้วยกระบวนการ พีเอช พาราเมตริก บีม ینگ แบบ 2 คอลัมน์ รูปแบบที่1.....	12
2.4 ผลการแยกสารผสม ด้วยกระบวนการ พีเอช พาราเมตริก บีม ینگ แบบ 2 คอลัมน์ รูปแบบที่1.....	13
2.5 กระบวนการแยกสารผสม ด้วยกระบวนการ พีเอช พาราเมตริก บีม ینگ แบบ 2 คอลัมน์ รูปแบบที่2.....	14
2.6 ผลการแยกสารผสม ด้วยกระบวนการ พีเอช พาราเมตริก บีม ینگ แบบ 2 คอลัมน์ รูปแบบที่2.....	17
2.7 กระบวนการแยกสารผสม ด้วยกระบวนการ พีเอช พาราเมตริก บีม ینگ แบบ 2 คอลัมน์ รูปแบบที่3.....	19
2.8 ผลการแยกสารผสม ด้วยกระบวนการ พีเอช พาราเมตริก บีม ینگ แบบ 2 คอลัมน์ รูปแบบที่3.....	21

2.9 กระบวนการแยกสารผสม ด้วยกระบวนการ พีเอช พาราเมตริก บีมป์ แบบ 2 คอลัมน์ รูปแบบที่4.....	23
2.10 ผลการแยกสารผสม ด้วยกระบวนการ พีเอช พาราเมตริก บีมป์ แบบ 2 คอลัมน์ รูปแบบที่4.....	25
2.11 กระบวนการและ ผลการแยกสารผสม ด้วยกระบวนการ พีเอช พาราเมตริก บีมป์ ระบบหลายคอลัมน์	26
3.1 เครื่องมือที่ใช้ในการทดลองกระบวนการ พีเอช พาราเมตริก บีมป์ ระบบสองคอลัมน์.....	28
3.2 แผนภาพแสดงวิธีการทำงานของโปรแกรมคำนวณหาค่าความ เข้มข้น	37
5.1 กราฟแสดงการเปรียบเทียบค่าความผิดพลาดในการคำนวณ ของรูปแบบที่ 1 จำนวน 2 คอลัมน์.....	53
5.2 กราฟแสดงการเปรียบเทียบค่าความผิดพลาดในการคำนวณ ของรูปแบบที่ 1 จำนวน 4 คอลัมน์.....	54
5.3 กราฟแสดงการเปรียบเทียบค่าความผิดพลาดในการคำนวณ ของรูปแบบที่ 1 จำนวน 6 คอลัมน์.....	55
5.4 กราฟแสดงการเปรียบเทียบค่าความผิดพลาดในการคำนวณ ของรูปแบบที่ 1 จำนวน 8 คอลัมน์.....	56
5.5 กราฟแสดงการเปรียบเทียบค่าความผิดพลาดในการคำนวณของรูปแบบที่ 2 (ฮีโมโกลบิน).....	57

5.6 กราฟแสดงการเปรียบเทียบค่าความผิดพลาดในการคำนวณของรูปแบบที่ 2 (อัลลูมิน).....	58
5.7 กราฟแสดงการเปรียบเทียบค่าความผิดพลาดในการคำนวณของรูปแบบที่ 4 (ฮีโมโกลบิน).....	59
5.8 กราฟแสดงการเปรียบเทียบค่าความผิดพลาดในการคำนวณของรูปแบบที่ 4 (อัลลูมิน).....	60
5.9 กราฟแสดงการเปรียบเทียบค่าความผิดพลาดในการคำนวณของรูปแบบที่ 3 (ฮีโมโกลบิน).....	61
5.10 กราฟแสดงการเปรียบเทียบค่าความผิดพลาดในการคำนวณของรูปแบบที่ 3 (อัลลูมิน).....	62
ก.1 รูปแสดงวิธีการทำนายผลการทดลองโดยใช้กราฟ ซึ่งสมดุระหว่างภูมิภาคเป็น ฟังก์ชันเชิงเส้น	68
ก.2 รูปแสดงวิธีการทำนายผลการทดลองโดยใช้กราฟ ซึ่งสมดุระหว่างภูมิภาคไม่เป็น ฟังก์ชันเชิงเส้น	70
ก.3 กราฟแสดงผลการทดลองรูปแบบการทดลองที่ 1 (ฮีโมโกลบิน)	71
ก.4 กราฟแสดงผลการทดลองรูปแบบการทดลองที่ 2 (ฮีโมโกลบิน)	72
ก.5 กราฟแสดงผลการทดลองรูปแบบการทดลองที่ 2 (อัลลูมิน)	72
ก.6 กราฟแสดงผลการทดลองรูปแบบการทดลองที่ 3 (ฮีโมโกลบิน)	73

- ก.7 กราฟแสดงผลการทดลองรูปแบบการทดลองที่ 3 (อัลบูมิน) 73
- ก.8 กราฟแสดงผลการทดลองรูปแบบการทดลองที่ 4 (ฮีโมโกลบิน) 74
- ก.9 กราฟแสดงผลการทดลองรูปแบบการทดลองที่ 4 (อัลบูมิน) 74
- ก.10 รูปแสดงวิธีการทำนายผลการแยกโปรตีนในระบบที่ประกอบด้วยคอลัมน์ ก ชุด...75

สัญลักษณ์ต่าง ๆ ที่ใช้ในวิทยานิพนธ์ฉบับนี้

A	=	ค่าคงที่สำหรับสมการสมดุลของการแยกสารผสม
A^+, A^-	=	โปรตีน A ที่แสดงประจุบวก และลบ
B	=	ค่าคงที่สำหรับสมการสมดุลของการแยกสารผสม
C	=	ค่าคงที่สำหรับสมการสมดุลของการแยกสารผสม
D	=	ค่าคงที่สำหรับสมการสมดุลของการแยกสารผสม
i	=	ลำดับของชั้นตอน
I_A	=	จุดไอโซอิเล็กตริก
j	=	ชั้นตอนการถ่ายเท
K_{p1}, K_{p2}, K_{p3}	=	ค่าสมดุลของการแยกสาร ซึ่งหาได้ที่ระดับ pH_1, pH_2, pH_3
K_{p1}^+, K_{p1}^-	=	ค่าสมดุลของการแยกสาร ซึ่งหาได้ที่ระดับ pH_1 ในคอลัมน์ที่บรรจุตัวแลกเปลี่ยนประจุลบ และประจุบวก ตามลำดับ
N	=	จำนวนชั้นตอน
n	=	จำนวนรอบในการทำการทดลอง
pH_1, pH_2, pH_3	=	ค่าความเป็นกรดต่างที่ระดับ 1, 2 และ 3
R^+, R^-	=	คอลัมน์ที่บรรจุตัวแลกเปลี่ยนประจุลบ และประจุบวก
TR, BR, MR, SR	=	ถังพักด้านบน, ด้านล่าง, ตรงกลาง และด้านข้างที่ใช้ในการทดลอง
V, V_0	=	ปริมาตรของเหลว และของแข็ง
V_T, V_B	=	ปริมาตรถังพักด้านบนและด้านล่าง
X	=	ความเข้มข้นในวฏภาคของแข็ง
X_0, Y_0	=	ความเข้มข้นในวฏภาคของแข็งและของเหลวก่อนเริ่มทำการทดลอง
X_T, Y_T	=	ความเข้มข้นในวฏภาคของแข็งและของเหลวสำหรับถังพักด้านบน
X_B, Y_B	=	ความเข้มข้นของวฏภาคของแข็งและของเหลวสำหรับถังพักด้านล่าง
X_M, Y_M	=	ความเข้มข้นในวฏภาคของแข็งและของเหลวสำหรับสำหรับถังพักตรงกลาง
X_S, Y_S	=	ความเข้มข้นในวฏภาคของแข็งและของเหลวสำหรับสำหรับถังพักด้านข้าง
Y	=	ความเข้มข้นในวฏภาคของเหลว
α	=	สัมประสิทธิ์แสดงความสามารถในการยึดติดโปรตีนของตัวแลกเปลี่ยน