

การวิเคราะห์พันธุศาสตร์ของ *Streptomyces* โดยรูปแบบการเรียงตัว
ของชิ้นส่วนดีเอ็นเอที่ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์



นางสาว วลัยรัตน์ เหล่าสินชัย

วิทยานิพนธ์นี้เป็นส่วนหนึ่งของการศึกษาตามหลักสูตรปริญญาวิทยาศาสตรมหาบัณฑิต

หลักสูตรเทคโนโลยีทางชีวภาพ

บัณฑิตวิทยาลัย จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

พ.ศ. 2535

ISBN 974-582-039-3

ลิขสิทธิ์ของบัณฑิตวิทยาลัย จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

Analysis of *Streptomyces* Fusants by DNA Restriction
Fingerprint

Miss Walairat Laosinchai

A Thesis Submitted in Partial Fulfillment of the Requirements
for the Degree of Master of Science

Program of Biotechnology

Graduate School

Chulalongkorn University

1992

ISBN 974-582-039-3

วัลย์รัตน์ เหล่าสินชัย : การวิเคราะห์ฟิวแซนท์ของ *Streptomyces* โดยรูปแบบการเรียง
ตัวของชิ้นส่วนดีเอ็นเอที่ตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ (ANALYSIS OF *Streptomyces*
FUSANTS BY DNA RESTRICTION FINGERPRINT) อ.ที่ปรึกษา : รศ.ดร. ไพเราะ
ปิ่นพานิชการ, 96 หน้า. ISBN 974-582-039-3

งานวิจัยนี้ รายงานการวิเคราะห์ลูกผสมที่ได้มาจากการหลอมโปรโตพลาสต์ ระหว่าง
Streptomyces sp. 42-9 ที่ผลิตเอนไซม์ไซแลเนสกับ *Streptomyces sp.* 190-1 ที่ผลิตเอนไซม์
กลูโคสไอโซเมอเรส พบว่าลูกผสมสามารถผลิตเอนไซม์ทั้งสองได้ในปริมาณที่แตกต่างกันไปและจากการ
วิเคราะห์โดยใช้รูปแบบการเรียงตัวของชิ้นส่วนดีเอ็นเอของลูกผสมที่ถูกตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ แล้ว
ผ่านการทำอะกาโรสเจลอิเล็กโตรโฟรีซิส พบว่า D_3 แสดงรูปแบบการเรียงตัวของชิ้นส่วนดีเอ็นเอที่
แตกต่างอย่างเด่นชัด จากลูกผสมอื่น ๆ ภายใต้สภาวะเหมาะสม คือ ใช้เรสทริกชันเอนไซม์ BamHI 6
หน่วยต่อดีเอ็นเอหนึ่งไมโครกรัม ความเข้มข้นอะกาโรสเจล 0.7 เปอร์เซ็นต์ ที่ความต่างศักย์คงที่
14 โวลต์ ต่อความยาวเจลหนึ่งเซนติเมตร เป็นเวลานาน 1 ชม. 45 นาที และเมื่อวิเคราะห์รูปแบบ
การเรียงตัวของชิ้นส่วนดีเอ็นเอของลูกผสมต่าง ๆ โดยการอ่านค่าความเข้ม พบว่าจะได้ค่าสัมประสิทธิ์
ความเหมือนที่สัมพันธ์กับแอคติวิตีของเอนไซม์ไซแลเนสและกลูโคสไอโซเมอเรส

เมื่อนำเอนไซม์ไซแลเนสและกลูโคสไอโซเมอเรสจาก *Streptomyces sp.* 42-9, 190-1
และลูกผสม ไปทำให้บริสุทธิ์แล้วนำไปวิเคราะห์โดยวิธีโซเดียมโดเดซิลซัลเฟตโพลีอะครีลาไมด์เจล
อิเล็กโตรโฟรีซิส พบว่าลูกผสมให้แถบไซแลเนสตรงกับแถบที่ได้จาก *Streptomyces sp.* 42-9
และแถบของกลูโคสไอโซเมอเรสตรงกับแถบที่ได้จาก *Streptomyces sp.* 190-1 ที่มีน้ำหนักโมเลกุล
เท่ากับ 48,000 และ 46,000 คาลตัน ตามลำดับ

ภาควิชา.....หลักสูตรเทคโนโลยีชีวภาพ.....
สาขาวิชา.....เทคโนโลยีชีวภาพ.....
ปีการศึกษา.....2535.....

ลายมือชื่อนิสิต.....วัลย์รัตน์ เหล่าสินชัย.....
ลายมือชื่ออาจารย์ที่ปรึกษา.....
ลายมือชื่ออาจารย์ที่ปรึกษาร่วม.....

C226153 : MAJOR BIOTECHNOLOGY

KEY WORD: *Streptomyces*/PROTOPLAST FUSION/DNA RESTRICTION FINGERPRINT

WALAIRAT LAOSINCHAI : ANALYSIS OF *Streptomyces* FUSANTS BY DNA RESTRICTION FINGERPRINT. THESIS ADVISOR : ASSO. PROF. PAIROH PINPHANICHAKARN, Ph.D. 96 pp. ISBN 974-582-039-3

Fusants obtained through protoplast fusion between *Streptomyces* sp. 42-9, a xylanase producing strain, and *Streptomyces* sp. 190-1, a glucose isomerase producing strain were analysed. Fusants were able to produce both xylanase and glucose isomerase but at various extents among them. DNA restriction fingerprints from these fusants were compared to those of parental strains. Only D₃ produced unique banding pattern under suitable conditions upon restriction cut with BamHI, 6 unit/ μ g of DNA, and electrophoresed on 0.7% agarose gel at 14 volt/cm.gel for 1 $\frac{3}{4}$ hr. Analysis of DNA restriction patterns by densitometer showed certain degree of similarity of these fusants to each parent. Furthermore, the degree of similarity in restriction fingerprints seemed to be related to both xylanase and glucose isomerase activities.

Xylanase and glucose isomerase from *Streptomyces* sp. 42-9, 190-1 and some fusants were partially purified. SDS-PAGE analysis of these proteins showed that fusants possessed both xylanase and glucose isomerase. Both enzymes had similar molecular weight to those obtained from the corresponding parental strains which were 48,000 and 46,000 daltons for xylanase and glucose isomerase, respectively.

ภาควิชา..... หลักสูตรเทคโนโลยีชีวภาพ.....

สาขาวิชา..... เทคโนโลยีชีวภาพ.....

ปีการศึกษา..... 2535.....

ลายมือชื่อนิสิต..... วลัยรัตน์ เนลาสินธุ์.....

ลายมือชื่ออาจารย์ที่ปรึกษา..... .....

ลายมือชื่ออาจารย์ที่ปรึกษาร่วม..... -.....

กิตติกรรมประกาศ

วิทยานิพนธ์ฉบับนี้สำเร็จลุล่วงได้เป็นอย่างดี ด้วยความช่วยเหลือจาก
รองศาสตราจารย์ ดร.โพเราะ ปั้นพานิชการ ที่ได้กรุณาให้คำปรึกษา คำแนะนำต่างๆ
และ ความช่วยเหลือในทุกๆด้าน ตลอดระยะเวลาในการทำวิทยานิพนธ์นี้ รวมทั้งช่วยแก้ไข
วิทยานิพนธ์ฉบับนี้สมบูรณ์ยิ่งขึ้น ข้าพเจ้าขอกราบขอบพระคุณอย่างสูงสุดไว้ ณ. ที่นี้

ขอกราบขอบพระคุณ รองศาสตราจารย์ ดร.นลินี นิลอุบล ผู้อำนวยการสถาบัน
เทคโนโลยีชีวภาพและวิศวกรรมพันธุศาสตร์ ที่ได้กรุณาเอื้อเฟื้อสถานที่ อุปกรณ์และสารเคมี
จนงานวิจัยนี้สำเร็จลง ได้ด้วยดี

ขอกราบขอบพระคุณ ผู้ช่วยศาสตราจารย์ ดร.ศิริรัตน์ เร่งพิพจน์ ที่ได้กรุณาเป็น
เป็นประธานกรรมการในการสอบวิทยานิพนธ์ และ ผู้ช่วยศาสตราจารย์ ดร.สุเทพ ธนีย์วัน
ที่ได้กรุณาเป็นกรรมการในการสอบวิทยานิพนธ์

ขอขอบพระคุณ ดร.มานะ ศรียุทธศักดิ์ ที่กรุณาให้คำแนะนำ และ ความช่วยเหลือ
ในการทำอิเล็กทรอนิกส์ อย่างดียิ่ง และ ดร.นิคม ชัยศิริ คณะสัตวแพทย์ จุฬาลงกรณ์
มหาวิทยาลัย ที่เอื้อเฟื้ออุปกรณ์การทำอิเล็กทรอนิกส์

ขอขอบคุณ คุณเอก แสงวิเชียร คุณวาสนา รัตเลียง คุณวรางคณา อินทรเสน
คุณสมพร ตันสกุล และคุณจินาฏ โพธิ์เขสกุล ที่ให้คำแนะนำเทคนิคต่างๆ และให้ความช่วยเหลือ
เหลือด้านเชื้อที่นำมาใช้ในการทำวิจัยนี้

ขอขอบคุณ นักวิจัย ช่างเทคนิค และเจ้าหน้าที่ประจำสถาบันฯ ทุกคน ที่ให้
ความช่วยเหลือ และอำนวยความสะดวกในทุกๆด้านเป็นอย่างดี

ขอขอบคุณ พี่ๆ เพื่อนๆ และน้องๆ โดยเฉพาะผู้ร่วมขบวนการทุกคน เป็นอย่าง
มากที่ให้ความช่วยเหลือ และกำลังใจ ด้วยดีตลอดมา

ขอขอบคุณ ฝ่ายวิจัย คณะวิทยาศาสตร์ และ บัณฑิตวิทยาลัย จุฬาลงกรณ์
มหาวิทยาลัย ที่ให้ทุนอุดหนุนสำหรับการเรียน และการทำวิจัยในครั้งนี้

ท้ายสุดนี้ ข้าพเจ้าขอกราบขอบพระคุณ แม่ พี่ และน้อง ที่ได้สนับสนุน ให้ความ
ช่วยเหลือ ความเข้าใจ และเป็นกำลังใจ แก่ข้าพเจ้าตลอดมาจนวิทยานิพนธ์ฉบับนี้สำเร็จ
สมบูรณ์

สารบัญ

	หน้า
บทคัดย่อภาษาไทย.....	ง
บทคัดย่อภาษาอังกฤษ.....	จ
กิตติกรรมประกาศ.....	ฉ
สารบัญตาราง.....	ช
สารบัญรูป.....	ฅ
คำย่อ.....	ด
บทที่	
1. บทนำ.....	1
2. อุปกรณ์และวิธีการทดลอง.....	13
3. ผลการทดลอง.....	27
4. สรุปและวิจารณ์ผลการทดลอง.....	72
เอกสารอ้างอิง.....	79
ภาคผนวก.....	87
ประวัติผู้เขียน.....	96

สารบัญตาราง

ตารางที่	หน้า
1	<i>Streptomyces</i> sp.190-1, 42-9 และลูกผสมต่างๆ15
2	แอกติวิตีของ เอนไซม์กลูโคสไอโซเมอเรสและ เอนไซม์ไซแลเนสใน <i>Streptomyces</i> sp.190-1, 42-9 และลูกผสมต่างๆ28
3	ค่าการดูดกลืนแสงที่ 260 และ 280 นาโนเมตร ของโครโมโซมอล ดีเอ็นเอ31
4	ค่า S_D ของลูกผสมสัมพันธ์กับ <i>Streptomyces</i> sp.190-1 และ 42-9 และปริมาณเอนไซม์กลูโคสไอโซเมอเรส และเอนไซม์ ไซแลเนสเป็นเปอร์เซ็นต์65

สารบัญรูป

รูปที่	หน้า
1ก	<p>แถบโครโมโซมอลดีเอ็นเอของ <i>Streptomyces sp.</i>190-1, 42-9 และลูกผสมต่างๆภายหลังการทำอะกาโรสเจลอิเล็กโตรโฟรีซิสที่ความเข้มข้นอะกาโรสเจล 0.7 เปอร์เซ็นต์ ความต่างศักย์คงที่ที่ 7 โวลต์ ต่อความยาวเจลหนึ่ง เซนติเมตรเป็นเวลาานาน 3 ชม.....34</p>
1ข	<p>แถบโครโมโซมอลดีเอ็นเอของ <i>Streptomyces sp.</i>190-1, 42-9 และลูกผสมต่างๆภายหลังการทำอะกาโรสเจลอิเล็กโตรโฟรีซิสที่ความเข้มข้นอะกาโรสเจล 0.7 เปอร์เซ็นต์ ความต่างศักย์คงที่ที่ 7 โวลต์ ต่อความยาวเจลหนึ่ง เซนติเมตรเป็นเวลาานาน 3 ชม.....34</p>
2	<p>รูปแบบการเรียงตัวของชิ้นส่วนดีเอ็นเอของ <i>Streptomyces sp.</i> 190-1, 42-9 และลูกผสมต่างๆ ที่ถูกตัดด้วยเอนไซม์ BamHI ที่ความเข้มข้นต่างกัน คือ 3,5,6 และ 8 หน่วยต่อดีเอ็นเอหนึ่ง ไมโครกรัม ภายหลังการทำอะกาโรสเจลอิเล็กโตรโฟรีซิสที่ความต่างศักย์คงที่ 3 โวลต์ต่อความยาวเจลหนึ่ง เซนติเมตร นาน 12-16 ชม. บนแผ่นอะกาโรสเจลที่มีความเข้มข้น 0.7 เปอร์เซ็นต์ โดยแต่ละช่องมีปริมาณดีเอ็นเอ 400 นาโนกรัม36</p>
3ก	<p>รูปแบบการเรียงตัวของชิ้นส่วนดีเอ็นเอของ <i>Streptomyces sp.</i> 190-1, 42-9 และลูกผสมต่างๆ ที่ถูกตัดด้วยเอนไซม์ BamHI 6 หน่วยต่อดีเอ็นเอหนึ่ง ไมโครกรัม ภายหลังการทำอะกาโรสเจลอิเล็กโตรโฟรีซิสที่ความต่างศักย์คงที่ 5 โวลต์ต่อความยาวเจลหนึ่ง เซนติเมตร นาน 3 ชม. บนแผ่นอะกาโรสเจลที่มีความเข้มข้น 0.7 เปอร์เซ็นต์ โดยที่แต่ละช่องมีปริมาณดีเอ็นเอ 400 นาโนกรัม38</p>

สารบัญรูป (ต่อ)

รูปที่	หน้า
<p>3ข รูปแบบการเรียงตัวของชิ้นส่วนดีเอ็นเอของ <i>Streptomyces</i> sp. 190-1, 42-9 และลูกผสมต่างๆ ที่ถูกตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI 6 หน่วยต่อดีเอ็นเอหนึ่งไมโครกรัม ภายหลังจากทำอะกาโรสเจลอิเล็กโตรโฟรีซิสที่ความต่างศักย์คงที่ 8 โวลต์ต่อความยาวเจลหนึ่งเซนติเมตร นาน 3 ชม. บนแผ่นอะกาโรสที่มีความเข้มข้น 0.7 เปอร์เซ็นต์ โดยที่แต่ละช่องมีปริมาณดีเอ็นเอ 400 นาโนกรัม</p>	39
<p>3ค รูปแบบการเรียงตัวของชิ้นส่วนดีเอ็นเอของ <i>Streptomyces</i> sp. 190-1, 42-9 และลูกผสมต่างๆ ที่ถูกตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI 6 หน่วยต่อดีเอ็นเอหนึ่งไมโครกรัม ภายหลังจากทำอะกาโรสเจลอิเล็กโตรโฟรีซิสที่ความต่างศักย์คงที่ 10 โวลต์ต่อความยาวเจลหนึ่งเซนติเมตร นาน 3 ชม. บนแผ่นอะกาโรสที่มีความเข้มข้น 0.7 เปอร์เซ็นต์ โดยที่แต่ละช่องมีปริมาณดีเอ็นเอ 400 นาโนกรัม</p>	40
<p>3ง รูปแบบการเรียงตัวของชิ้นส่วนดีเอ็นเอของ <i>Streptomyces</i> sp. 190-1, 42-9 และลูกผสมต่างๆ ที่ถูกตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI 6 หน่วยต่อดีเอ็นเอหนึ่งไมโครกรัม ภายหลังจากทำอะกาโรสเจลอิเล็กโตรโฟรีซิส ที่ความต่างศักย์คงที่ 12 โวลต์ต่อความยาวเจลหนึ่งเซนติเมตรเป็นเวลานาน 1ชม.45 นาที บนแผ่นอะกาโรสที่มีความเข้มข้น 0.7 เปอร์เซ็นต์ โดยที่แต่ละช่องมีปริมาณดีเอ็นเอ 400 นาโนกรัม</p>	41

สารบัญรูป(ต่อ)

รูปที่	หน้า
3จ	
รูปแบบการเรียงตัวของชิ้นส่วนดีเอ็นเอของ <i>Streptomyces sp.</i> 190-1, 42-9 และลูกผสมต่างๆ ที่ถูกตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI 6 หน่วยต่อดีเอ็นเอหนึ่งไมโครกรัม ภายหลังจากทำอะกาโรส เจลอิเล็กโตรโฟรีซิส ที่ความต่างศักย์คงที่ 14 โวลต์ต่อความยาวเจลหนึ่ง เซนติเมตร เป็นเวลานาน 1 ชม.45 นาที บนแผ่นอะกาโรสที่มีความเข้มข้น 0.7 เปอร์เซ็นต์ โดยที่แต่ละช่องมีปริมาณดีเอ็นเอ 400 นาโนกรัม	42
3ฉ	
รูปแบบการเรียงตัวของชิ้นส่วนดีเอ็นเอของ <i>Streptomyces sp.</i> 190-1, 42-9 และลูกผสมต่างๆ ที่ถูกตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI 6 หน่วยต่อดีเอ็นเอหนึ่งไมโครกรัม ภายหลังจากทำอะกาโรส เจลอิเล็กโตรโฟรีซิส ที่ความต่างศักย์คงที่ 14 โวลต์ต่อความยาวเจลหนึ่ง เซนติเมตร เป็นเวลานาน 1 ชม.และต่อด้วย 2 โวลต์ต่อความยาวเจลหนึ่ง เซนติเมตร นาน 11 ชม. บนแผ่นอะกาโรสที่มีความเข้มข้น 0.4 เปอร์เซ็นต์ โดยที่แต่ละช่องมีปริมาณดีเอ็นเอ 400 นาโนกรัม	45
3ช	
ผลของความต่างศักย์ที่มีการเคลื่อนที่ของชิ้นส่วน λ ดีเอ็นเอที่ถูกตัดด้วย HindIII ในการทำอิเล็กโตรโฟรีซิส บนอะกาโรสเจลเข้มข้น 0.7 เปอร์เซ็นต์	46

สารบัญรูป(ต่อ)

รูปที่	หน้า
4	
รูปแบบการเรียงตัวของชิ้นส่วนดีเอ็นเอของ <i>Streptomyces sp.</i> 190-1, 42-9 และลูกผสมต่างๆ ที่ถูกตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI 6 หน่วยต่อดีเอ็นเอหนึ่งไมโครกรัม ภายหลังจากทำอะกาโรส เจลอิเล็กโตรโฟรีซิส ที่ความต่างศักย์คงที่ 14 โวลต์ต่อความยาวเจลหนึ่งเซนติเมตร เป็นเวลานาน 2 ชม.45 นาที บนแผ่นอะกาโรสที่มีความเข้มข้น 0.7 เปอร์เซ็นต์ โดยที่แต่ละช่องมีปริมาณดีเอ็นเอ 400 นาโนกรัม	47
5ก	
รูปแบบการเรียงตัวของชิ้นส่วนดีเอ็นเอของ <i>Streptomyces sp.</i> 190-1, 42-9 และลูกผสมต่างๆ ที่ถูกตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI 6 หน่วยต่อดีเอ็นเอหนึ่งไมโครกรัม ภายหลังจากทำอะกาโรส เจลอิเล็กโตรโฟรีซิส ที่ความต่างศักย์คงที่ 14 โวลต์ต่อความยาวเจลหนึ่งเซนติเมตร เป็นเวลานาน 1 ชม.45 นาที บนแผ่นอะกาโรสที่มีความเข้มข้น 0.7 เปอร์เซ็นต์ โดยที่แต่ละช่องมีปริมาณดีเอ็นเอ 400 นาโนกรัม	49
5ข	
รูปแบบการเรียงตัวของชิ้นส่วนดีเอ็นเอของ <i>Streptomyces sp.</i> 190-1, 42-9 และลูกผสมต่างๆ ที่ถูกตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ PstI 6 หน่วยต่อดีเอ็นเอหนึ่งไมโครกรัม ภายหลังจากทำอะกาโรส เจลอิเล็กโตรโฟรีซิส ที่ความต่างศักย์คงที่ 14 โวลต์ต่อความยาวเจลหนึ่งเซนติเมตร เป็นเวลานาน 1 ชม.45 นาที บนแผ่นอะกาโรสที่มีความเข้มข้น 0.7 เปอร์เซ็นต์ โดยที่แต่ละช่องมีปริมาณดีเอ็นเอ 400 นาโนกรัม	50

สารบัญรูป (ต่อ)

รูปที่

หน้า

- 5ค รูปแบบการเรียงตัวของชิ้นส่วนดีเอ็นเอของ *Streptomyces sp.* 190-1, 42-9 และลูกผสมต่างๆ ที่ถูกตัดด้วยเอนไซม์ EcoRI 6 หน่วยต่อดีเอ็นเอหนึ่งไมโครกรัม ภายหลังจากทำอะกาโรส เจลอิเล็กโตรโฟรีซิส ที่ความต่างศักย์คงที่ 14 โวลต์ต่อความยาวเจลหนึ่งเซนติเมตร เป็นเวลานาน 1 ชม.45 นาที บนแผ่นอะกาโรสที่มีความเข้มข้น 0.7 เปอร์เซ็นต์ โดยที่แต่ละช่องมีปริมาณดีเอ็นเอ 400 นาโนกรัม51
- 5ง รูปแบบการเรียงตัวของชิ้นส่วนดีเอ็นเอของ *Streptomyces sp.* 190-1, 42-9 และลูกผสมต่างๆ ที่ถูกตัดด้วยเอนไซม์ BglIII 6 หน่วยต่อดีเอ็นเอหนึ่งไมโครกรัม ภายหลังจากทำอะกาโรส เจลอิเล็กโตรโฟรีซิส ที่ความต่างศักย์คงที่ 14 โวลต์ต่อความยาวเจลหนึ่งเซนติเมตร เป็นเวลานาน 1 ชม.45 นาที บนแผ่นอะกาโรสที่มีความเข้มข้น 0.7 เปอร์เซ็นต์ โดยที่แต่ละช่องมีปริมาณดีเอ็นเอ 400 นาโนกรัม52
- 6ก รูปแบบการเรียงตัวของชิ้นส่วนดีเอ็นเอของ *Streptomyces sp.* 190-1, 42-9 และลูกผสมต่างๆ ที่ถูกตัดด้วยเอนไซม์ BamHI 6 หน่วยต่อดีเอ็นเอหนึ่งไมโครกรัม ภายหลังจากทำอะกาโรส เจลอิเล็กโตรโฟรีซิส ที่ความต่างศักย์คงที่ 14 โวลต์ต่อความยาวเจลหนึ่งเซนติเมตร เป็นเวลานาน 1 ชม.45 นาที บนแผ่นอะกาโรสที่มีความเข้มข้น 0.7 เปอร์เซ็นต์ โดยที่แต่ละช่องมีปริมาณดีเอ็นเอ 400 นาโนกรัม54

สารบัญรูป (ต่อ)

รูปที่

หน้า

- 6ข รูปแบบการเรียงตัวของชิ้นส่วนดีเอ็นเอของ *Streptomyces sp.* 190-1, 42-9 และลูกผสมต่างๆ ที่ถูกตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI 6 หน่วยต่อดีเอ็นเอหนึ่งไมโครกรัม ภายหลังจากทำอะกาโรส เจลอิเล็กโตรโฟรีซิส ที่ความต่างศักย์คงที่ 14 โวลต์ต่อความยาวเจลหนึ่งเซนติเมตร เป็นเวลานาน 1 ชม.45 นาที บนแผ่นอะกาโรสที่มีความเข้มข้น 0.7 เปอร์เซ็นต์ โดยที่แต่ละช่องมีปริมาณดีเอ็นเอ 400 นาโนกรัม55
- 6ค รูปแบบการเรียงตัวของชิ้นส่วนดีเอ็นเอของ *Streptomyces sp.* 190-1, 42-9 และลูกผสมต่างๆ ที่ถูกตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI 6 หน่วยต่อดีเอ็นเอหนึ่งไมโครกรัม ภายหลังจากทำอะกาโรส เจลอิเล็กโตรโฟรีซิส ที่ความต่างศักย์คงที่ 14 โวลต์ต่อความยาวเจลหนึ่งเซนติเมตร เป็นเวลานาน 1 ชม.45 นาที บนแผ่นอะกาโรสที่มีความเข้มข้น 0.7 เปอร์เซ็นต์ โดยที่แต่ละช่องมีปริมาณดีเอ็นเอ 400 นาโนกรัม56
- 6ง รูปแบบการเรียงตัวของชิ้นส่วนดีเอ็นเอของ *Streptomyces sp.* 190-1, 42-9 และลูกผสมต่างๆ ที่ถูกตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI 6 หน่วยต่อดีเอ็นเอหนึ่งไมโครกรัม ภายหลังจากทำอะกาโรส เจลอิเล็กโตรโฟรีซิส ที่ความต่างศักย์คงที่ 14 โวลต์ต่อความยาวเจลหนึ่งเซนติเมตร เป็นเวลานาน 1 ชม.45 นาที บนแผ่นอะกาโรสที่มีความเข้มข้น 0.7 เปอร์เซ็นต์ โดยที่แต่ละช่องมีปริมาณดีเอ็นเอ 400 นาโนกรัม57

สารบัญรูป (ต่อ)

รูปที่

หน้า

- 6จ รูปแบบการเรียงตัวของชิ้นส่วนดีเอ็นเอของ *Streptomyces sp.* 190-1, 42-9 และลูกผสมต่างๆ ที่ถูกตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI 6 หน่วยต่อดีเอ็นเอหนึ่งไมโครกรัม ภายหลังจากทำอะกาโรส เจลอิเล็กโตรโฟรีซิส ที่ความต่างศักย์คงที่ 14 โวลต์ต่อความยาวเจลหนึ่งเซนติเมตร เป็นเวลานาน 1 ชม.45 นาที บนแผ่นอะกาโรสที่มีความเข้มข้น 0.7 เปอร์เซ็นต์ โดยที่แต่ละช่องมีปริมาณดีเอ็นเอ 400 นาโนกรัม58
- 6ข รูปแบบการเรียงตัวของชิ้นส่วนดีเอ็นเอของ *Streptomyces sp.* 190-1, 42-9 และลูกผสม D₃ ที่ถูกตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ BamHI 6 หน่วยต่อดีเอ็นเอหนึ่งไมโครกรัม ภายหลังจากทำอะกาโรส เจลอิเล็กโตรโฟรีซิส ที่ความต่างศักย์คงที่ 14 โวลต์ต่อความยาวเจลหนึ่งเซนติเมตร เป็นเวลานาน 1 ชม.45 นาที บนแผ่นอะกาโรสที่มีความเข้มข้น 0.7 เปอร์เซ็นต์ โดยที่แต่ละช่องมีปริมาณดีเอ็นเอ 400 นาโนกรัม59
- 7ก รูปแบบการเรียงตัวของชิ้นส่วนดีเอ็นเอของ *Streptomyces sp.* 190-1, 42-9 และลูกผสม D₃ ที่ถูกตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ PstI ร่วมกับ BamHI โดยที่แต่ละช่องมีปริมาณ 6 หน่วยต่อดีเอ็นเอหนึ่งไมโครกรัม ภายหลังจากทำอะกาโรส เจลอิเล็กโตรโฟรีซิสที่ความต่างศักย์คงที่ 14 โวลต์ต่อความยาวเจลหนึ่งเซนติเมตรเป็นเวลานาน 1 ชม.45 นาที บนแผ่นอะกาโรสที่มีความเข้มข้น 0.7 เปอร์เซ็นต์ โดยที่แต่ละช่องมีปริมาณดีเอ็นเอ 400 นาโนกรัม61

สารบัญรูป (ต่อ)

รูปที่	หน้า
7ข	รูปแบบการเรียงตัวของชิ้นส่วนดีเอ็นเอของ <i>Streptomyces sp.</i> 190-1, 42-9 และลูกผสม D ₃ ที่ถูกตัดด้วยเรสทริกชันเอนไซม์ EcoRI ร่วมกับ BamHI โดยที่แต่ละชนิดมีปริมาณ 6 หน่วยต่อดีเอ็นเอหนึ่ง ไมโครกรัม ภายหลังการทำอะกาโรสเจลอิเล็กโตรโฟรีซิสที่ความต่างศักย์คงที่ 14 โวลต์ต่อความยาวเจลหนึ่ง เซนติเมตร เป็นเวลานาน 1 ชม.45 นาที บนแผ่นอะกาโรสที่มีความเข้มข้น 0.7 เปอร์เซ็นต์ โดยที่แต่ละช่องมีปริมาณดีเอ็นเอ 400 นาโนกรัม62
8	ตัวอย่าง การวิเคราะห์รูปแบบการเรียงตัวของดีเอ็นเอลูกผสมโดยเปรียบเทียบกับ <i>Streptomyces sp.</i> 42-9 และ <i>Streptomyces sp.</i> 190-1 จากเครื่องวัดความเข้ม64
9ก	การวิเคราะห์กอลลูโคสไอโซเมอเรสที่สกัดจาก <i>Streptomyces sp.</i> 190-1 , <i>Streptomyces sp.</i> 42-9 และลูกผสมต่างๆ โดยวิธีไอโซเดียมโอดีเดซิลซัลเฟตโพลีอะครีลาไมด์เจลอิเล็กโตรโฟรีซิส โดยที่แต่ละช่องมีปริมาณโปรตีน 100 ไมโครกรัม68
9ข	กราฟแสดงความสัมพันธ์ระหว่าง ค่าลอการิทึมของน้ำหนักโมเลกุลของโปรตีนมาตรฐาน และค่าการเคลื่อนที่สัมพัทธ์ โดยการหาไอโซเดียมโอดีเดซิลซัลเฟตโพลีอะครีลาไมด์เจลอิเล็กโตรโฟรีซิส โดยที่แต่ละชนิดมีปริมาณโปรตีน 100 ไมโครกรัม69
9ค	การวิเคราะห์ไอโซแลเนสที่สกัดจาก <i>Streptomyces sp.</i> 190-1 <i>Streptomyces sp.</i> 42-9 และลูกผสมต่างๆ โดยวิธีไอโซเดียมโอดีเดซิลซัลเฟตโพลีอะครีลาไมด์เจลอิเล็กโตรโฟรีซิส โดยที่แต่ละชนิดมีปริมาณโปรตีน 100 ไมโครกรัม70

สารบัญรูป (ต่อ)

รูปที่

หน้า

- ๑ง กราฟแสดงความสัมพันธ์ระหว่าง ค่าลอการิทึมของน้ำหนักรวมเฉลี่ยของ
 เบรดีนมาตรฐาน และค่าการเคลื่อนที่สัมพัทธ์ โดยการหาโซเดียม
 โดเดซิลซัลเฟตโพสิอะคริลาไมด์เจลอิเล็กโตรโฟรีซิส 71

คำย่อ

มก.	=	มิลลิกรัม
มล.	=	มิลลิลิตร
ชม.	=	ชั่วโมง
°ซ	=	องศาเซลเซียส