

การวิเคราะห์ในไฟปีขององค์แคนธามีบทพินยอมน้ำต่างๆ ในเขตกรุงเทพมหานคร
และปริมณฑล

นางสาววิชากาญจน์ประเสริฐ

ศูนย์วิทยทรัพยากร จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

วิทยานิพนธ์นี้เป็นส่วนหนึ่งของการศึกษาตามหลักสูตรบริณญาณวิทยาศาสตร์มหาบัณฑิต

สาขาวิชาปรัชีดิลกษาทางการแพทย์ ภาควิชาปรัชีดิลกษา

คณะแพทยศาสตร์ จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

ปีการศึกษา 2552

ลิขสิทธิ์ของจุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

GENOTYPING ANALYSIS OF *Acanthamoeba* FROM FRESHWATER SAMPLES IN
BANGKOK AND NEARBY PROVINCES.

Miss Warisa Nupresert

ศูนย์วิทยทรัพยากร

จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

A Thesis Submitted in Partial Fulfillment of the Requirements

for the Degree of Master of Science Program in Medical Parasitology

Department of Parasitology

Faculty of Medicine

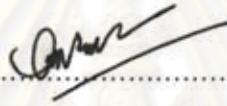
Chulalongkorn University

Academic Year 2009

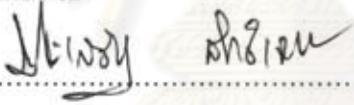
Copyright of Chulalongkorn University

หัวขอวิทยานิพนธ์
 กาวิเคราะห์ในไทยของคะแนนความเป็นไปในแหล่งน้ำ
 ต่างๆ ในเขตกรุงเทพมหานครและปริมณฑล
 โดย^{นางสาววิชา หนูประเสริฐ}
 สาขาวิชา^{ปรสิตวิทยาทางการแพทย์}
 อาจารย์ที่ปรึกษาวิทยานิพนธ์หลัก^{ศาสตราจารย์ นายแพทย์สมชาย จงวุฒิเวศย์}
 อาจารย์ที่ปรึกษาวิทยานิพนธ์ร่วม^{ผู้ช่วยศาสตราจารย์ ดร.จตุรงค์ พุทธพิพิธย์}
 อาจารย์ที่ปรึกษาวิทยานิพนธ์ร่วม^{รองศาสตราจารย์ ณัฐรัตน์ จันทรุณ}

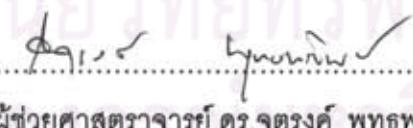
คณะกรรมการนี้ได้ให้นับวิทยานิพนธ์ฉบับนี้เป็นส่วนหนึ่ง
 ของการศึกษาตามหลักสูตรปริญญามหาบัณฑิต

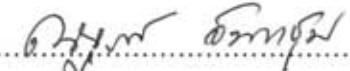

 คณบดีคณะแพทยศาสตร์
 (ศาสตราจารย์ นายแพทย์ยศดิศรา ภัทราชูลย์)

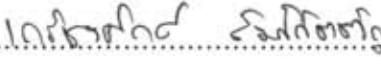
คณะกรรมการสอบวิทยานิพนธ์


 ประธานกรรมการ
 (ผู้ช่วยศาสตราจารย์ นายแพทย์ประเสริฐ สิทธิเจริญชัย)


 อาจารย์ที่ปรึกษาวิทยานิพนธ์หลัก
 (ศาสตราจารย์ นายแพทย์สมชาย จงวุฒิเวศย์)


 อาจารย์ที่ปรึกษาวิทยานิพนธ์ร่วม
 (ผู้ช่วยศาสตราจารย์ ดร.จตุรงค์ พุทธพิพิธย์)


 อาจารย์ที่ปรึกษาวิทยานิพนธ์ร่วม
 (รองศาสตราจารย์ ณัฐรัตน์ จันทรุณ)


 กรรมการภายนอกมหาวิทยาลัย
 (ผู้ช่วยศาสตราจารย์ นายแพทย์เกรียงศักดิ์ ลิมปิกิตติกุล)

วิชา หุบประเสริฐ : การวิเคราะห์จีโนไทป์ของแคนธามีบาที่พบในแหล่งน้ำต่างๆ ในเขตกรุงเทพมหานครและปริมณฑล. (GENOTYPING ANALYSIS OF *Acanthamoeba* FROM FRESHWATER SAMPLES IN BANGKOK AND NEARBY PROVINCES.)

อ. ที่ปรึกษาวิทยานิพนธ์หลัก: ศ. นพ. สมชาย จงกุมิเกศย์,

อ. ที่ปรึกษาวิทยานิพนธ์ร่วม: ผศ. ดร. จตุรงค์ พุทธพรพิพิธ, รศ. ณัฐรัตน์ จันทรุ่ม,

99 หน้า.

อะมีบาที่ดำรงชีพอิสระในจีนัส *Acanthamoeba* หลายสปีชีส์สามารถก่อโรคได้ทำให้เกิดโรคเยื่องหุ้มสมองอักเสบชนิดเรื้อรังหรือเฉียบพลันในผู้ที่ร่างกายอ่อนแอและกระจากตาติดเชื้อในคนทั่วไป ถึงแม้ *Acanthamoeba* จะปรากฏอยู่ได้ทั่วไปแต่การศึกษาในประเทศไทยยังไม่เป็นที่ทราบถึงความซุกและการกระจายตัวของสปีชีส์ที่ก่อโรคได้ในสิ่งแวดล้อม การศึกษาครั้งนี้ได้ตรวจสอบ *Acanthamoeba* ที่ได้จากการสำรวจแหล่งน้ำ 347 ตัวอย่างจากน้ำในธรรมชาติและที่ถูกสร้างขึ้น สร่าน้ำและคลองในเขตกรุงเทพมหานครและปริมณฑล ซึ่งครอบคลุมถึงเมืองปาน้ำดี 6 ตัวอย่าง จากการเพาะเลี้ยงบน 1.5% non-nutrient agar กับ inactivated *Escherichia coli*. สามารถแยก *Acanthamoeba* ได้ 16 ตัวอย่าง (4.3%) จึงทำการตรวจสอบลำดับเบ็ดจาก small subunit ribosomal RNA (SSU rRNA) ด้วยวิธี nested PCR และหาความหลากหลายทางพันธุกรรมภายในแต่ละตัวอย่าง ลักษณะที่พบได้มากที่สุด ได้แก่ จีโนไทป์ T4 (75.00%) ตามด้วยจีโนไทป์ T8 (12.5%) จีโนไทป์ T11 (6.25%) และจีโนไทป์ T7 ร่วมกับ T9 (6.25%) เนื่องจากจีโนไทป์ T4 ซึ่งมีการติดเชื้อในกระจากตาเป็นส่วนมาก สามารถพบได้จากบริเวณผิวของแหล่งน้ำที่สำรวจในเขตกรุงเทพมหานครและบริเวณริมแม่น้ำสังเกต และติดตามในบริเวณอื่นเพิ่มเติมเพื่อหลักเลี้ยงความเสี่ยงที่อาจเกิดขึ้น

ศูนย์วิทยาพยากรณ์ จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

ภาควิชา ปรสิตวิทยา..... ลายมือชื่อนิติ.... วิชชา ภาษาไทย.....

สาขาวิชา ปรสิตวิทยาทางการแพทย์... ลายมือชื่อ อ. ที่ปรึกษาวิทยานิพนธ์.....

ปีการศึกษา 2552..... ลายมือชื่อ อ. ที่ปรึกษาวิทยานิพนธ์ร่วม.....

ลายมือชื่อ อ. ที่ปรึกษาวิทยานิพนธ์ร่วม.....

5074825030 : MAJOR MEDICAL PARASITOLOGY

KEYWORDS : *Acanthamoeba* / GENOTYPING ANALYSIS

WARISA NUPRASERT : GENOTYPING ANALYSIS OF *Acanthamoeba* FROM
FRESHWATER SAMPLES IN BANGKOK AND NEARBY PROVINCES.

THESIS ADVISOR : PROF. SOMCHAI JONGWUTIWES, M.D, Ph.D,

THESIS CO-ADVISOR : ASST. PROF. CHATURONG PUTAPORTIP, Ph.D,

ASSOC. PROF. NUTAROS CHANTACHUME, 99 pp.

Pathogenic free-living amoebae in the genus *Acanthamoeba* comprise heterogeneous species and several of these are causative agents of granulomatous amoebic encephalitis affecting immunocompromised hosts and keratitis in immunocompetent individuals. Despite the wide-spread occurrence and ubiquity of acanthamoebae in environmental samples, the prevalence and distribution of pathogenic species in Thailand remains unknown. We have conducted a prospective survey of acanthamoebae among 374 freshwater samples collected from natural and artificial ponds, pools and canals in Bangkok and nearby provinces including 6 freshwater fish gills. Results have shown that 16 of these samples (4.3%) contained acanthamoebae as detected by cultivation method using 1.5% non-nutrient agar seeded with heat inactivated *Escherichia coli*. We further determined the small subunit ribosomal RNA (SSU rRNA) sequences from either nested PCR-purified templates or from recombinant subclones of each isolate. Phylogenetic inference from the SSU rRNA gene reveals that the majority of isolates belonged to genotype T4 (75.00%), followed by genotype T8 (12.5%) and genotype T11 (6.25%) while one isolate contained mixture of genotypes T7 and T9. Because genotype T4 has been frequently implicated in corneal infections, the predominance of this genotype in surface water in Bangkok and surrounding areas highlights the importance of further surveillance in other environmental niche and risk awareness upon contact with these contaminated natural water resources.

Department : Parasitology.....

Student's Signature Warisa Nuprasert

Field of Study : Medical Parasitology.....

Advisor's Signature Somchai J.

Academic Year : 2009.....

Co-Advisor's Signature Chaturong P.

Co-Advisor's Signature Nutaros Chantachume

กิตติกรรมประกาศ

วิทยานิพนธ์นี้สำเร็จลุล่วงได้ด้วยความช่วยเหลืออย่างดียิ่งของศาสตราจารย์นายแพทย์สมชาย จงวนิเวศย์ อาจารย์ที่ปรึกษา ภาควิชาปรสิตวิทยา คณะแพทยศาสตร์ จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย ที่ได้กรุณ้าให้ความช่วยเหลือ ความรู้ ข้อแนะนำในการแก้ปัญหาต่างๆ ในการศึกษา วิจัยและให้ความเมตตากรุณาต่อข้าพเจ้าเป็นอย่างดียิ่ง ตลอดจนแก้ไขข้อบกพร่องวิทยานิพนธ์ฉบับนี้ให้สมบูรณ์มากยิ่งขึ้น ข้าพเจ้าขอกราบขอบพระคุณเป็นอย่างสูงไว้ ณ ที่นี่ ขอก拉บขอบพระคุณ ผู้ช่วยศาสตราจารย์ ดร. จตุรงค์ พุทธพิพิย์ และรองศาสตราจารย์ณัฐรุส จันทรุม ที่ได้กรุณ้าให้ความรู้ สนับสนุน ความคิดเห็นต่างๆ ใน การศึกษาวิจัย ตลอดจนแก้ไขข้อบกพร่องวิทยานิพนธ์มาด้วยดียิ่ง ข้าพเจ้า ขอกราบขอบพระคุณเป็นอย่างสูงไว้ ณ ที่นี่

ขอกราบขอบพระคุณ ผู้ช่วยศาสตราจารย์นายแพทย์ประเสริฐ สิทธิเจริญชัย ภาควิชาปรสิตวิทยา คณะแพทยศาสตร์ จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย และผู้ช่วยศาสตราจารย์ นายแพทย์เกรียงศักดิ์ ลิมปิกิตติกุล ภาควิชาภูมารეเชสต์ คณะเวชศาสตร์เขตร้อน มหาวิทยาลัยมหิดล ที่ได้กรุณ้าให้คำแนะนำ และแก้ไขวิทยานิพนธ์ฉบับนี้ให้มีความถูกต้องและสมบูรณ์มากยิ่งขึ้น

ขอขอบพระคุณ คุณมาลี เจริญกร คุณอุรัสยา พัฒนวงศ์ คุณทวีศักดิ์ แซ่เตีย ภาควิชาปรสิตวิทยา คณะแพทยศาสตร์ จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย และอาจารย์สุนីย์ สีธรรมใจ ภาควิชาชีววิทยา คณะวิทยาศาสตร์ มหาวิทยาลัยนเรศวร ที่ได้ให้คำแนะนำและความช่วยเหลือ

ขอขอบพระคุณคณาจารย์ และเจ้าหน้าที่ ภาควิชาปรสิตวิทยา คณะแพทยศาสตร์ จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย ทุกท่านที่ได้อี๊อฟฟี่สถานที่ และเครื่องมือต่างๆ ตลอดจนความช่วยเหลือในการศึกษาวิจัย

สุดท้ายนี้ข้าพเจ้าขอกราบขอบพระคุณ บิดามารดา พี่น้อง และเพื่อนๆ ทุกคนที่ให้กำลังใจ คำปรึกษาและให้การสนับสนุนข้าพเจ้าในการทำวิทยานิพนธ์ครั้นนี้มาโดยตลอด

จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

สารบัญ

	หน้า
บทคัดย่อภาษาไทย.....	๑
บทคัดย่อภาษาอังกฤษ.....	๑
กิตติกรรมประกาศ.....	๙
สารบัญ.....	๙
สารบัญตาราง.....	๘
สารบัญภาพ.....	๘
 บทที่	
1. บทนำ.....	1
2. เอกสารและงานวิจัยที่เกี่ยวข้อง.....	5
อนุกรรมวิธานของ <i>Acanthamoeba</i>	5
วงศ์ชีวิตและการเจริญเติบโตของ <i>Acanthamoeba</i>	8
Granulomatous Amebic Encephalitis, GAE	12
<i>Acanthamoeba</i> keratitis, AK	14
การเพาะเลี้ยง <i>Acanthamoeba</i>	17
อนุชีววิทยาของ <i>Acanthamoeba</i>	18
3. วิธีดำเนินการวิจัย.....	22
ขั้นตอนงานวิจัย.....	22
วัตถุประสงค์ของการวิจัย.....	22
คำจำกัดความที่ใช้ในการวิจัย.....	22
ขนาดของกลุ่มประชากร.....	22
เกณฑ์การเลือกสถานที่ในการสำรวจ.....	23
แผนที่ในการศึกษา.....	24
การเก็บตัวอย่างน้ำ.....	24
การเก็บตัวอย่างจากผู้ป่วย.....	25
เครื่องมือและสารเคมีที่ใช้ในการวิจัย.....	28
การแยกเชื้อ <i>Acanthamoeba</i>	29
การออกแบบ oligonucleotides สำหรับใช้เป็น PCR Primer.....	30

บทที่	หน้า
การเพิ่มปริมาณดีเอ็นเอยาในหลอดทดลองโดยวิธีลูกลูป์เมอร์เวส.....	31
การตรวจผลิตผล PCR โดยวิธี gel electrophoresis.....	31
การ purify PCR product โดยใช้ QIAquick PCR Purification Kit.....	32
วิธีการทำโคลน (subclone).....	32
การวิเคราะห์ลำดับเบสของ DNA.....	34
4. ผลการทดลอง.....	35
การสำรวจ Acanthamoeba ในแหล่งน้ำ.....	35
คุณร่วงลักษณะของ Acanthamoeba.....	38
ตัวอย่าง Acanthamoeba จากผู้ป่วยโรงบาลจุฬาลงกรณ์.....	43
ผลการเพิ่มปริมาณดีเอ็นเอกองยีน 18S rRNA โดยวิธีลูกลูป์เมอร์เวส.....	45
การวิเคราะห์ลำดับนิวคลีอิทเดย์ของยีน 18S rRNA.....	46
5. อภิปรายผลการทดลองและข้อเสนอแนะ.....	75
รายการอ้างอิง.....	79
ภาคผนวก.....	90
ประวัติผู้เขียนวิทยานิพนธ์.....	99

ศูนย์วิทยทรัพยากร จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

สารบัญตาราง

ตารางที่		หน้า
1	จีโนไทป์ใน <i>Acanthamoeba</i> ที่เกี่ยวข้องกับโรคกระ寄托อักเสบและโรค เยื่อหุ้มสมองอักเสบชนิดเรื้อรังหรือเฉียบพลัน.....	21
2	แสดงสถานที่ในการสำรวจแหล่งน้ำในเขตกรุงเทพมหานครและปริมณฑล.....	36
3	แสดงสถานที่ ลักษณะทางกายภาพและลักษณะของกลุ่มเชื้อส์ต์ของ <i>Acanthamoeba</i> ที่พบในแหล่งน้ำต่างๆ ในเขตกรุงเทพมหานครและปริมณฑล.....	36
4	แสดงผลในเดือนที่มีการสำรวจพบ <i>Acanthamoeba</i> spp. จากแหล่งน้ำต่างๆ ในเขตกรุงเทพมหานครและปริมณฑล.....	37

ศูนย์วิทยทรัพยากร
จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

สารบัญภาพ

ภาพที่	หน้า
1 ลักษณะชีสต์ในกลุ่มที่ 1, 2 และ 3.....	7
2 <i>Acanthamoeba</i> ในระบบโทรโพซอยด์.....	8
3 <i>Acanthamoeba</i> ในระบบชีสต์.....	9
4 วงจรชีวิตของ <i>Acanthamoeba</i>	11
5 ring stromal infiltration.....	14
6 แสดงพื้นที่ในเขตกรุงเทพมหานครและปริมณฑล.....	24
7 แสดงตำแหน่งของ primer ต่างๆ ที่ใช้ในทำ PCR	30
8 แสดงโทรโพซอยด์ของชีสต์กลุ่มที่ 1.....	38
9 แสดงลักษณะของชีสต์กลุ่มที่ 1.....	39
10 แสดงโทรโพซอยด์ของชีสต์กลุ่มที่ 2.....	40
11 แสดงลักษณะของชีสต์กลุ่มที่ 2.....	41
12 แสดงลักษณะของชีสต์กลุ่มที่ 2 (ต่อ).....	41
13 แสดงลักษณะของชีสต์กลุ่มที่ 2 (ต่อ).....	42
14 แสดงลักษณะชีสต์จากตัวอย่างผู้ป่วยติดเชื้อที่กรุงเทพฯ.....	44
15 แสดงลักษณะชีสต์จากตัวอย่างผู้ป่วยติดเชื้อทางสมอง.....	44
16 แสดงผลการวิเคราะห์ผลิตผล PCR	45
17 แสดง phylogenetic tree ในยีน 18S rRNA ของ <i>Acanthamoeba</i> ในการศึกษา.....	47
18 การเปรียบเทียบลำดับนิวคลีโอไทด์ SSU rRNA gene ในกลุ่ม T7 และ T8.....	50
19 การเปรียบเทียบลำดับนิวคลีโอไทด์ SSU rRNA gene ในกลุ่ม T10.....	53
20 การเปรียบเทียบลำดับนิวคลีโอไทด์ SSU rRNA gene ในกลุ่ม T9.....	54
21 การเปรียบเทียบลำดับนิวคลีโอไทด์ SSU rRNA gene ในกลุ่ม T11.....	56
22 การเปรียบเทียบลำดับนิวคลีโอไทด์ SSU rRNA gene ในกลุ่ม T4.....	57
23 การเปรียบเทียบลำดับนิวคลีโอไทด์ DF3 ในกลุ่ม T4.....	73
24 แสดง phylogenetic tree ในบริเวณ DF3 ของยีน 18S rRNA ของ <i>Acanthamoeba</i> การศึกษา.....	74

บทที่ 1

บทนำ

อะมีบาที่ดำรงชีพอิสระในธรรมชาติ (free-living amoeba, FLA) สามารถก่อโรคในคนได้ มีอยู่ด้วยกัน 4 ชนิด ได้แก่ *Acanthamoeba spp.*, *Balamuthia mandrillaris*, *Naegleria fowleri* และ *Sappinia sp.* เมื่อเกิดการติดต่อจะเข้าทำลายระบบประสาทส่วนกลางทั้งในคนและสัตว์ เป็นเหตุถึงแก่ชีวิตได้ *Acanthamoeba spp.* และ *B. mandrillaris* ทำให้เกิดโรคสมองอักเสบชนิดเรื้อรังหรือเฉียบพลัน (granulomatous amebic encephalitis, GAE) มักพบในผู้ที่มีภูมิคุ้มกันร่างกายบกพร่องหรือมีร่างกายอ่อนแอ นอกจากนี้ *Acanthamoeba spp.* ยังทำให้เกิดโรคผิวนังอักเสบกึ่งเฉียบพลัน (cutaneous acanthamebiasis) และโรคกระจูกตาอักเสบ (amebic keratitis) *N. fowleri* ทำให้เกิดเยื่อหุ้มสมองและเนื้อสมองอักเสบชนิดปฐมภูมิ (primary amebic meningoencephalitis, PAM) พบรได้ทั้งในเด็กและผู้ใหญ่ที่มีร่างกายแข็งแรงโดยทั่วไปที่เกี่ยวข้องกับแหล่งน้ำจืด (Marciano-Cabral & Cabral, 2003; Schuster & Visvesvara, 2004a; Visvesvara et al., 2007) ในปี ค.ศ. 2001 มีรายงาน *S. diploidea* ก่อโรคในคน 1 ราย แต่ภายหลังได้รับการพิสูจน์ด้วยวิธี real-time PCR ว่า *Sappinia* ที่ทำให้เกิดเยื่อหุ้มสมองอักเสบมีสาเหตุจาก *S. pedata* (Gelman et al., 2001; Qvarnstrom et al., 2009)

ในกลุ่มของอะมีบาที่ดำรงชีพอิสระในธรรมชาติ *Acanthamoeba* เป็นอะมีบาที่พบได้มากในดินและน้ำ โดยพบเพร่กระจายอยู่ทั่วโลกทั้งในเขตต้อนชื้นจนถึงทวีปօ락ติก ในวงศ์วิชีตมี 2 ระยะคือ ระยะโทรโพซอยด์ (trophozoite) และระยะซิสต์ (cyst) ระยะโทรโพซอยด์เป็นระยะที่มีการสืบพันธุ์แบบไม่ออาศัยเพศแบบ binary fission มีขนาด 15-50 ไมโครเมตร กินแบคทีเรีย สาหร่าย และยีสต์เป็นอาหาร บริโภคผิวมีโครงสร้างคล้ายหนามลักษณะ似ยื่นออกมานะ เรียกว่า acanthopodia ช่วยให้มีการยึดเกาะกับพื้นผิว มีการเคลื่อนที่อย่างเชื่องช้าและใช้จับเหยื่อเป็นอาหาร เมื่อสภาพแวดล้อมไม่เหมาะสมสมต่อการดำรงชีพโทรโพซอยด์จะเปลี่ยนเป็นซิสต์ที่มีขนาด 10-25 ไมโครเมตร ผันเปลี่ยนไปตามสปีชีส์และจีโนไทป์ (genotype) ซิสต์มีผนังหนา 2 ชั้น ประกอบด้วยผนังชั้นนอก (ectocyst) และผนังชั้นใน (endocyst) คงทนอยู่ในสภาพแวดล้อมได้หลายปี ซิสต์สามารถ脫ยไปในอากาศเนื่องจากมีขนาดเล็กทำให้มีการเพร่กระจายไปตามกระแสลม เมื่อสภาพแวดล้อมเหมาะสมซิสต์จะเปลี่ยนเป็นโทรโพซอยด์อีกครั้งและมีการเจริญแบ่งตัวต่อไป (Khan, 2003; Marciano-Cabral & Cabral, 2003; Schuster & Visvesvara, 2004a; Visvesvara et al., 2007) ระยะซิสต์สามารถอยู่รอดได้ในสภาพแวดล้อมที่หลากหลาย มีการแยก *Acanthamoeba* ได้จากน้ำประปา น้ำกัดลั่น สารว่ายน้ำ น้ำแร่ น้ำทะเล ทะเลสาบน้ำจืดและน้ำเค็ม

แม่น้ำ ท่อระบายน้ำ ผิวน้ำ เครื่องปั๊มน้ำ เครื่องบดอาหาร สิ่งปฏิกูล ปุ๋ย ชายหาด ผัก อาหาร เครื่องมือ ศัลยกรรม คอนแทคเลนส์และตับเก็บที่มีการปนเปื้อนจากการเพาะเลี้ยง mammalian cell ในคนสามารถพบร้าจากเยื่อบุโพรงจมูก เนื้อเยื่อบอดและสมอง ผิวนังที่มีแผลเรื้อรัง น้ำที่ใส่น้ำแข็ง และกระจาดๆ ในสัตว์พบได้ในปลา สัตว์ครึ่งบกครึ่งน้ำ สัตว์เลี้ยงคลานและสัตว์เลี้ยงลูกด้วยนม เป็นต้น

เชื้อสามารถเข้าสู่ร่างกายผ่านทางผิวนังที่เป็นแผล ตา และระบบทางเดินหายใจ ก่อให้เกิดโรคสมองอักเสบชนิดเรื้อรังหรือเฉียบพลัน (granulomatous amoebic encephalitis, GAE) โรคผิวนังอักเสบกึ่งเฉียบพลัน (cutaneous acanthamebiasis) และโรคกระจาดอาคเสบ (Acanthamoeba keratitis หรือ amoebic keratitis, AK)

โรคสมองอักเสบชนิดเรื้อรังหรือเฉียบพลัน (GAE) ที่มีสาเหตุจาก *Acanthamoeba spp.* พบร้าในคนที่ป่วยเป็นโรคเรื้อรังหรือผู้ที่มีภูมิคุ้มกันบกพร่อง เช่น โรคเบาหวาน โรคพิษสุราเรื้อรัง และผู้ที่ได้รับการเปลี่ยนถ่ายอวัยวะ รวมทั้งผู้ป่วยเอดส์ ในระยะเริ่มต้นอาการของโรคเป็นไปอย่าง เรื่องช้า ระยะเวลาตั้งแต่ติดเชื้อจนแสดงอาการเป็นเวลาหลายอาทิตย์จนถึง 3 เดือน ผู้ป่วยจะมี อาการปวดศีรษะเป็นไข้คล้ายไข้หวัด คอแข็ง เจ็บคอ คลื่นไส้อาเจียน เมื่อเชื้อเข้าสู่สมองโดยผ่าน ทางกระเพาะเลือด อาการของโรคจะทวีความรุนแรงมากขึ้น เยื่อหุ้มสมองเกิดการอักเสบและมีหนอง ทำให้สมองบวม มีเนื้อตายหล่ายแห่งมีอาการซัก ประสาทหลอน มึนงง สับสน ง่วงซึมจนกระทั่ง เสียชีวิต การวินิจฉัยโรคสมองอักเสบชนิดเรื้อรังหรือเฉียบพลัน (GAE) ยังคงเป็นปัญหาเนื่องจาก มีอาการเหมือนการติดเชื้ออื่นๆ ทางระบบประสาทรวมถึงไวรัส แบคทีเรีย และเชื้อรา การทำ CT scan หรือ MRI ช่วยให้มองเห็นบริเวณเนื้อเยื่อสมองที่ได้รับความเสียหายและการทดสอบ ทางเชื้อรุ่มอาจมีประโยชน์ในข้อสันนิษฐานโรคสมองอักเสบชนิดเรื้อรังหรือเฉียบพลัน (GAE) แต่ไม่มีทางรักษาเนื่องจากผู้ป่วยเสียชีวิตก่อน

โรคผิวนังอักเสบกึ่งเฉียบพลันพบมากในผู้ป่วยเอดส์ซึ่งมีรายงานครั้งแรกในปี ค.ศ. 1986 ขั้นตอนของโรคเป็นไปอย่างรวดเร็วและรุนแรง อาจมีหรือไม่มีอาการทางประสาทร่วม ส่วนมาก เสียชีวิตภายใน 1 เดือนหลังอาการทางประสาทปรากฏ นอกจากนี้ยังพบได้ในผู้ที่เป็นโรค เยื่อหุ้มสมองอักเสบและผู้ที่รับการเปลี่ยนถ่ายอวัยวะหรือผู้ที่มีภูมิคุ้มกันบกพร่องทำให้เกิดแผล เรื้อรัง ผิวชุกชุม ขอบแผลไม่เรียบ ผู้ป่วยอาจได้รับการวินิจฉัยเป็นแผลติดเชื้อจากแบคทีเรียหรือ ภูมิแพ้ผิวนัง ไม่สามารถรักษาให้หายขาดได้ แม้จะมีการใช้ยาหลายนานร่วมกัน (Marciano-Cabral & Cabral, 2003; Khan, 2006)

โรคกระจาดอาคเสบมีรายงานครั้งแรกในปี ค.ศ. 1974 ที่สหราชอาณาจักรและในปี ค.ศ. 1975 ที่สหรัฐอเมริกา โดยผู้สำรวจได้ค้นพบเชื้อคอนแทคเลนส์เป็นกลุ่มที่มีความเสี่ยงสูงในการเป็น *Acanthamoeba keratitis* เนื่องจากการล้างคอนแทคเลนส์ไม่สะอาด ตัดแบนเชื่อมต่อคอนแทคเลนส์

มีการปนเปื้อนและบริเวณ corneal epithelial ที่ดวงตาไม่บิดแผลซึ่งสามารถพัฒนาไปเป็น keratitis ได้ (Nagington et al., 1974; Jones et al., 1975) รวมทั้งการว่าญ่าห์หรือล้างตาขณะที่ใส่คอนแทคเลนส์ ผู้ป่วยจะมีอาการคื่องตา น้ำตาไหล ปวดตาอย่างรุนแรง กระจกตาขุน ม่านตาอักเสบ มีหนองในตา การมองเห็นเริ่มไม่ชัด อาจถูกวินิจฉัยผิดว่าเกิดจาก herpes simplex virus อาการเป็นๆ หายๆ ระยะหนึ่งและทวีความรุนแรงขึ้น บริเวณตาจะปรากฏลักษณะคล้ายวงแหวนขึ้น (ring stromal infiltration) ซึ่งเป็นลักษณะที่ช่วยในการวินิจฉัยว่าเป็น Acanthamoebic keratitis ยืนยันผลด้วยการขูดชิ้นส่วนกระจกตาไปเพาะเลี้ยงและทดสอบด้วยเทคนิค PCR ซึ่งมีความจำเพาะสูง (Khan, 2006)

ในประเทศไทยมีการสำรวจพบ *Acanthamoeba* ครั้งแรกในปี พ.ศ. 2531 ที่จังหวัดนครราชสีมาโดยมยุรัตน์และคณะ (มยุรัตน์ เทพมงคล, 2532) ในปี พ.ศ. 2541 ดวงพรและคณะได้ทำการสำรวจจะมีบ้าที่ดำรงชีพอยู่ในแหล่งน้ำใน 14 จังหวัด จากทุกภาคของประเทศไทย ในเดือนมีนาคม-เมษายน สามารถพบ *Acanthamoeba* ใน 9 จังหวัด ได้แก่ ตาก สุโขทัย บุรีรัมย์ สระนุวี กรุงเทพฯ ปทุมธานี ราชบุรี เพชรบุรี และพัทลุงเป็นร้อยละ 46.4 จากตัวอย่างที่เป็นจะมีบ้าดำรงชีพแบบอิสระชนิดอื่นๆ 125 ตัวอย่าง (Nacapunchai et al., 1999) และในปี พ.ศ. 2544 มีการสำรวจความชุกของ *Acanthamoeba* จากแหล่งน้ำในสิ่งแวดล้อมเป็นร้อยละ 36.7 (Nacapunchai et al., 2001) ในปี พ.ศ. 2547 มีการค้นพบจะมีบ้าดำรงชีพแบบอิสระในบ่อน้ำพุร้อนเป็นครั้งแรกที่จังหวัดลพบุรี (Sukthana et al., 2004) จึงมีการสำรวจบ่อน้ำพุร้อนเพิ่มเติมในปีถัดมาจำนวน 13 จังหวัดจากภาคกลางและภาคใต้ ได้แก่ สุราษฎร์ธานี พังงา ลพบุรี เพชรบูรณ์ และกำแพงเพชร มีความชุกของ *Acanthamoeba* ร้อยละ 13 (Lekkla et al., 2005)

จากรายงานผู้ป่วยที่มีสาเหตุจาก *Acanthamoeba* ในประเทศไทยพบว่ามีผู้ป่วยโรคสมองอักเสบชนิดเรื้อรังหรือเฉียบพลัน (GAE) ครั้งแรกในปี พ.ศ. 2530 (Jariya et al., 1992) ต่อมาในช่วงปี พ.ศ. 2533-2535 มีรายงานผู้เสียชีวิตจาก GAE 4 ราย ในปี พ.ศ. 2539 นพ. สามารถ นิธินันท์ ตรวจพบผู้ป่วย GAE จากการพับใบหน้าไขสันหลังของผู้ป่วยถึง 3 ราย (Nidhinandana & Leelayoova, 1998) ในปี พ.ศ. 2544 มีรายงานผู้ป่วย GAE 1 รายจากการตรวจเนื้อเยื่อสมอง (Sithinamsuwan et al., 2001) และในปี พ.ศ. 2548 มีรายงานผู้ป่วยติดเชื้อจะมีบ้าที่ดำรงชีพแบบอิสระ 2 ชนิดร่วมกันเป็นครั้งแรก คือ *Naegleria* และ *Acanthamoeba* จากตรวจหาเชื้อในโพรงจมูก โดยผู้ป่วยไม่มีอาการทางสมอง (Yaowalark et al., 2005) นอกจากนี้ยังมีรายงานผู้ป่วยจากการติดเชื้อ *Acanthamoeba* ที่ดวงตาครั้งแรก ในปี พ.ศ. 2531 เนื่องจากเศษดินกระเด็นเข้าตาขณะทำสวนในเขตชานเมืองกรุงเทพฯ ในปี พ.ศ. 2533 อีก 1 ราย มีสาเหตุจากน้ำกระเด็นเข้าตาซึ่งมีเดิมมีบ้าดผลอยู่ (Jongwutiwes et al.,

2000) และในปี พ.ศ. 2546 จำนวน 1 ราย เกิดจากเชษดินเข้าตา (Sansopha & Tulvatana, 2003)

ในธรรมชาติจึงมี *Acanthamoeba* อยู่ได้ทั่วไปโดยเฉพาะในแหล่งน้ำและน้ำซึ่งพบได้เป็นปกติและมีสภาพแวดล้อมใกล้ชิดกับคน สามารถติดต่อสู่คนและก่อให้เกิดโรคต่าง ๆ ซึ่งมีอาการและความรุนแรงของโรคแตกต่างกันไป บางชนิดมีความรุนแรงในการก่อโรคสูง บางชนิดก่อโรคได้น้อยหรือไม่ก่อโรค ดังนั้นการศึกษาความหลากหลายในระดับโมเลกุลของ *Acanthamoeba* ที่กระจายตัวอยู่ในธรรมชาติจะช่วยให้ทราบถึงลักษณะทางพันธุกรรมที่อาจเกี่ยวข้องกับความสามารถในการก่อโรค ข้อมูลดังกล่าวจะเป็นประโยชน์และมีความสำคัญเพื่อทราบถึงโอกาสและความเสี่ยงในการติดต่อสู่คนได้

ศูนย์วิทยทรัพยากร จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

บทที่ 2

เอกสารและงานวิจัยที่เกี่ยวข้อง

อนุกรมวิธานของ *Acanthamoeba* spp.

Kingdom Protista

Sub-kingdom Protozoa

Phylum Sarcomastigophora

Sub-phylum Sarcodina

Superclass Rhizopoda

Class Lobose

Subclass Gymnamoebia

Order Amoebida

Family Acanthamoebidae

Genus *Acanthamoeba*

Acanthamoeba มาจากคำว่า acanth ในภาษากรีกแปลว่า หนาม รวมเข้ากับคำว่า amoebae หมายถึง อะมีบ้าที่มีโครงสร้างคล้ายหนาม Castellani (1930) ได้ค้นพบอะมีบ้าจากปนเปี้ยนในการเพาะเลี้ยง *Cryptococcus pararoseus* โดยอะมีบ้าดังกล่าวมีรูปร่างกลมรี เส้นผ่านศูนย์กลางประมาณ 13.5-22.5 ไมโครเมตร มี pseudopodia หรือเท้าเทียม ระยะชีสต์มีผังสองชั้น เส้นผ่านศูนย์กลางประมาณ 9-12 ไมโครเมตร Douglas (1930) ได้จัดให้อะมีบานิดนีอยู่ใน จีนส Hartmannella และตั้งชื่อว่า Hartmannella castellanii ต่อมา Volkonsky (1931) ได้พิจารณาว่า จีนส Hartmannella ไม่ใช้ลักษณะของกลุ่มที่แท้จริงจึงทำการแบ่งจีนสใหม่ออกเป็น 3 จีนส ดังนี้

1. *Hartmannella* ระยะชีสต์ของอะมีบามีลักษณะกลม ผังเรียบ
2. *Glaeseria* ระยะชีสต์ของอะมีบามีการแบ่งนิวเคลียส
3. *Acanthamoeba* ในการแบ่งเซลล์แบบ mitosis มี spindle fiber เป็นชั้วของเซลล์ ระยะชีสต์มีผัง 2 ชั้นและมีรูเปิดถึงกัน ผังชั้นนอกมีรูปร่างไม่สม่ำเสมอ ดังนั้นจึงได้มีการจำแนกอะมีบ้าดังกล่าวจากจีนส Hartmannella มาอยู่ในจีนส

Acanthamoeba และมีชื่อใหม่ว่า *Acanthamoeba castellani* Page (1967) ได้พิจารณาว่า อะมีบ้าที่ Puschkarew แยกได้จากผู้ในปี ค.ศ. 1913 ที่มีชื่อว่า *Amoeba polyphagus* นั้นมีลักษณะที่ตรงกับจีนส *Acanthamoeba* และได้เปลี่ยนชื่อเป็น *Acanthamoeba polyphaga*

Sawyer และ Griffin (1975) ได้ตั้ง family Acanthamoebidae ขึ้นและ Page (1988) ได้ตั้ง suborder Acanthopodina ภายใต้ order Amoebida

Pussard และ Pons (1977) ได้พิจารณา *Acanthamoeba* ออกเป็น 3 กลุ่มโดยใช้ลักษณะสัณฐานวิทยาของชีสต์เป็นเกณฑ์ โดยผังชั้นในของชีสต์จะหดตัวเข้าไปทำให้เห็นเป็นแขนยื่น出口มาซิดติดกับผังชั้นนอกตามขนาดและจำนวนแขนภายในชีสต์ดังนี้

กลุ่มที่ 1 โทรโพซอยต์และชีสต์มีขนาดใหญ่ เส้นผ่านศูนย์กลางของชีสต์โดยเฉลี่ยตั้งแต่ 18 ไมโครเมตร ขึ้นไป ผังชั้นนอกและชั้นในของชีสต์มีระยะห่างออกจากกันมาก ผังชั้นนอกของชีสต์มีผิวเรียบหรือหยักเป็นรอยย่นเล็กน้อย ผังชั้นในของชีสต์มีลักษณะเป็นแขกคล้ายดาว บริเวณที่ผังชั้นนอกและชั้นในของชีสต์ซิดกันจะเห็นเป็นแขนหรือรัศมี มีฝาปิดอยู่ที่ร่วนบดียกับผังชั้นนอกของชีสต์ ดังรูป 1(a) ประกอบด้วย 4 สปีชีส์ ได้แก่ *A. astronyxis*, *A. comandoni*, *A. echinulata* และ *A. tubioshi* ชีสต์ของ *A. astronyxis* มีขนาด 16-28 ไมโครเมตร โดยเฉลี่ย 19.2 ไมโครเมตร มี 5-7 แขน ผังชีสต์ชั้นในสัมผัสกับผังชีสต์ชั้นนอกในระดับเดียวกัน ชีสต์ของ *A. comandoni* มีขนาด 21-30 ไมโครเมตร โดยเฉลี่ย 25.6 ไมโครเมตร มี 6-10 แขน ผังชีสต์ชั้นในสัมผัสกับผังชีสต์ชั้นนอกในหลายในระดับ ชีสต์ของ *A. echinulata* มีขนาด 18.4-29.9 ไมโครเมตร โดยเฉลี่ย 25 ไมโครเมตร มี 12-14 แขน ผังชีสต์ชั้นในสัมผัสกับผังชีสต์ชั้นนอกในหลายในร่วนบดี และชีสต์ของ *A. tubioshi* มีเส้นผ่านศูนย์กลางชีสต์มากกว่าตั้งแต่ 22.6 ไมโครเมตรขึ้นไป

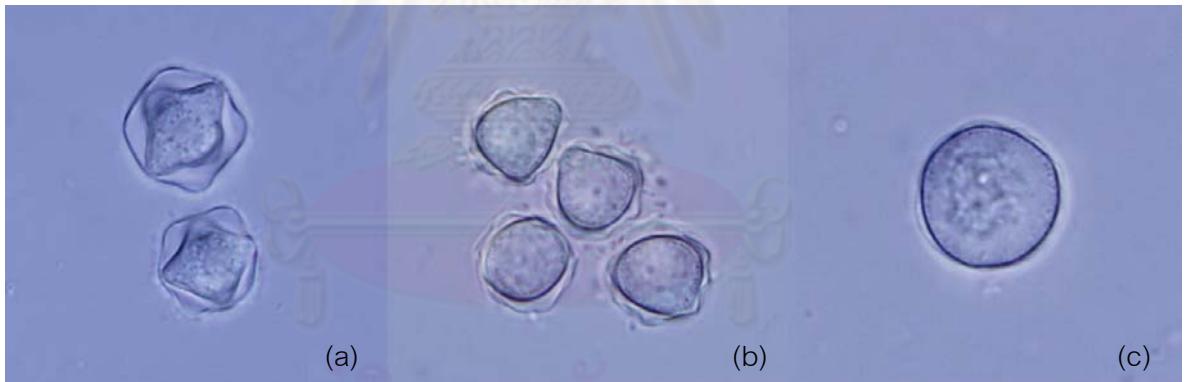
กลุ่มที่ 2 ชีสต์มีเส้นผ่านศูนย์กลางน้อยกว่า 18 ไมโครเมตร เป็นกลุ่มที่พบได้มากที่สุดและแพร่กระจายอยู่ทั่วไปในสิ่งแวดล้อม ผังชั้นนอกและผังชั้นในอาจอยู่ซิดหรือห่างกัน ผังชั้นนอกอาจหนาหรือบาง ผังชั้นในมีทั้งรูปร่างหลายแบบ ทั้งสามเหลี่ยม หลายเหลี่ยม เป็นแขก รูปร่างกลมหรือรูปไข่ มักจะเห็นแขนหรือแขกไม่ชัดเจน ดังรูป 1(b) ฝาปิดที่รูเปิดด้านนอกเกิดจากการพับตัวของผังชั้นนอกของชีสต์ ประกอบด้วย 11 สปีชีส์ ได้แก่ *A. mauritanensis*, *A. castellanii*, *A. polyphaga*, *A. quina*, *A. divionensis*, *A. triangularis*, *A. lugdunensis*, *A. griffini*, *A. rhysodes*, *A. paradivionensis* และ *A. hatchetti*

กลุ่มที่ 3 ชีสต์มีเส้นผ่านศูนย์กลางน้อยกว่า 18 ไมโครเมตร ผังชั้นนอกเรียบและบางหรือเป็นคลื่นเล็กน้อย ผังชั้นในมักกลมอาจเห็นเป็นมุน 3-5 มุน ดังรูป 1(c) ได้แก่ *A. palestinensis*, *A. culbertsoni*, *A. royreba*, *A. lenticulata* และ *A. pustulosa* (Visvesvara, 1991; Khan, 2006)

จากลักษณะรูปร่างต่าง ๆ ของชีสต์เพียงอย่างเดียวมันไม่สามารถแยกแยะระหว่างชีสต์ในกลุ่มที่ 2 และ 3 ได้ (Visvesvara, 1991) เนื่องจากขนาดของชีสต์ในสภาวะการเพาะเลี้ยงนั้นมีขนาดไม่แน่นอน (Stratford & Griffiths, 1978) จึงได้มีความพยายามที่จะจัดความสัมพันธ์ภายใน

จีนส์ให้เป็นหมวดหมู่ โดยใช้วิธีการทางโมเลกุลมาเป็นเกณฑ์เพื่อพิจารณา กับลักษณะของกลุ่มชีสต์ ที่ Pussard และ Pons (1977) ได้แบ่งไว้ด้วยการวิเคราะห์ลำดับเบสใน 18S rRNA gene, mitochondrial 16S rRNA gene, mitochondrial genome หรือ whole-cell DNA ด้วยเทคนิค PCR ต่าง ๆ เช่น standard PCR, real-time PCR, RAPD-PCR และ RFLP-PCR เป็นต้น (Schroeder et al., 2001; Riviere et al., 2006)

ปัจจุบันทางสมาคมนักป้องกันชั่วระหว่างประเทศได้ยกเลิกการจัดหมวดหมู่ในระบบเดิมที่แบ่งเป็น “kingdom”, “phylum”, “class”, “sub-class”, “super-order” และ “order” โดยแทนที่ด้วยระบบใหม่ซึ่งมีความใกล้เคียงกับลักษณะทางสัณฐานวิทยา กระบวนการทางชีวเคมี และ วิวัฒนาการทางโมเลกุลมากขึ้น ในการจัดรูปแบบใหม่ได้แบ่งยุคراโอดออกเป็น 6 กลุ่ม (super groups) ได้แก่ Amoebozoa, Opisthokonta, Rhizaria, Archaeplastida, Chromalveolata และ Excavata ด้วยระบบใหม่นี้ Acanthamoeba ถูกจัดอยู่ในกลุ่ม Amoebozoa (family Acanthamoebidae) (Adl et al., 2005)



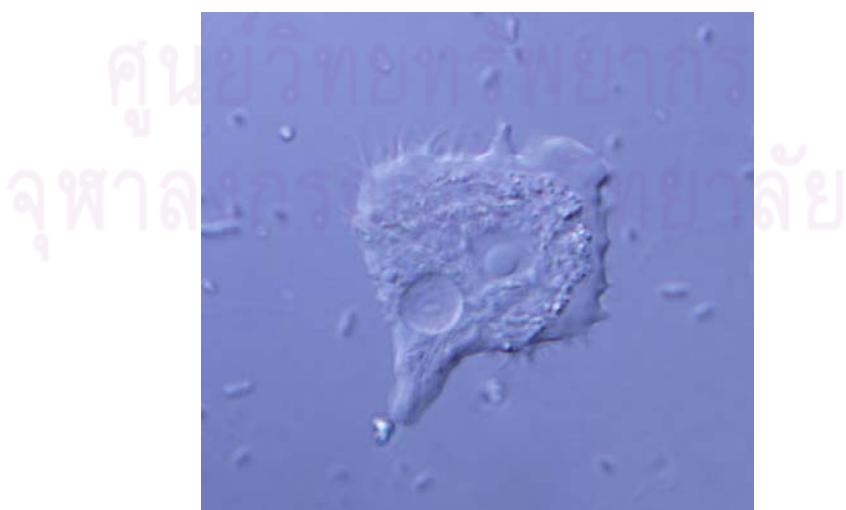
คุณวิทยทรพยากร
จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

รูปที่ 1. ลักษณะชีสต์ในกลุ่มที่ 1, 2 และ 3
(a) ชีสต์กลุ่มที่ 1, (b) ชีสต์ในกลุ่มที่ 2 และ (c) ชีสต์ในกลุ่มที่ 3

วงจรชีวิตและการเจริญเติบโตของ *Acanthamoeba*

วงจรชีวิตของ *Acanthamoeba* ประกอบด้วย 2 ระยะคือ ระยะโทรโพซอยต์และระยะซิสต์ ดังแสดงในรูปที่ 2 และ 3 สามารถเข้าสู่ร่างกายผ่านทางผิวนังที่เป็นแผล ตาและระบบทางเดินหายใจ ดังแสดงในรูปที่ 4 ปัจจุบันมีมากกว่า 24 สปีชีส์ *Acanthamoeba* ที่ก่อโรค ได้แก่ *A. castellanii*, *A. culbertsoni*, *A. hatchetti*, *A. healyi*, *A. polyphaga*, *A. rhyosodes*, *A. astronyxis* และ *A. Divisionensis* (Visvesvara et al., 2007)

ระยะโทรโพซอยต์มีขนาด 15-50 ไมโครเมตร ภายในเซลล์ประกอบด้วยนิวเคลียส 1 อัน เห็นนิวเคลียสชัดเจน มีปริมาณดีเอ็นเอร้อยละ 80 ถึง 85 ของดีเอ็นเอทั้งหมด มีไมโทคอนเดรียจำนวนมากไว้สร้างพลังงานสำหรับกระบวนการเมtabolism รวมถึงการกินอาหาร การเคลื่อนที่ การสืบพันธุ์และหน้าที่อื่น ๆ ภายในเซลล์ เอนโดพลาสมิกเรติคูลัมที่มีไว้ใบโซมมาเกะมีหน้าที่ในการสังเคราะห์โปรตีน คอนแทรคไทล์แวร์คิโอลควบคุมปริมาณน้ำและขับออกจากรูป ที่บริเวณผิวมีโครงสร้างคล้ายหนามและมีลักษณะ似ยื่นออกมานี้เรียกว่า acanthopodia เกิดจาก การหดตัวของไฮโดรพลาสตีน ใช้ในการยึดเกาะพื้นผิว การเคลื่อนที่และการจับเหยื่อกินแบคทีเรีย สาหร่ายและยีสต์เป็นอาหาร ด้วยการกินแบบ phagocytosis หรือสร้าง food cup ซึ่งเป็นโครงสร้างชั่วคราวเพื่อนำอาหารเข้าไป มีการสืบพันธุ์แบบไม่อาศัยเพศด้วยการแบ่งตัวแบบ binary fission ซึ่งใช้เวลาต่างกันในแต่ละชนิดและจีโนไทป์ ตั้งแต่ 8-24 ชั่วโมง เมื่อสภาพแวดล้อมไม่เหมาะสมแก่การ ดำรงชีพ โทรโพซอยต์จะมีกิจกรรมทางเซลล์ลดลง จะขับอาหาร น้ำและของเสียต่างๆ ออกมานี้ แล้วหดตัวแน่นสร้างผนังขึ้นมาล้อมรอบตัวเอง 2 ชั้น มีรูปร่างกลม (Marciano-Cabral & Cabral, 2003; Khan, 2006; Visvesvara et al., 2007)



รูปที่ 2. *Acanthamoeba* ในระยะโทรโพซอยต์

ระบะชิสต์มีขนาด 10-25 ไมโครเมตร มีผนัง 2 ชั้น ผนังชั้นนอก เรียกว่า ectocyst มีลักษณะเรียบหรือหยักเป็นคลื่นพับไปมา มีโปรตินและไขมันเป็นองค์ประกอบ ผนังชั้นในเรียกว่า endocyst ประกอบด้วยเซลลูโลสซึ่งไม่พบในระบะโพธิ์ฟอยด์ ผนังชั้นในมีรูปร่างหลายแบบไม่แน่นอนดังแต่ก่อน รี หรือหดหายเหลือym ผนังชิสต์อาจอยู่ชิดหรือห่างออกจากกัน บริเวณที่สัมผัสถกันจะมีรูขนาดเล็กไว้ติดต่อกับสิ่งแวดล้อมภายนอก เรียกว่า ostiole เกิดจากผนังชั้นนอกเว้าเข้ามาและผนังชั้นในยื่นออกไปบรรจบกัน เป็นช่องสำหรับให้อาหารออกมาระบุเป็นโทรฟอยด์ได้ใหม่มีจำนวนแตกต่างกันไปในแต่ละสปีชีส์ ระยะที่เพิ่งเข้าชิสต์จะยังคงเห็นคอนแทรคไทล์แวกิวโอลชิสต์มีความทนทานต่อสภาพที่แห้งแล้ง ขาดแคลนอาหาร อุณหภูมิและช่วง pH ที่กว้าง ต้านทานต่ออย่างร้าวโคล น้ำยาคลอรีน และยาปฏิชีวนะ นอกจากนี้ยังทนต่อรังสี เช่น แกมมา (250 Krads) และยูวี (800 mJ/cm²) แต่สามารถถูกทำลายได้ด้วยคลื่นไมโครเวฟและการ autoclave (Ma et al., 1990; Marciano-Cabral & Cabral, 2003; Khan, 2006; Ibrahim et al., 2007; Visvesvara et al., 2007) ระยะชิสต์สามารถแพร่กระจายไปในสิ่งแวดล้อมได้ทางอากาศ ถูกกาลที่มีฝุ่นโดยเฉพาะใน塵土ไปมั่นผลิและ塵土ไปมีร่อง จะช่วยทำให้เกิดการแพร่กระจายของชิสต์ไปในสิ่งแวดล้อม (Miyazaki et al., 2007; Niyyati et al., 2009) ชิสต์สามารถอยู่รอดได้จากการเก็บรักษาไว้ในน้ำที่อุณหภูมิห้องได้นาน 2 ปี ที่อุณหภูมิ 4 องศาเซลเซียสได้นานถึง 24 ปีและยังคงความสามารถในการก่อโรคได้ (Biddick et al., 1984; Mazur et al., 1995)

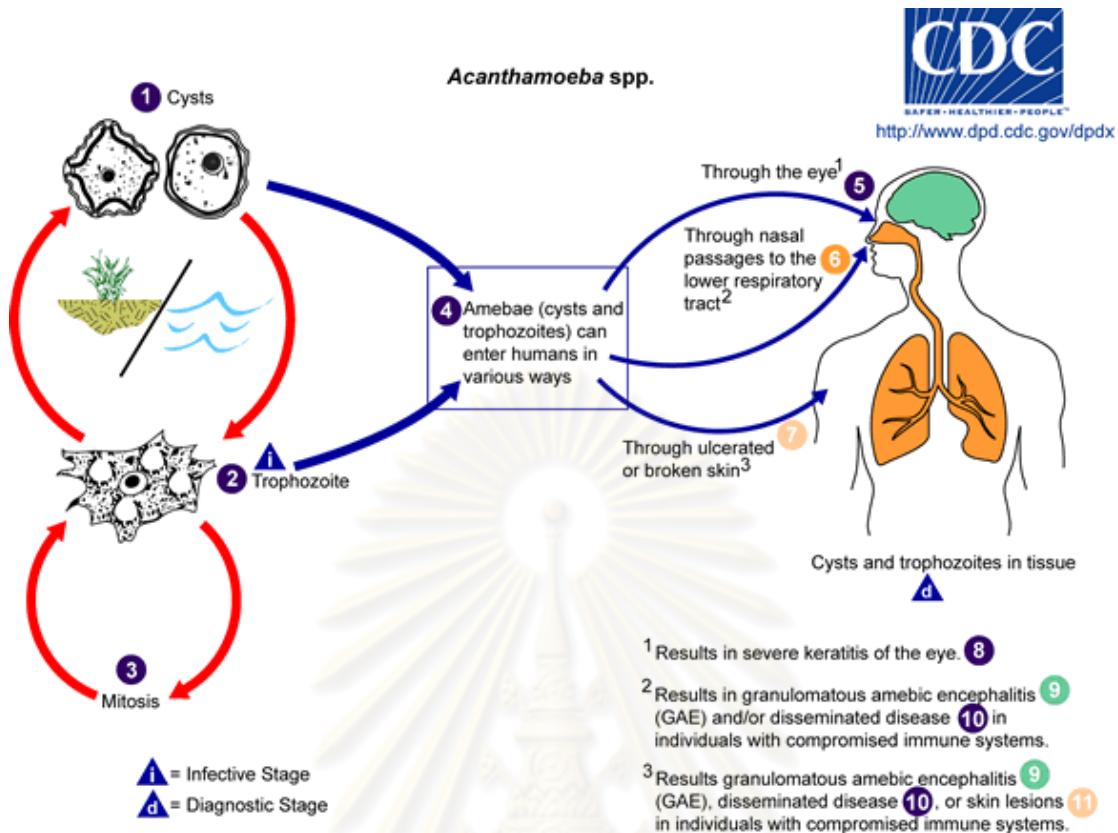


รูปที่ 3. Acanthamoeba ในระบะชิสต์

Acanthamoeba สามารถเจริญเติบโตได้ทั้งสภาพที่เป็นกรดและเบส มีค่า pH ในช่วง 4-12 แต่การก่อโรคนั้นต้องอาศัยจังหวะและช่วงเวลาที่เหมาะสม (Khan, 2003) โดยสายพันธุ์ที่ก่อโรคได้จะปรากฏ acanthopodia จำนวนมากและมีการสร้าง food cup มากขึ้น (Khan, 2001) อาศัยอยู่ได้ในดินและน้ำซึ่งมีแบคทีเรียเป็นอาหาร แหล่งน้ำที่มีอุณหภูมิอุ่นอาจช่วยเพิ่มการเจริญเติบโตในสิ่งแวดล้อมโดยเฉพาะสายพันธุ์ที่ทนความร้อนได้ (Schuster & Visvesvara, 2004a) สามารถพบได้ทั้งบริเวณผิวน้ำ (Preston et al., 2001) และตะกอนก้นแม่น้ำ (Lewis & Sawyer, 1979) โดยแบคทีเรียในแหล่งน้ำจะช่วยเพิ่มปริมาณอะมีบา (Tsvetkova et al., 2004) โดยเฉพาะแหล่งน้ำที่มีแบคทีเรียโคลิฟอร์ม (Ettinger et al., 2003)

ในธรรมชาติ *Acanthamoeba* ยังเป็นโฮสต์ให้แบคทีเรียก่อโรคหลายชนิด เช่น *Legionella pneumophila* ทำให้เกิดโรคลีเจียนแนร์ (Legionnaire's disease) (Rowbotham, 1980) *Escherichia coli* O157 ทำให้ท้องเสีย (Barker et al., 1999) *Coxiella burnetti* ทำให้เป็น Q fever (La Scola & Raoult, 2001) *Pseudomonas aeruginosa* ทำให้กระจุกตาติดเชื้อ (Micheal et al., 1995) *Vibrio cholerae* ทำให้เป็นอหิวาต์ (Thom et al., 1992) *Helicobacter pylori* ทำให้เป็นโรคกระเพาะ (Winiecka-Krusnell et al., 2002) *Simkania negevensis* ทำให้เป็นปอดบวม (Kahane et al., 2001) *Listeria monocytogenes* ทำให้เกิดโรคคลิสต์โรโอดิส (Ly & Muller, 1990) และ *Mycobacterium avium* ทำให้เกิดโรคเกี่ยวกับทางเดินหายใจ (Krishna-Prasad & Gupta, 1978; Steinert et al., 1998) นอกจากนี้ยังพบว่ามีไวรัสซึ่งมีขนาดใหญ่ (mimivirus) ถึง 1.2 Mb อาศัยอยู่ใน *Acanthamoeba polyphaga* มีชื่อว่า *Acanthamoeba polyphaga mimivirus* (APMV) (Raoult et al., 2004)

ศูนย์วิทยทรัพยากร จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย



รูปที่ 4. วงจรชีวิตของ Acanthamoeba

ที่มา <http://www.dpd.cdc.gov/dpdx/HTML/FreeLivingAmebic.htm>

ศูนย์วิทยทรัพยากร
จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

Granulomatous Amebic Encephalitis, GAE

โรคสมองอักเสบชนิดเรื้อรังหรือเนิร์บพลัตน์ (granulomatous amebic encephalitis, GAE) เกิดจากเชื้อปรสิตก่อโรค 2 ชนิด คือ *Acanthamoeba spp.* และ *Balamuthia mandrillaris* เป็นสาเหตุร้ายแรงโดยการหายใจผ่านเข้าทางโพรงจมูก ไปยังระบบประสาทส่วนกลางและสมองด้วย กระแสแลือดที่มาจากการปอดหรือบาดแผลบนผิวหนัง นอกจากนี้ยังพบการแพร่กระจายของอะมีบาที่ อวัยวะอื่น ๆ ได้แก่ ตับ ตับอ่อน ไต ต่อมหมากไต ต่อมลูกหมาก ต่อมน้ำเหลือง ไขกระดูกและข้อ กล้ามเนื้อเรียบในผนังมดลูก

อาการของโรคในระยะเริ่มต้นเป็นไปอย่างเชื่องข้าและเริ่มรุนแรงจนเกิดอาการเรื้อรังเป็นเวลานานหลายอาทิตย์หรือหลายเดือน แต่ใน *B. mandrillaris* มีระยะการก่อโรคที่นานกว่าจนถึงประมาณ 2 ปี มีอาการคล้ายกับเยื่อหุ้มสมองอักเสบจากไวรัส แบคทีเรียหรือวัณโรค ผู้ป่วยมีอาการทางจิตและพฤติกรรมเปลี่ยนแปลงไป ได้แก่ อาการสับสนมึนงง หลุดหลั่ง ฉุนเฉียบ เชื่องซึม ง่วงนอน และประสาทหลอน ปวดศีรษะ มีไข้ต่ำ คลื่นไส้อาเจียน เปื่อยอาหาร ความดันภายในกะโหลกศีรษะ เพิ่มขึ้น อัมพาตครึ่งซีก พูดไม่ได้ เกิดภาพซ้อนและเบลอ ลูกตาบวม ซัก ไม่รู้สึกตัวและเสียชีวิตด้วยภาวะสมองอักเสบ

สมองมีลักษณะบวมและอ่อน懦 บริเวณเยื่ออหุ้มสมองอาจมีหนองไหลด มีเซลล์ตายและเลือดออกหลายแห่ง พบรอยแผลได้ในบริเวณ midbrain, thalamas, brainstem, corpus callosum, cerebellum และคอในบริเวณไขสันหลัง มักแพรี่ไปยัง olfactory bud และส่วนฐานของ frontal lobe ภายในเนื้อเยื่อพบมะมีบ้าได้ทั้งระบบท่อโพไซด์และซีสต์ อาจพบ multinucleated giant cell ที่มากินมะมีบ้า และพบมะมีบ้าจำนวนมากในบริเวณซ่องว่างรอบหลอดเลือดที่มีการอักเสบในเนื้อเยื่อบริเวณนั้น ๆ หรือผังอยู่ในผนังหลอดเลือด บางครั้งพบกลุ่มของโทรโพไซด์โดยไม่มีการอักเสบของเนื้อเยื่อ (Martinez, 1991; Khan, 2005b; Khan, 2006; Visvesvara *et al.*, 2007)

การวินิจฉัยสามารถน้ำ้ไขสันหลังมาตรวัดรอบโดยปั่นตกระกอนด้วยความเร็วรอบต่ำ 250 x g เป็นเวลา 10 นาที แต่ไม่อาจพบเชื้อได้เสมอไป การย้อมด้วยสี Giemsa-Wright หรือฟูซอยต์และซิสต์ติดสีม่วงช่วยแยกแยะความแตกต่างระหว่าง lymphocyte erythrocyte และ polymorphology leukocyte ได้ (Martinez, 1991) ในน้ำ้ไขสันหลังจะมีจำนวนเม็ดเลือดขาวมากกว่าปกติ (pleocytosis) ส่วนมากเป็น lymphocyte และมีจำนวน polymorphology leukocyte เพิ่มขึ้น มีระดับโปรตีนมากขึ้นแต่น้ำ้ตาลลดลง (Marciano-Cabral & Cabral, 2003) การไม่ปรากฏไครัสและแบคทีเรียช่วยยืนยันการติดเชื้อจากอะมีบาได้ (Khan, 2005b) *Balamuthia* มีการเคลื่อนไหวที่เรียกว่า pseudopodia แผ่กว้าง มีนิวเคลียสเดี่ยง 3 อัน ขณะที่ *Acanthamoeba* มีนิวเคลียส 1 อัน ซึสต์ของ *Balamuthia* มีผนัง 3 ชั้น ผนังชั้นในหนาผนังชั้นนอกบางและไม่เรียบ

ไม่เจริญเติบโตในเพลทวุ้นที่ปราศจากสารอาหารร่วมกับแบคทีเรีย มีเพียง *Acanthamoeba* เท่านั้นที่สามารถเจริญเติบโตได้ (Visvesvara et al., 1993; Martinez et al., 2000)

Acanthamoeba ที่ฝังอยู่ในเนื้อเยื่อเมือย้อมด้วยสี Periodic acid-Schiff (PAS) จะเห็นผนังซิสต์ติดสีแดง สี Gomori methenamine silver ผนังซิสต์ติดสีดำ สี Wheatley Trichrome ผนังซิสต์ติดสีเขียว ไซโตพลาสซึมติดสีม่วงปนเขียวและคาโรโลโซมติดสีแดง (Ma et al., 1990) บางครั้งการย้อมด้วยสี hematoxylin และ eosin ไม่สามารถแยกอะมีบาหั้งสองออกจากกันได้ วิธีที่ใช้วินิจฉัยเพิ่มเติมในปัจจุบันได้แก่ การย้อมด้วย indirect immunofluorescent (IIF) และการทำ PCR ในยีน mitochondrial 16S rRNA (Laube & Kiderien, 2004; Tavare et al., 2006)

ในคนปกติทั่วไปจะมีแอนติบอดี้ซึ่งสามารถต่อต้าน *Acanthamoeba* ได้ (Cursons et al., 1980) โดยทำงานร่วมกับ neutrophil และ macrophage ในการกำจัดอะมีบาเพื่อยับยั้งการติดต่อด้วย alternative complement pathway (Khan, 2006) มักพบโรคสมองอักเสบชนิดเรื้อรังหรือเฉียบพลันในผู้ที่มีภูมิคุ้มกันบกพร่อง ผู้ที่มีอาการป่วยเรื้อรังและร่างกายอ่อนแอก่อน เช่น เอดส์ เบาหวาน ปอดอักเสบ ไตราย ตับแข็ง พิษสุราเรื้อรัง เยื่อบุโพรงมูกอักเสบ ระบบนำ้เหลืองผิดปกติ ระบบเลือดล้มเหลว โรค gammalobulinemia โรคภูมิแพ้ตัวเอง (systemic lupus erythematosus, SLE) ภาวะพร่อง glucose-6-phosphate วัณโรค มะเร็ง หนองตั้งครรภ์ รวมทั้งผู้ที่ได้รับยากดภูมิคุ้มกันเนื่องจากการปลูกถ่ายอวัยวะ ผู้ที่รับการฉายรังสี การใช้ยาสเตอรอยด์หรือมีกิจกรรมที่เกี่ยวข้องกับแหล่งน้ำที่มีการปนเปื้อน (Khan, 2005b; Khan, 2006) ในขณะที่ *B. mandrillaris* พุ่งในคนปกติและผู้ที่มีภูมิคุ้มกันบกพร่อง (Matin et al., 2008)

การรักษาเกิดจากการใช้ยาหลายตัวร่วมกันแต่ยาที่มีประสิทธิภาพในการทดลองไม่สามารถยืนยันได้ว่าจะให้ผลในการรักษาได้เสมอไป ยาตัวเดียวกันอาจรักษาผู้ป่วยได้รายหนึ่งแต่อาจรักษาไม่ได้ในอีกรายและโอกาสที่จะรักษาให้หายนั้นมีน้อยมาก (Schuster & Visvesvara, 2004a) ยาที่ใช้ในการรักษา เช่น ketoclonazole, fluconazole, sulfadiazine, pentamidine sethionate, 5-fluorocytosine (flucytosine), amphotericin B, trifluroperazine หรือ thioridizine, clarithromycin, azithromycin, itraconazole หรือ rifampin แต่ตัวยาค่อนข้างมีผลช้าๆ เนื่องจากต้องใช้เวลาอย่างน้อย 2-4 สัปดาห์ (Khan, 2005b)

Acanthamoeba ที่ทำให้เกิดโรคสมองอักเสบชนิดเรื้อรังหรือเฉียบพลัน ได้แก่ *A. culbertsoni*, *A. castellanii*, *A. ployphega*, *A. astronyxis*, *A. healyi* และ *A. divionensis* นอกจากนี้ยังสามารถก่อโรคได้ในระบบประสาทส่วนกลางของสัตว์ เช่น กอริลลา ลิงหางยาว สุนัข แกะ วัว 绵 จิงโจ้ และยังพบได้ในนก สัตว์เลี้ยงคลาน สัตว์ครึ่งบกครึ่งน้ำ ปลา หรือแมลงกระแทงสัตว์ไม่มีกระดูกสันหลัง (Visvesvara et al., 2007)

Acanthamoeba keratitis, AK

Acanthamoeba สามารถก่อโรคที่กระจกตาได้ เรียกว่า *Acanthamoeba keratitis* หรือ AK ทำให้กระจกตาอักเสบ เกิดขึ้นได้กับคนทั่วไปในผู้ที่ใส่คอนแทคเลนส์และกระจกตาไม่บัดແผล มักเกิดกับตาเพียงข้างเดียวแต่สามารถเกิด keratitis ทั้งสองข้างได้ (bilateral keratitis) และไม่สามารถนำไปสู่การติดเชื้อที่สมองได้แม้จะมีอาการม่านตาอักเสบในผู้ป่วยสมองอักเสบชนิดเรื้อรัง หรือเฉียบพลัน (Visvesvara et al., 2007) อาการที่พบ ได้แก่ น้ำตาไหล ตาบวมแดงและอักเสบ แพ้แสง อาจมีการติดเชื้อแบคทีเรียร่วมในภายหลัง ส่วนมากได้รับการวินิจฉัยผิดว่าเกิดจาก Herpes simplex virus (Khan, 2006) สามารถตรวจสอบผลด้วยการชุดกระจกตา คอนแทคเลนส์และน้ำยา เชี๊โนต์ลับคอนแทคเลนส์มาเพาะเลี้ยงในห้องปฏิบัติการและการทดสอบด้วยเทคนิค PCR (De Jonckere, 2003)

บนผิวของ trophozoite มี mannose binding protein (MBP) โดยจะไปยึดเกาะกับ mannosylated glycoproteins ที่อยู่บนรอยแผลของกระจกตาและปล่อยเอนไซม์มาย่อยเซลล์เยื่อบุผิวทำให้เกิดรอยแยกในชั้น Bowman's membrane ระหว่างชั้น collagen stroma แล้วรวมตัวกันที่บริเวณเส้นประสาททำให้เกิดเป็นรอยคล้ายวงแหวน (ring stromal infiltration) ดังแสดงในรูปที่ 5 ทำให้เกิดการอักเสบและปวดตาอย่างรุนแรง การทะลุมาจนสุดชั้น corneal endothelium นั้นพบได้น้อยมาก (Clarke & Niederkorn, 2006) ซึ่งจะมีปัจจัยที่ทำให้เกิดกระจกตาอักเสบ ได้แก่ *Pseudomonas* และ *Staphylococcus* (Giese & Weissman, 2002)



รูปที่ 5. ring stromal infiltration

ที่มา <http://www.cdc.gov/ncidod/dpd/parasites/acanthamoeba/index.htm>

Acanthamoeba keratitis มีรายงานครั้งแรกในปี ค.ศ. 1974 ที่ประเทศอังกฤษและปี ค.ศ. 1975 ที่สหรัฐอเมริกาตามลำดับ (Nagington *et al.*, 1974; Jones *et al.*, 1975) ซึ่งต่อมามีจำนวนการเกิดโรคเพิ่มขึ้นตามอัตราการใช้คอนแทคเลนส์ที่เพิ่มขึ้นและมากกว่าร้อยละ 85 พบในผู้ที่ใส่คอนแทคเลนส์ซึ่งส่วนมากขาดการดูแลรักษาที่เหมาะสม (Niederkorn, 1999) ปัจจัยเสี่ยงในการเกิดโรค ได้แก่ การว่ายน้ำและล้างหน้าขณะที่ใส่คอนแทคเลนส์ การใช้มือสกปรกใส่คอนแทคเลนส์ น้ำ ดินหรือฝุ่นกระเด็นเข้าตาที่มีบาดแผล การใช้น้ำประปา น้ำเกลือหรือน้ำยาฆ่าเชื้อที่ไม่มีประสิทธิภาพในการล้างและแข็งคอนแทคเลนส์ นอกจากนี้ในตลาดคอนแทคเลนส์ที่สกปรกจะพบ biofilm ซึ่งเป็นกลุ่มของแบคทีเรียอยู่บนผิวน้ำจะเป็นแหล่งอาหารให้แก่ Acanthamoeba (Khan, 2006) รวมทั้งเหตุการณ์น้ำท่วมในตู้ร้อน โดยจะพบผู้ป่วย keratitis เป็นจำนวนมากในช่วงตู้ร้อน และตั้นตู้ไปไม้ผล (Lane *et al.*, 1997)

อัตราการเกิด Acanthamoeba keratitis หรือ AK ในประเทศไทย ฯ เช่น สหรัฐอเมริกายู่ที่ 1.36 คนต่อผู้ใส่คอนแทคเลนส์หนึ่งล้านคน (Stehr-Green *et al.*, 1989) ยกตัวแทนด้วยอัตราการเกิดโรค 149 คนต่อผู้ใส่คอนแทคเลนส์หนึ่งล้านคน (Seal *et al.*, 1999) และห้อง Kong มีอัตราการเกิดโรค 33 คนต่อผู้ใส่คอนแทคเลนส์หนึ่งล้านคน (Lam *et al.*, 2002) ทั้งหมดเป็นเลนส์ชนิดนิ่ม (soft contact lens) ในอักรุษมีผู้ที่เป็น keratitis ใช้เลนส์ชนิดนิ่มร้อยละ 88 และเลนส์ชนิดแข็ง (hard contact lens) ร้อยละ 12 (Radford *et al.*, 2002) ในญี่ปุ่นร้อยละ 89.7 ของผู้ที่ใส่คอนแทคเลนส์ เป็นเลนส์ชนิดนิ่มร้อยละ 82.1 และเลนส์ชนิดแข็งร้อยละ 7.7 (Tachikawa *et al.*, 1995) ซึ่ง石榴ไฟฟ์อย์ต์สามารถยึดเกาะกับคอนแทคเลนส์ชนิดนิ่มที่เป็น silicone hydrogel ได้ดีกว่าเลนส์ชนิดแข็ง อาจเนื่องมาจากลักษณะโครงสร้างทางโพลีเมอร์หรือพื้นผิวของเลนส์ (Beattie *et al.*, 2003) คอนแทคเลนส์จะไปปิดกั้นการแลกเปลี่ยนออกซิเจนในอากาศทำให้ชั้นน้ำตาบางลงจึงไม่สามารถต้านทานการบุกรุกของเชื้อโรคได้ (Khan, 2005a)

นอกจากนี้ในผู้ที่รักษาสายตาสั้นด้วยการใส่คอนแทคเลนส์แบบ Orthokeratology ซึ่งเป็นเลนส์ชนิดที่ค่อนข้างแข็ง โดยจะไปปิดกั้นความโค้งของกระจกตาให้แนบรวมในเวลากลางคืน ขณะนอนหลับ การหลับตาจะทำให้เกิดภาวะพร่องออกซิเจน กระจกตาบวมและเป็นรอยได้ซึ่งเป็นการเพิ่มความเสี่ยงต่อการติดเชื้อและเป็น Acanthamoeba keratitis (Himano & Kaufman, 1997; Hutchinson & Andrew, 2002)

การรักษา Acanthamoeba keratitis สามารถทำได้ในระยะ石榴ไฟฟ์อย์ต์เนื่องจากถูกทำลายได้ด้วยยาต้านจุลชีพ โดยใช้ตัวยาที่ร่วมกันหลอยชนิด ได้แก่ chlrohexidine, polyhexamethylene biguanide (PHMB), propamidine isethionate, dibromopropamidine isethionate, neomycin, paromycin, polymyxin B, clotrimazole, ketoconazole, micronazole และ itraconazole เป็นต้น (Schuster & Visvesvara, 2004b) มีลักษณะการรักษา เช่น ให้ยา

0.02% polyhexamethylene biguanide (PHMB), 0.02% chlorhexidine digluconate (CHX) ร่วมกับสารประกอบ diamidine เช่น 0.01% propamidine (Brolene) หรือ 0.01% hexamidine (Desomedine) และไฮยา neomycin หรือ chloramphenicol เพื่อกำจัดแบคทีเรียโดยใช้ยา เฉพาะที่ทุก ๆ ชั่วโมงตลอด 24 ชั่วโมงเป็นเวลา 2-3 วัน และให้ยาทุกชั่วโมงในระหว่างวันเป็นเวลา 3-4 วัน แล้วลดเหลือเป็นทุก 2 ชั่วโมงต่อวันเป็นเวลาหลายเดือน จำนวนให้ยา 6 ครั้งต่อวันเป็นเวลา หลายเดือนจนครบปีและอาจให้ยาสเตอรอยด์ 0.01% dexamethasone เพื่อบรรเทาอาการอักเสบ (Khan, 2006) แต่ชิสต์ที่ผึ้งตัวอยู่เมื่อเปลี่ยนเป็นโทรโพซอยด์จะทำให้เกิดการติดต่อซ้ำได้ซึ่งจะทำให้ เกิดการตื้อยาและประสิทธิภาพของยาลดลง ปัจจุบันยาที่ใช้ในการรักษา ได้แก่ chlorhexidine gluconate, PHMB และ Brolene[®] ซึ่งประกอบด้วย propamidine isethionate และ dibromopropamidine isethionate (Visvesvara et al., 2007) โดย PHMB ที่ความเข้มข้นร้อยละ 0.02 สามารถฆ่าเชื้อมีบ้าได้ทั้งระยะชิสต์และโทรโพซอยด์ โดยไม่เป็นพิษต่อร่างกายในขณะที่ propamidine isethionate เป็นพิษต่อร่างกายได้ (Illingworth & Cook, 1998) ในรายที่ต้อง ทำการลอกกระเพาะปัสสาวะที่ต้องทำการรักษาด้วยยากำจัดเชื้ออีกครั้งหนึ่งน้อย 6 เดือน (Azuara-Blanco et al., 1998)

Acanthamoeba ที่สามารถก่อโรคกระเพาะปัสสาวะได้แก่ *A. castellani*, *A.culbertsoni*, *A. polyphaga*, *A. hatchetti*, *A. rhysodes*, *A. lungdunesis*, *A. quina*, *A. griffini* (Niederkorn, 1999), *A. griffini* (Ledee et al., 1996) และ *A. triangularis* (Jongwutiwes et al., 2000)

ศูนย์วิทยทรัพยากร
จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

การเพาะเลี้ยง (Cultivation)

การเพาะเลี้ยง *Acanthamoeba* ในห้องปฏิบัติการสามารถทำได้โดยการเลี้ยงในเพลทวุ่นที่ปราศจากสารอาหาร (non-nutrient agar plate) ร่วมกับแบคทีเรียแกรมลบ เป็นการเลี้ยงแบบ nonaxenic culture ได้แก่ *Escherichia coli* หรือ *Enterobacter aerogenes* (เดิมชื่อ *Klebsiella aerogenes*) เป็นอาหารให้แก่อะมีบา มีการแพร์พันธุ์และเพิ่มจำนวน สามารถเจริญเติบโตได้ที่อุณหภูมิห้อง (ประมาณ 25 องศาเซลเซียส) (Schuster & Visvesvara, 1998) เมื่อแบคทีเรียถูกกินจนหมดจะมีการเข้าซิสต์ (encyst) (Visvesvara et al., 2007) และออกจากซิสต์ (excyst) เมื่อมีอาหารอีกครั้งภายใน 2-3 วัน (Ma et al., 1990)

Acanthamoeba สามารถเลี้ยงในอาหารเหลวซึ่งเป็นการเพาะเลี้ยงโดยปราศจากแบคทีเรีย เรียกว่า axenic culture โดยนำอะมีบานี้ไปในระยะโโทรฟอยต์จากเพลทวุ่นมาปั่นล้างให้สะอาดด้วยน้ำกลันหรือน้ำเกลือเพื่อกำจัดแบคทีเรีย นำไปเลี้ยงต่อในอาหารเหลว (PYG medium) ซึ่งมี proteose peptone, yeast extract และ glucose เป็นส่วนประกอบและให้ยาปฏิชีวนะเพื่อฆ่าหรือยับยั้งแบคทีเรียที่เหลืออยู่ ได้แก่ penicillin ร่วมกับ streptomycin หรือให้ gentamicin เพียงอย่างเดียว (Visvesvara et al., 2007) บางสายพันธุ์ไม่สามารถเลี้ยงในอาหารเหลวหรือเจริญเติบโตได้ยากโดยเฉพาะอะมีบที่มีลักษณะซิสต์ในกลุ่มที่ 1 (Ubelaker, 1991) อาหารเลี้ยงเชื้ออื่น ๆ ได้แก่ Oxoid medium (Cline medium) ที่มีชีวิตและยีนีเป็นส่วนประกอบด้วยซึ่งเป็นอาหารที่ใช้ในการเลี้ยง *Naegleria* (Marciano-Cabral, 1988) หรือเลี้ยงร่วมกับเซลล์ชนิดต่าง ๆ เช่น African green monkey kidney (Vero), human embryonic kidney (HEK), HeLa, B103 rat neuroblastoma, และ L929 fibroblasts เป็นต้น (Cursons & Brown, 1978; De Jonckheere, 1980; Pettit et al., 1996)

ศูนย์วิทยาศาสตร์
จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

อนุชีววิทยาของ *Acanthamoeba*

การจัดลำดับความสัมพันธ์ภายในจีนัส *Acanthamoeba* จากลักษณะสัณฐานวิทยาของ ชีสต์ Pussard และ Pons (1977) ได้พิจารณา *Acanthamoeba* จำนวน 18 สปีชีส์แบ่งออกเป็น 3 กลุ่ม แต่ลักษณะดังกล่าวในสภาวะการเพาะเลี้ยงมีความไม่แน่นอนซึ่งประจุไฟฟ้าในอาหารเหลว ทำให้ชูร่างของผนังชีสต์เปลี่ยนแปลงไป (Sawyer & Griffin, 1975) เมื่อ Costal และ Griffiths (1984) ได้พิจารณาลักษณะ isoenzyme ของ *A. echinulata* และ *A. comandoni* ที่มีลักษณะ ของชีสต์อยู่ในกลุ่มที่ 1 พบร่วมกับความคล้ายกันมากและสอดคล้องกับการศึกษาของ De Jonckheere (1987) ว่า isoenzyme ของ *A. echinulata* มีความใกล้เคียงกับ *A. comandoni* และจากลักษณะ isoenzyme ของชีสต์ในกลุ่มที่ 2 พบร่วม *A. paradvionensis* และ *A. divionensis* มีความใกล้เคียงกัน แต่มีความแตกต่างกันภายใต้สายพันธุ์ในกลุ่มของ *A. castellanii* อย่างไรก็ตาม isoenzyme ของ *A. mauritaniensis* กลับมีความคล้ายคลึงกับ สายพันธุ์ของ *Acanthamoeba* ในกลุ่มของ *A. castellanii* ขณะที่ isoenzyme ของ *A. divionensis* และ *A. quina* กลับแตกต่างออกไป นอกจากนี้ในกลุ่มของสายพันธุ์ใน *A. triangularis* ซึ่งมี ลักษณะที่ไม่ก่อโรคและไม่สามารถเจริญเติบโตได้ดีที่อุณหภูมิ 37 องศาเซลเซียสนั้นมีลักษณะ isoenzyme แตกต่างไปจาก *A. hatchetti* ซึ่งสามารถก่อโรคได้ในหนู mice และเจริญได้ที่อุณหภูมิ สูง แต่มีบางสายพันธุ์ของ *A. triangularis* สามารถก่อโรคได้ปานกลางและเจริญเติบโตได้ที่ อุณหภูมิสูงนั้นมีลักษณะ isoenzyme คล้ายกับ *A. hatchetti*

Moura, Wallace และ Visvesvara (1982) ได้พบความลงตัวระหว่างลักษณะ isoenzyme และกลุ่มของชีสต์ แต่ครอบคลุมเพียง isolated ของ *A. castellanii* Castellani ที่มีลักษณะของ ชีสต์ในกลุ่มที่ 2 เพียง isolated เดียว และจากลักษณะของชีสต์ในกลุ่มที่ 3 ขณะที่ Daggett, Sawyer และ Nerad (1982) พบร่วม *A. culbertsoni* มีลักษณะ isoenzyme ที่แตกต่างไปจาก สปีชีส์ที่เหลือ ซึ่ง De Jonckheere (1987) เห็นว่า *A. pustulosa* และ *A. palestinensis* มีลักษณะ isoenzyme ที่คล้ายกันแต่ Costal และ Griffiths (1984) พบร่วม acid phosphataes และ esterase isoenzyme ของ 2 สปีชีส์นี้แตกต่างกันอย่างสิ้นเชิง ชีสต์แต่ละกลุ่มจึงมีลักษณะ isoenzyme ที่แตกต่างกันไปแม้จะเป็นชีสต์ภายใต้ภูมิอากาศต่างๆ ดังนั้nlักษณะของ isoenzyme จึงไม่มีความลงตัวและไม่สามารถนำรวมกับการแบ่งลักษณะของกลุ่มชีสต์ได้ (Visvesvara, 1991) การศึกษาลำดับเบสใน mitochondrial DNA เป็นบริเวณที่มีความหลากหลาย ของลำดับเบส สามารถใช้หาความสัมพันธ์ระหว่างสปีชีส์และสายพันธุ์ที่แบ่งโดยลักษณะชูร่างของ ชีสต์ได้ด้วย RFLP และ Isoenzyme มีข้อจำกัดเนื่องจากต้องใช้ trophont จากการเลี้ยงแบบ axenic ที่ปราศจากแบคทีเรียซึ่งบางสายพันธุ์ไม่สามารถเจริญเติบโตได้และเป็นวิธีที่มีความยุ่งยาก

จึงได้มีการศึกษาใน mitochondrial 16S rRNA gene และ nuclear small-subunit rRNA gene (RNS) หรือ 18S rRNA gene ด้วยวิธี polymerase chain reaction หรือ PCR สามารถใช้ troponyotest® เจริญเติบโตในเพลทเลี้ยงเชื้อได้ (De Jonckheere & Weekers, 1997; Kilvington et al., 2004) โดย Vodkin และคณะ (1992) ได้ออกแบบไพร์เมอร์ ACARNA1383 for และ ACARNA1655rev ที่จำเพาะต่อยีน 18S rRNA ของ *Acanthamoeba* ขยายลำดับเบสทำแท่งที่ 1383 ถึง 1655 แต่สามารถตรวจสอบได้เพียงบางสายพันธุ์เท่านั้น Lehman และคณะ (1998) ได้ใช้ไพร์เมอร์คู่ดังกล่าวและออกแบบไพร์เมอร์ PIGP2379for และ PIGP2632rev ขยายลำดับเบส ทำแท่งที่ 1853 ถึง 2079 ในการพิสูจน์ *Acanthamoeba* จาก keratitis แต่จากการใช้ ACARNA1383-1655 และ PIGP2379-2632 พบร่วมกับคลุมไปถึงอะมีบ้าที่ดำรงชีพในจีนัส ใกล้เคียงคือ *Balamuthia* และ *Hartmannella* ดังนั้นไพร์เมอร์สองคู่นี้จึงไม่จำเพาะต่อจีนัส *Acanthamoeba* (Schroeder et al., 2001) และไพร์เมอร์ 66-585 มีความจำเพาะต่อจีโนไทป์ของ *Acanthamoeba* ที่มีลักษณะซึสต์จากกลุ่มที่ 2 และ 3 เท่านั้น (Kim et al., 1997)

ภายในยีน 18S rRNA เป็นบริเวณที่ลำดับเบสมีความหลากหลายสูง Stothard และคณะ (1998) ได้เพิ่มจำนวนดีเอ็นเอของยีนดังกล่าวโดยใช้ไพร์เมอร์ SSU1 และ SSU2 ซึ่งมีความจำเพาะต่อจีนัส *Acanthamoeba* มีความยาวทั้งหมดประมาณ 2,300 - 2,700 คู่เบส โดย *Acanthamoeba* ที่มีลักษณะซึสต์ในกลุ่มที่ 2 และ 3 มีความยาวประมาณ 2,300 คู่เบสและ *Acanthamoeba* ที่มีลักษณะซึสต์ในกลุ่มที่ 1 ได้แก่ *A. astronyxis*, *A. castellani* และ *A. tubioshi* มีความยาวประมาณ 2,600 - 2,700 คู่เบส สามารถแบ่ง *Acanthamoeba* ออกเป็นลักษณะตามความแตกต่างของลำดับเบสอย่างน้อยร้อยละ 5 ขึ้นไปได้ 12 กลุ่มหรือจีโนไทป์ซึ่งปัจจุบันมีถึง 15 จีโนไทป์ จากการค้นพบของ Horn, Gast และ Hewett สามารถแยกจีโนไทป์ที่ T13, T14 และ T15 ได้ตามลำดับ (Horn et al., 1999; Gast et al., 2001; Hewett et al., 2003) ความหลากหลายของยีน 18S rRNA ใน *Acanthamoeba* แบ่งเป็นบริเวณใหญ่ๆ ได้ 3 บริเวณ คือ diagnosis fragment (DF) 1, 2 และ 3 ในทำแท่งเบสที่ 178-335 (DF1), ทำแท่งที่ 705-926 (DF2) และทำแท่งที่ 1175-1379 (DF3) ตามลำดับ Schoeder และคณะได้ศึกษาทำแท่งนี้อย่างรายในยีน 18S rRNA คือ ASA.S1 ซึ่งอยู่ในทำแท่งเบสที่ 1271-1383 ภายในบริเวณ DF3 โดยใช้ไพร์เมอร์ JDP1-JDP2 สามารถตรวจหา *Acanthamoeba* ได้ 11 จีโนไทป์จากทั้งหมด 12 จีโนไทป์ คือ T1-T8 และ T10-T12 (Schoeder et al., 2001) พบร่วมกับบริเวณที่มีความหลากหลายโดยเฉพาะภายในจีโนไทป์ T4 (Booton et al., 2002; Di Cave et al., 2008) ในปี ค.ศ. 2006 ได้มีการเริ่มทำ real-time PCR ในยีน 18S rRNA โดย Rivere และคณะ (2006) ไพร์เมอร์และตัวตรวจสอบที่ใช้ถูกออกแบบให้พบได้ในลำดับเบสที่ทำให้เกิด keratitis 6 ชนิด และมีความจำเพาะต่อ *A. castellanii* ATCC 30234 ทั้งในระยะ troponyotest® และระยะซึสต์ (Rivere et al., 2006)

เมื่อจัดกลุ่มของลักษณะชิสต์เข้ากับชนิดของจีโนไทป์พบว่า ชิสต์กลุ่มที่ 1 ประกอบด้วย จีโนไทป์ T7, T8 และ T9 ชิสต์กลุ่มที่ 2 ประกอบด้วยจีโนไทป์ T3, T4 และ T11 และชิสต์กลุ่มที่ 3 ประกอบด้วยจีโนไทป์ T1, T2, T5, T6, T10 และ T12 โดยจีโนไทป์ส่วนใหญ่มีลักษณะของชิสต์จากกลุ่มที่ 2 และ 3 (Stothard et al., 1998) Booton และคณะ (2005) ได้จัดให้จีโนไทป์ T14 และ T15 อยู่ในชิสต์กลุ่มที่ 3 และจีโนไทป์ T1 อยู่ในชิสต์กลุ่มที่ 2 โดยแต่ละจีโนไทป์ที่แพร่กระจายไปในสิ่งแวดล้อม มีความสามารถในการก่อโรคและความรุนแรงแตกต่างกัน จีโนไทป์ที่พบมากที่สุดทั่วโลก ได้แก่ จีโนไทป์ T4 แต่ในอิหร่านกลับพบจีโนไทป์ T2 มากที่สุด รองลงมาเป็นจีโนไทป์ T4 (Booton et al., 2004; Maghsoud et al., 2005) มากกว่าร้อยละ 90 ของผู้ป่วย *Acanthamoeba keratitis* เป็นสายพันธุ์ที่เกี่ยวข้องกับจีโนไทป์ T4 และยังเป็นจีโนไทป์หลักที่ก่อโรคสมองอักเสบชนิดเรื้อรังหรือเฉียบพลันและโรคผิวหนังอักเสบกึ่งเฉียบพลัน (Khan, 2006) และพบมากในสัตว์ เช่น จากปลา拿出 จีดและกระอกป่า เป็นต้น (Taylor, 1977; Dykova et al., 1999; Dykova & Lom, 2004; Lorenzo-Morales et al., 2007) สปีชีส์ที่มีจีโนไทป์ T4 ได้แก่ *A. castellanii* และ *A. polyphaga* เป็นจีโนไทป์ที่พบก่อโรคในคนมากที่สุด (Booton et al., 2002, 2005) ปัจจุบันมีจีโนไทป์ที่สามารถก่อโรคได้ คือ T1, T2, T3, T4, T5, T6, T7, T10, T11, T12 และ T15 (Khan, 2006; Visvesvara et al., 2007; Di Cave et al., 2008; Walochnik et al., 2008) โดยจีโนไทป์ที่มีความเกี่ยวข้องกับ keratitis ได้แก่ T2, T3, T4, T5, T6, T11 และ T15 ส่วนจีโนไทป์ที่ทำให้เกิดโรคสมองอักเสบชนิดเรื้อรังหรือเฉียบพลัน ได้แก่ T1, T2 (strain BS04), T4, T7, T10 และ T12 ดังแสดงในตารางที่ 1 (Ledee et al., 1996; Stothard et al., 1998; Walochink et al., 2000; Khan et al., 2002; Maghsoud et al., 2005; Spanakos et al., 2006; Di Cave et al., 2008)

ศูนย์วิทยทรัพยากร จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

ตารางที่ 1. จีโนไทป์ใน *Acanthamoeba* ที่เกี่ยวข้องกับโรคระบาดต่อสืบและโรคเยื่อหุ้มสมอง
อักเสบชนิดเรื้อรังหรือเฉียบพลัน (ดัดแปลงตารางจาก Khan, 2006)

Acanthamoeba genotype	Human disease association
T1	Encephalitis
T2 (BS04)	Encephalitis (Walochnik <i>et al.</i> , 2008)
T2A†	Keratitis
T2B† (CCAP 1501/3c)	NA
T3	Keratitis
T4*	Encephalitis, Keratitis
T5	Keratitis
T6	Keratitis
T7	Encephalitis (Visvesvara <i>et al.</i> , 2007)
T8	NA
T9	NA
T10	Encephalitis
T11	Keratitis
T12	Encephalitis
T13	NA
T14	NA
T15	Keratitis (Di Cave <i>et al.</i> , 2008)

† จีโนไทป์ T2 ถูกแบ่งเป็น T2A และ T2B โดย Maghsoud และคณะ (2005)

* จีโนไทป์ที่พบมากที่สุดทั้ง 2 โรค

NA ยังไม่พบโรคที่เกี่ยวข้อง

บทที่ 3

วิธีดำเนินการวิจัย

รูปแบบการวิจัย

เป็นการศึกษาเชิงพรรณนา (descriptive study)

วัตถุประสงค์ของการวิจัย

เพื่อศึกษาความหลากหลายของ *Acanthamoeba* ที่กากกระจายตัวอยู่ในธรรมชาติจากแหล่งน้ำในเขตกรุงเทพมหานครและปริมณฑลและทำการแยกจีโนไทป์ที่ค้นพบเทียบกับ *Acanthamoeba* ที่พบก่อโรคในคนจากผู้ป่วยติดเชื้อที่รับการวินิจฉัยจากโรงพยาบาลจุฬาลงกรณ์

คำจำกัดความที่ใช้ในการวิจัย

ประชากรเป้าหมาย (target population) คือ ตัวอย่าง *Acanthamoeba* ที่พบจากแหล่งน้ำในเขตกรุงเทพมหานครและปริมณฑลและบางตัวอย่างจากผู้ป่วย

ประชากรตัวอย่าง (population sample) คือ *Acanthamoeba* ที่ได้จากการตัวอย่างในเขตกรุงเทพมหานครและปริมณฑลและจากตัวอย่างผู้ป่วยโรงพยาบาลจุฬาลงกรณ์

ปฏิกิริยาลูกลิซโซเมอร์เรส (polymerase chain reaction) เป็นวิธีการเพิ่มปริมาณดีเอ็นเอเฉพาะส่วนอย่างจำเพาะในหลอดทดลอง โดยอาศัยเอนไซม์จำเพาะเป็นตัวเร่งการเกิดปฏิกิริยาภายใต้สภาวะที่เหมาะสม

ขนาดของกลุ่มประชากร

การคำนวณตัวอย่างอาศัยข้อมูลจากการสำรวจประเมินว่าที่ดำรงชีพในประเทศไทยแหล่งน้ำในประเทศไทยในช่วงเดือนมีนาคมถึงเมษายน พ.ศ.2541 โดยดวงพรและคณะ (2001) ซึ่งพบ *Acanthamoeba spp.* ในแหล่งน้ำจืดภายนอกกรุงเทพมหานคร ร้อยละ 30 ตั้งนั้นจึงกำหนดให้มี

มีอัตราความซุกของอะแคนಥามีบ้า 30% ($P = 0.3$)

และกำหนดให้มีค่าความคลาดเคลื่อนได้ไม่เกิน 5% ($d = 0.05$)

กำหนดให้ระดับความเชื่อมั่นในการสรุปข้อมูล 95%

$$\text{สูตร } Z_{\alpha/2} = Z_{0.05/2} = 1.96 \text{ (two tail)}$$

$$P = อัตราการความซุก = 0.30$$

$$Q = 1 - 0.30 = 0.70$$

$$d = \text{acceptable error} = 0.05$$

n = ขนาดตัวอย่าง

$$\text{แทนค่าสูตร} \quad n = Z^2 \alpha_2 PQ/d^2$$

$$n = (1.96)^2 (0.30)(0.70)/(0.05)^2$$

$$n = 323 \text{ ตัวอย่าง}$$

เกณฑ์การเลือกสถานที่ในการสำรวจ

การสำรวจแหล่งน้ำในเขตกรุงเทพและปริมณฑลได้จำแนกสถานที่ตามลักษณะ ดังนี้

1. สวนสาธารณะ
2. สถานศึกษา
3. ชุมชน
4. คลอง

โดยลักษณะของแหล่งน้ำแบ่งได้เป็นแหล่งน้ำปิด เช่น บึง สร่าน้ำหรือคูน้ำและแหล่งน้ำไหลได้แก่ คลอง เป็นต้น ทำการเก็บตัวอย่างข้าวย่างน้อย 3 ครั้งในสถานที่ที่มีการพบร่องรอยของ Acanthamoeba โดยเก็บตัวอย่างน้ำไม่ต่ำกว่า 2 ตัวอย่าง จากแหล่งน้ำแต่ละแหล่ง

ศูนย์วิทยทรัพยากร
จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

แผนที่ในการศึกษา



รูปที่ 6. แสดงพื้นที่ในเขตกรุงเทพมหานครและปริมณฑล

การศึกษาครั้งนี้ได้ทำการเก็บตัวอย่างพื้นที่ในเขตกรุงเทพมหานคร ได้แก่ เขตบางเขน เขตจตุจักร เขตลาดพร้าว เขตบึงกุ่ม เขตมีนบุรี เขตวังทองหลาง เขตบางกะปิ เขตดินแดง เขตปทุมวัน เขตลาดกระบัง เขตประเวศ เขตคลองชัน เขตบางขุนเทียนและปริมณฑล ได้แก่ จังหวัด ปทุมธานีและนนทบุรี

การเก็บตัวอย่างน้ำ

เตรียมขวดพลาสติกเปล่าสะอาดขนาด 500 มิลลิลิตร ทำการเก็บน้ำบริเวณผิวน้ำ ปิดฝา ขวดให้แน่น พื้นผิวน้ำค่า pH และอุณหภูมิ ณ แหล่งน้ำที่เก็บตัวอย่าง

การเก็บตัวอย่างจากผู้ป่วย

ในระหว่างการศึกษานี้จะทำการเก็บรวบรวมตัวอย่างจากผู้ป่วยทุกรายที่ส่งตรวจหาเชื้อ *Acanthamoeba* ณ หน่วยปฏิบัติการวิจัย อนุชีววิทยาของมาลาเรียและปรสิตด้วยโอกาส

เครื่องมือและสารเคมีที่ใช้ในการวิจัย

อุปกรณ์

เครื่องปั่นความเร็วสูงที่ควบคุมอุณหภูมิและเวลาได้ (high speed refrigerated microcentrifuge, Tomy)

เครื่องปั่นความเร็วสูงขนาดเล็ก

เครื่องซั่งน้ำหนักละเอียดอ่านค่าได้ทันที 4 ตำแหน่ง

ตู้เย็น 4 องศาเซลเซียส

ตู้เย็น -20 องศาเซลเซียส

ตู้เย็น -80 องศาเซลเซียส

ไมโครพิเพตต์อัตโนมัติ (automatic adjustable micropipette) ขนาด 10, 100 และ 1,000 ไมโครลิตร

กล้องจุลทรรศน์แบบส่องกลับ (Inverted microscope)

เครื่องควบคุมอุณหภูมิและเวลาอัตโนมัติ (PCR cycle)

เครื่องแยกแกลบดีเอ็นเอโดยกระแสไฟฟ้า

เครื่องวัดความเป็นกรด-ด่าง

ตู้ปลอดเชื้อ (laminar flow)

ตู้เลี้ยงเชื้อพร้อมเครื่องเขย่า

ตู้อบสำหรับเพาะเชื้อ

ตู้อบแห้ง

เทอร์มอยมิเตอร์

หม้อน้ำปลอดเชื้อภายในตัวให้ความดันและอุณหภูมิสูง

หน้ากากกันแสงอุลดร้าไวโอลেต

แหล่งกำเนิดแสงอุลดร้าไวโอลেต

กล้องถ่ายภาพดิจิตอล

เครื่องยิงกระแสไฟฟ้า (*E.coli* pulser)

นาฬิกาจับเวลา
 อ่างน้ำปรับอุณหภูมิ
 เครื่องจ่ายกระแทกไฟฟ้า
 เครื่องไมโครเวฟ
 Vortex mixer

วัสดุ

กรอบบอคตวง ขนาด 10, 50, 100 และ 1000 มิลลิตร
 กล่องไฟฟ้าสำเนาเข็ง
 กรดาชติดฉลาก
 กล่องพลาสติก
 ขวดเลี้ยงเชือในอาหารเหลว
 ขวดสำหรับใส่สารเคมี
 ขวดสำหรับเก็บน้ำ ขนาด 500 มิลลิตร
 ถุงมือยาง
 ถุงพลาสติก
 ที่วางหลอดทดลอง สำหรับหลอดขนาด 0.5 และ 1.5 มิลลิตร
 แท่งแก้วสำหรับคน
 ปากกา label
 บีกเกอร์ ขนาด 10, 50, 100, 200, 500, 1000 มิลลิตร
 ปิเปตต์ทิพ (pipette tip) ขนาด 10, 100, 1000 ไมโครลิตร
 ปิเปตต์แก้ว (plasture pipette)
 ใบมีดผ่าตัด
 พาราฟิล์ม
 เพลทพลาสติก
 ไม้จิมฟัน
 หลอดทดลองขนาดเล็กชนิดมีฝาปิด (microtube) ขนาด 0.1, 0.5, 1.5 มิลลิตร
 สำลี
 หนังยาง

สารเคมี

1. สารเคมีทั่วไป

absolute ethanol

absolute methanol

agar

agarose

agarose, low gelling temperature

calcium chloride

cleaning solution

disodium ethylenediamine tetracetic acid (EDTA)

disodium hydrogen phosphate

double distilled water

ethidium bromide

ferric ammonium sulfate

glucose

glycerol

magnesium sulfate

mineral oil

potassium phosphate, dibasic

potassium phosphate, monobasic

proteose peptone

sodium oxaloacetate

sodium chloride

sodium citrate

sodium phosphate, dibasic

yeast extract

2. สารเคมีที่เป็น Reagent Kit

QIAGEN DNA Extraction Kit

QIAGEN DNA Purification Kit

QIAGEN Gel Extraction Kit

PCR Reagent Kit

pGEM[®] – T Easy Vector System

ABI Prism BigDye Terminator Cycle Sequencing Ready Reaction Kit

3. เอ็นไซม์

proteinase K

Ex *Taq* polymerase

T4 DNA ligase

4. Oligonucleotides

ACAN 18S F0 : 5'- TCCTGCCAGTAGTCATATGC -3'

ACAN 18S F1 : 5'- GCTTGTCTCAAAGATTAAAGC -3'

ACAN 18S F2 : 5'- ACAATACAGGCGCTCGATAA -3'

ACAN 18S F3 : 5'- CAGAGGTGAAATTCTTGG -3'

ACAN 18S F4 : 5'- AACGAGACCTAACCTGC -3'

ACAN 18S R0 : 5'- CTTCTCCTTCCTCTAAATGGT -3'

5. ดีเอ็นเอมาตรฐาน

λ *Hind* III marker

การแยกเชื้อ *Acanthamoeba*

การเพาะเลี้ยงเชื้อใน 1.5% non-nutrient agar plate

นำตัวอย่างน้ำม้าปั่นตกรตะกอนด้วยความเร็ว 2,600 rpm เป็นเวลา 10 นาที นำตะกอนที่ได้เทลงบนเพลทวุ้นที่ปราศจากสารอาหารจากนั้นเติม *Escharichia coli* ที่ผ่านความร้อนที่อุณหภูมิ 60 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 30 นาที โดยเทลงบนผิวน้ำวุ้น ทำการตรวจสอบเพลททุกวันด้วยกล้อง Inverted microscope เป็นระยะเวลาต่อเนื่อง 1 สัปดาห์ เมื่อพบ *Acanthamoeba* ให้ทำการแยกเชื้อจนไม่มีสิ่งมีชีวิตอื่นปะปนและนำระบบทิโตรโฟซอยด์ที่แยกได้ไปสกัดดีเอ็นเอ

ตัวอย่างจากเหงือกปลาให้ตัดเหงือกปลาเป็นชิ้นเล็ก ขนาดประมาณ 1 เซนติเมตร ลงในภาชนะและเติมน้ำกลันให้ท่วม ทำการผสมให้น้ำและเหงือกปลาให้เข้ากัน นำน้ำที่ได้ไปลีบในเพลทเดียวกัน

ตัวอย่างจากผู้ป่วยที่เป็นค่อนเทคโนโลย์และตับค่อนเทคโนโลย์ นำน้ำกลันล้างค่อนเทคโนโลย์และภายในตับค่อนเทคโนโลย์ให้ทั่ว นำน้ำที่ได้ไปลีบต่อในเพลทเดียวกัน

การสกัดดีเอ็นเอ

1. นำ troflophenyl ที่ได้จากการเพาะลีบมาปั่นตกรากอนด้วยความเร็ว 1,500 rpm เป็นเวลา 10 นาที ปีเปตส่วนใสทิ้งไป
2. ทำการสกัดดีเอ็นเอโดยใช้ ชุดสกัดของบริษัท QIAGEN โดยการดูดน้ำลีบเชือที่มี troflophenyl ไมโครลิตรา มาเติมบัฟเฟอร์ ATL 160 ไมโครลิตรา และผสมให้เข้ากัน
3. เติม Proteinase K 20 ไมโครลิตรา ผสมให้เข้ากัน และนำไปปั่นให้ทุนหมุน 56 องศาเซลเซียส ประมาณ 12 ชั่วโมง หรือจนกว่าตัวอย่างจะถูกย่อยเป็นเนื้อเดียวกัน
4. นำหลอดที่ปั่นไว้มาเติมบัฟเฟอร์ AL 200 ไมโครลิตรา ผสมให้เข้ากัน และนำไปปั่นที่อุณหภูมิ 70 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 10 นาที
5. เติม เอทานอล (96-100%) 200 ไมโครลิตรา และผสมให้เข้ากัน
6. ดูดสารละลายในหลอด ใส่ลงใน QIAamp spin column และนำไปปั่นด้วยเครื่องปั่นความเร็วสูง 8000 rpm เป็นเวลา 1 นาที จากนั้นจึงนำ QIAamp spin column มาใส่ใน collection tube หลอดใหม่
7. เติม บัฟเฟอร์ AW1 500 ไมโครลิตรา และนำไปปั่นด้วยเครื่องปั่นความเร็วสูง 8000 rpm เป็นเวลา 1 นาที จากนั้นจึงนำ QIAamp spin column มาใส่ใน collection tube หลอดใหม่
8. เติม บัฟเฟอร์ AW2 500 ไมโครลิตรา และนำไปปั่นด้วยเครื่องปั่นความเร็วสูง 14000 rpm เป็นเวลา 3 นาที จากนั้นจึงนำ QIAamp spin column มาใส่ใน collection tube หลอดใหม่ และนำไปปั่นด้วยเครื่องปั่นความเร็วสูง 14000 rpm เป็นเวลา 1 นาที
9. นำ QIAamp spin column มาใส่ใน collection tube หลอดใหม่ เติม บัฟเฟอร์ AE และทิ้งไว้ที่อุณหภูมิห้อง เป็นเวลา 5 นาที และจึงนำไปปั่นด้วยเครื่องปั่นความเร็วสูง 8000 rpm เป็นเวลา 1 นาที
10. ดูดดีเอ็นเอที่ได้เก็บไว้ในหลอดทดลองขนาดกลาง 0.5 มิลลิลิตร นำดีเอ็นเอที่สกัดได้เก็บไว้ที่ -20 องศาเซลเซียส เพื่อใช้เป็น template สำหรับทำ PCR ต่อไป

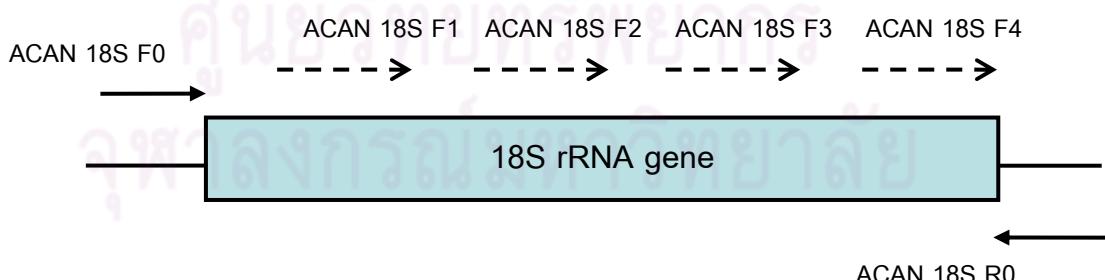
การออกแบบ oligonucleotides สำหรับใช้เป็น PCR Primer

การออกแบบ Primer โดยเปรียบเทียบลำดับนิวคลีอิโ Ikeda ที่สมบูรณ์ของ nuclear small-subunit rRNA gene (RNS) หรือ 18S rRNA gene ของจีโนไทป์ T1-T15 เป็นต้นแบบ โดยข้างต้นข้อมูลจาก 0 www.ncbi.nlm.nih.gov หมายเลข U07416 ของ *A. castellanii* strain Neff ATCC 50373 ทำการออกแบบ primer โดยคำนวณจากสูตรอุณหภูมิหลอมตัว (Melting temperature, Tm) ของ primer

$$Tm = 4(G+C) + 2(A+T)$$

ข้อควรระวังในการออกแบบ primer คือ

1. ต้องคำนึงถึงความยาวของ primer ซึ่งควรมีความยาว 20-30 นิวคลีอิโ Ikeda ประกอบด้วยเบสชนิด guanine และ cytosine ประมาณร้อยละ 50-60 ขึ้นไป และมีการกระจายตัวของเบสต่างๆ เมื่อนกันกับลำดับเบสที่ต้องการจะเพิ่มจำนวน
2. ควรหลีกเลี่ยงการใช้ primer ที่มี polypurines หรือ polypyrimidine
3. ในส่วนบริเวณปลาย 3' ของ primer ไม่ควรมีลำดับเบสที่เป็น complementary กันเพื่อป้องกันการจับคู่กันเองของ primer (primer-dimer)
4. การเรียงลำดับนิวคลีอิโ Ikeda ของ primer แต่ละส่วนไม่ควรมีลำดับเบสที่เมื่อนกันเมื่ออ่านจากทิศทาง 5' ไปทาง 3' และ 3' ไปทาง 5' เพื่อป้องกันปลาย 3' ของมาจับกับ primer สายเดียวกันเกิดเป็นโครงสร้างทุติยภูมิ (secondary structure)
5. ค่า Tm ของ primer ควรใกล้เคียงกันและอยู่ในช่วง 50-80 องศาเซลเซียส



รูปที่ 7. แสดงตำแหน่งของ primer ต่าง ๆ ที่ใช้ในการทำ PCR

ACAN 18S F0 : 5'- TCCTGCCAGTAGTCATATGC -3' (ตำแหน่งเบสที่ 9-28)
 ACAN 18S F1 : 5'- GCTTGTCTCAAAGATTAAGC -3' (ตำแหน่งเบสที่ 27-46)
 ACAN 18S F2 : 5'- ACAATACAGGCGCTCGATAA -3' (ตำแหน่งเบสที่ 553-572)
 ACAN 18S F3 : 5'- CAGAGGTGAAATTCTTGG -3' (ตำแหน่งเบสที่ 1120-1137)
 ACAN 18S F4 : 5'- AACGAGACCTAACCTGC -3' (ตำแหน่งเบสที่ 1639-1656)
 ACAN 18S R0 : 5'- CTTCTCCTTCCTCTAAATGGT -3' (ตำแหน่งเบสที่ 2236-2256)

โดยในขั้นตอนการทำ PCR จะใช้ ACAN 18S F0 และ ACAN 18S R0 สำหรับในขั้นตอนการทำ
หาลำดับเบส (sequencing) จะใช้ primer ทั้ง 4 แบบ ดังแสดงในรูปที่ 6

การเพิ่มปริมาณดีเอ็นเอในหลอดทดลองโดยปฏิกิริยาลูกโซ่โพลีเมอร์เรส (PCR)

1. นำดีเอ็นเอที่สกัดได้มาใช้เป็นแม่แบบสำหรับทำ PCR โดยจะต้องใช้อุปกรณ์ประกอบที่
จำเป็นต่อการทำปฏิกิริยาต่อ 1 ตัวอย่าง ในปริมาณสารละลายสูทธิ 30 ไมโครลิตร ประกอบด้วย
ดีเอ็นเอที่สกัดได้ ความเข้มข้น 10 ng primer ทั้ง forward และ reverse ที่ความเข้มข้น 30 pmol
10X PCR Buffer, 2.5 mM MgCl₂, 2.5 mM dNTP เพื่อเป็นสารตั้งต้นของการทำปฏิกิริยา
สังเคราะห์ลำดับนิวคลีโอไทด์ Ex Taq DNA polymerase 5 units/μl เพื่อใช้เป็นเอนไซม์เร่งปฏิกิริยา
และน้ำกลั่น

2. นำหลอดที่มีส่วนผสมของการทำ PCR เข้าเครื่องควบคุมอุณหภูมิและเวลาอัตโนมัติ
ซึ่งประกอบด้วยขั้นตอนการทำให้ดีเอ็นเอแยกสาย (DNA denaturation) ที่อุณหภูมิ 94 องศา_C
เซลเซียส เป็นเวลา 1 นาที และที่อุณหภูมิ 94 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 0.4 นาที เข้าสู่ขั้นตอนการทำ
ให้ primer จับกับสายดีเอ็นเอแม่แบบ (primer-template annealing) ที่อุณหภูมิ 55 องศา_C
เซลเซียส เป็นเวลา 0.3 นาที ที่อุณหภูมิ 74 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 2 นาที และขั้นตอนการทำ
สังเคราะห์สายดีเอ็นเอ (primer extension) ที่อุณหภูมิ 72 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 5 นาที ซึ่งทำ
ปฏิกิริยาทั้งหมด 40 รอบ จากนั้นนำ PCR products ที่ได้นำไปตรวจผลิตผล PCR

การตรวจผลิตผล PCR โดยวิธี gel electrophoresis

เตรียมอะガโรสที่มีความเข้มข้นร้อยละ 1 และ 1X TBE 300 มิลลิลิตร ใน
electrophoresis chamber นำผลิตผล PCR ที่เตรียมไว้ผสมกับ loading dye 1 ไมโครลิตร หยด
ลงในหลุมเจล ซึ่งใช้ λHind III เป็นดีเอ็นเอบอกรนาด (marker) เพื่อใช้เปรียบเทียบขนาดกับ⁺
ผลิตผล PCR โดยใช้กระแสไฟฟ้า 100 โวลต์ เป็นเวลา 30 นาที หลังจากนั้นนำเจลไปย้อมด้วย

ethidium bromide 15 นาที นำไปปดูกาเรื่องแสงของดีเอ็นเอ ภายในได้แสงคุณภาพไว้เพื่อวัดขนาดของแอบดีเอ็นเอ โดยเปรียบเทียบกับดีเอ็นเอของขนาด

การ purify PCR product โดยใช้ QIAquick PCR Purification Kit

1. ใส่ 5 เท่าของ PB buffer ต่อปริมาณ 1 เท่า PCR product และเขย่าให้เข้ากัน
อุดสารละลายทั้งหมดใส่ใน QIAquick spin column ปั่น 13,000 rpm ที่อุณหภูมิห้อง 1 นาที ทิ้งส่วนไสที่อยู่ใน collecting tube ไป และใส่กลับที่เดิม
2. เติม PE buffer ปริมาณ 750 ไมโครลิตร ใน column และปั่น 13,000 rpm ที่ อุณหภูมิห้อง เป็นเวลา 1 นาที ทิ้งส่วนไสที่อยู่ใน collecting tube และใส่หลอดกลับที่เดิม
3. ปั่นให้ QIAquick spin column แห้งที่ 13,000 rpm ที่อุณหภูมิห้อง เป็นเวลา 1 นาที จากนั้นทิ้งหลอดที่อยู่ด้านล่าง QIAquick spin column ไป นำหลอด 1.5 มิลลิลิตรมาใส่แทน
4. เติม EB buffer 30 ไมโครลิตร ตราชาก membrane ของ QIAquick spin column ตั้งทิ้งไว้ประมาณ 5 นาที และนำไปปั่น 13,000 rpm ที่อุณหภูมิห้อง เป็นเวลา 1 นาที

วิธีการทำโคลน (subclone)

1. การคัดแยกดีเอ็นเอโดยใช้ QIAquick gel extraction kit
 - 1.1 นำผลผลิต PCR มาทำ gel electrophoresis โดยใช้เจลแบบ low melting จากนั้นตัดชิ้นส่วนของ cohga โอลิสเจลบริเวณที่ปรากฏแอบดีเอ็นเอใส่ในหลอดขนาด 1.5 มิลลิลิตร และบันทึกขนาดของน้ำหนักชิ้นเจล
 - 1.2 เติม QG-buffer 3 เท่าของปริมาณเจล (1 มิลลิกรัม = 1 ไมโครลิตร)
 - 1.3 ปั่นที่อุณหภูมิ 50 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 10 นาที จนเจลละลาย
 - 1.4 ถ่ายสารละลายใส่ QIAquick spin column นำไปปั่นด้วยเครื่องปั่นความเร็วสูง 13000 rpm เป็นเวลา 1 นาที
 - 1.5 ทิ้งสารละลายใน collecting tube แล้วเติม QG-buffer 500 ไมโครลิตร นำไปปั่นด้วยเครื่องปั่นความเร็วสูง 13000 rpm เป็นเวลา 1 นาที
 - 1.6 ทิ้งสารละลายใน collecting tube แล้วเติม PE-buffer 750 ไมโครลิตร นำไปปั่นด้วยเครื่องปั่นความเร็วสูง 13000 rpm เป็นเวลา 1 นาที

- 1.7 ทิ้งสารละลายน์ใน collecting tube แล้วนำไปปั่นด้วยเครื่องปั่นความเร็วสูง 13000 rpm เป็นเวลา 1 นาที
- 1.8 เติม EB-buffer 30 ไมโครลิตร ลงใน QIAquick spin column ตั้งทิ้งไว้ที่อุณหภูมิห้องเป็นเวลา 5 นาที แล้วนำไปปั่นด้วยเครื่องปั่นความเร็วสูง 13000 rpm เป็นเวลา 1 นาที
- 1.9 ดูดดีเอ็นเอที่ได้ใส่ในหลอดขนาด 0.5 มิลลิลิตร และเก็บรักษาไว้ภายใต้อุณหภูมิ -20 องศาเซลเซียส เพื่อนำไปเชื่อมเข้าสู่พลาสมิด

2. การเชื่อมชิ้นส่วนดีเอ็นเอเข้าสู่พลาสมิด

- 2.1 เติม 2X Rapid Ligation Buffer, T4 DNA Ligation ลงในหลอดขนาด 1.5 มิลลิลิตร
- 2.2 เติม pGEM® - T Easy Vector ปริมาณ 1 ไมโครลิตร ผสมให้เข้ากัน
- 2.3 เติมดีเอ็นเอปริมาณ 3 ไมโครลิตร ผสมให้เข้ากัน
- 2.4 เติม T4 DNA Ligation ปริมาณ 1 ไมโครลิตร ผสมให้เข้ากัน
- 2.5 นำไปปั่นที่อุณหภูมิ 4 องศาเซลเซียส ประมาณ 16 ชั่วโมง

3. การตกตะกอนดีเอ็นเอลูกผสม

- 3.1 เติม absolute EtOH + 3M NaOH ปริมาณ 25 ไมโครลิตร ลงหลอดขนาด 1.5 มิลลิลิตร ที่มีดีเอ็นเอที่เชื่อมต่อ กับพลาสมิดแล้วบ่มไว้ที่อุณหภูมิ -80 องศาเซลเซียส อย่างน้อย 2 ชั่วโมง
- 3.2 นำไปปั่นด้วยเครื่องปั่นความเร็วสูง 13000 rpm เป็นเวลา 1 นาที
- 3.3 ดูดสารละลายเหนือตากอนดีเอ็นเอในหลอดทิ้งอย่างเบาเมื่อ
- 3.4 เติม cold 70% EtOH ปริมาณ 500 ไมโครลิตร แล้วนำไปปั่นด้วยเครื่องปั่นความเร็วสูง 13000 rpm ที่อุณหภูมิ 4 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 5 นาที
- 3.5 ดูดสารละลายเหนือตากอนดีเอ็นเอในหลอดให้เหลือไว้ประมาณ 50 ไมโครลิตร นำไปปั่นด้วยเครื่องปั่นความเร็วสูง 13000 rpm ที่อุณหภูมิ 4 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 2 นาที
- 3.6 ดูดสารละลายเหนือตากอนดีเอ็นเอในหลอดทิ้งจนหมด
- 3.7 เปิดฝาหลอด วางทิ้งให้แห้งที่อุณหภูมิห้อง
- 3.8 เติมน้ำกลัน 6 ไมโครลิตร เพื่อลดลายตากอนดีเอ็นเอ แล้วเก็บรักษาไว้ภายใต้อุณหภูมิ -20 องศาเซลเซียส

4. การจำลองดีเอ็นเอลู่พสมและการคัดเลือก

- 4.1 นำดีเอ็นเอลู่พสมบริมาณ 3 ไมโครลิตร ผสมกับ *Escherichia coli* ที่ทำให้เป็น competent cell บริมาณ 40 ไมโครลิตร ถ่ายลงสู่ cuvette ที่แช่เย็นในน้ำแข็ง
- 4.2 ผ่านกระแลไฟฟ้าที่ความต่างศักดิ์ 1.8 กิโลโวลต์ เข้าสู่ cuvette
- 4.3 ดูดเข้าทั้งหมดใน cuvette ใส่ลงในอาหารเลี้ยงเชื้อ (LB broth) บริมาณ 1 มิลลิลิตร เขย่าเชื้อภายใน cuvette ให้ดี
- 4.4 นำเชื้อที่ได้ ปริมาณ 200-300 ไมโครลิตร ไปเลี้ยงบนเพลทที่มีอาหารเลี้ยงเชื้อ ผสม ampicillin บ่มไว้ที่อุณหภูมิ 37 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 18-24 ชั่วโมง
- 4.5 คัดเลือกโคโลนีของเชื้อและตรวจสอบขนาดดีเอ็นเอด้วยวิธี gel electrophoresis

การหาลำดับเบสของ DNA

การหาลำดับเบสด้วยเครื่องวิเคราะห์อัตโนมัติ (automated DNA sequencing) เป็นวิธีการหาลำดับเบสของดีเอ็นเอโดยอาศัยหลักการของ dideoxy chain termination แตกต่างกัน ตรงที่การติดคลาก ดีเอ็นเอจะใช้สารเจืองแสง เช่น dRhodamine dye terminator แทนการใช้สารกัมมันตภาพรังสี โดยอาศัยการติดตามการเรืองแสงของสีต่างๆ กัน 4 ชนิด สำหรับเบส 4 ตัว คือ A C G T สีที่ใช้ในการติดคลากแต่ละตัว เมื่อถูกกระตันด้วยแสงเลเซอร์ จะเรืองแสงในช่วงความยาวคลื่นแตกต่างกัน และแสงที่ปรากฏจะแตกต่างกัน โดยจะเห็นเป็นสีเขียว สีดำ สีน้ำเงิน และสีแดง ตามลำดับ ด้วยเครื่อง ABI Prism 310 Genetic Analyzer เมื่อได้ผลของลำดับเบสทั้งหมดของยีน 18S rRNA นำมาศึกษาลำดับเบสโดยการทำ alignment ด้วยโปรแกรมคอมพิวเตอร์ Bioedit และ ClustalX เพื่อวิเคราะห์ความคลา hakay ของลำดับเบสที่เกิดขึ้นในยีน 18S rRNA

บทที่ 4

ผลการทดลอง

การสำรวจ *Acanthamoeba* ในแหล่งน้ำ

จากการสำรวจแหล่งน้ำต่างๆ ในเขตกรุงเทพมหานครและปริมณฑลได้แบ่งลักษณะของแหล่งน้ำทั้งที่เป็นบึงตามธรรมชาติและที่ถูกสร้างขึ้นออกเป็นสวนสาธารณะ สถานศึกษา ชุมชนและคลอง ดังแสดงในตารางที่ 2 ทำการเก็บตัวอย่างน้ำจำนวน 369 ตัวอย่างและปลาในแหล่งน้ำจำนวน 6 ตัวอย่าง พพ *Acanthamoeba* ในเดือนกุมภาพันธ์จำนวน 4 ตัวอย่าง คิดเป็นร้อยละ 11.11 เดือนมีนาคมพบ 4 ตัวอย่าง คิดเป็นร้อยละ 8.70 เดือนพฤษภาคมพบ 3 ตัวอย่าง คิดเป็นร้อยละ 7.84 และเดือนธันวาคมพบ *Acanthamoeba* จำนวน 1 ตัวอย่างจากทั้งหมด 2 ตัวอย่าง ส่วนในเดือนมิถุนายนพบ *Acanthamoeba* จากเหื่อกปลา 3 ดังแสดงในตารางที่ 3 สามารถแยก *Acanthamoeba* จากการเพาะเลี้ยงบน 1.5% non-nutrient agar กับ heat-inactivated *Escherichia coli* ได้ 16 ตัวอย่างจากแหล่งน้ำ 9 แห่งจากสกนักพยาแห่งชาติหัวหมากมหาวิทยาลัยเกษตรศาสตร์ บางเขน บึงลำพังพวย เมืองทองธานี หมู่บ้านเพอร์เพลส หมู่บ้านส้มมากร และคลองรังสิต ดังแสดงในตารางที่ 4 โดยแหล่งน้ำที่พบเชื้อมีลักษณะน้ำค่อนข้างใส นิ่ง หรือมีคลื่นเล็กน้อย ค่า pH ค่อนข้างเป็นด่างมีค่า 8.3 อุณหภูมิเฉลี่ย 31 องศาเซลเซียส ดังแสดงในตารางที่ 3 โดยไม่พบ *Acanthamoeba* ในแหล่งน้ำที่มีเป็นลักษณะสีเขียว

Acanthamoeba ที่พบสามารถแบ่งเป็นกลุ่มตามลักษณะของชีสต์ได้ 2 กลุ่ม คือ กลุ่มที่มีลักษณะชีสต์ในกลุ่มที่ 1 จำนวน 3 ตัวอย่างและลักษณะชีสต์ในกลุ่มที่ 2 จำนวน 13 ตัวอย่างน้ำจากบึงลำพังพวยและสกนักพยาแห่งชาติหัวหมากสามารถพพ *Acanthamoeba* ได้ทั้ง 2 กลุ่ม และ *Acanthamoeba* จากเหื่อกปลา มีลักษณะชีสต์ในกลุ่มที่ 2 ดังตารางที่ 4

ศูนย์วิทยทรัพยากร
จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

ตารางที่ 2. แสดงสถานที่ในการสำรวจแหล่งน้ำในเขตกรุงเทพมหานครและปริมณฑล

สถานศึกษา	ชุมชนและคลอง	สถานศึกษา	ชุมชนและคลอง
สวนลุมพินีวน	บึงชุมชนมักกะสัน	โรงเรียนบางกอกศึกษา	
สวนจตุจักร	บึงโรงพยาบาลต่าไฟ	โรงเรียนสาธิตประสาณมิตร	
สนามกีฬาแห่งชาติหัวหมาก	บึงลำพังพวย	โรงเรียนสตรีวิทย์ 2	
อุทยานเบญจสิริ	บึงน้ำเมืองทองธานี	มหาวิทยาลัยเกษตรศาสตร์ บางเขน	
สวนหลวง ร.๙	หมู่บ้านเพอร์เฟคเพลส	สถาบันเทคโนโลยีพระจอมเกล้าเจ้าคุณทหารลาดกระบัง	
สวนสมเด็จฯ เขตบางขุนเทียน	หมู่บ้านนนวธานี	จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย	
สวนเขื่อนทวีวัฒน์ 2	หมู่บ้านสัมมาการ		
สวนเสือใหญ่	คลองแสนแสบ		
สวนรด้าไฟ	คลองประเวศบุรีรัมย์		
สวนเบญจกิติ	คลองหัวหมาก		
	คลองรังสิต		
	คลองตั้งชั้น		

ตารางที่ 3. แสดงผลในเดือนที่มีการสำรวจพบ *Acanthamoeba* จากแหล่งน้ำต่างๆ ในเขตกรุงเทพมหานครและปริมณฑล

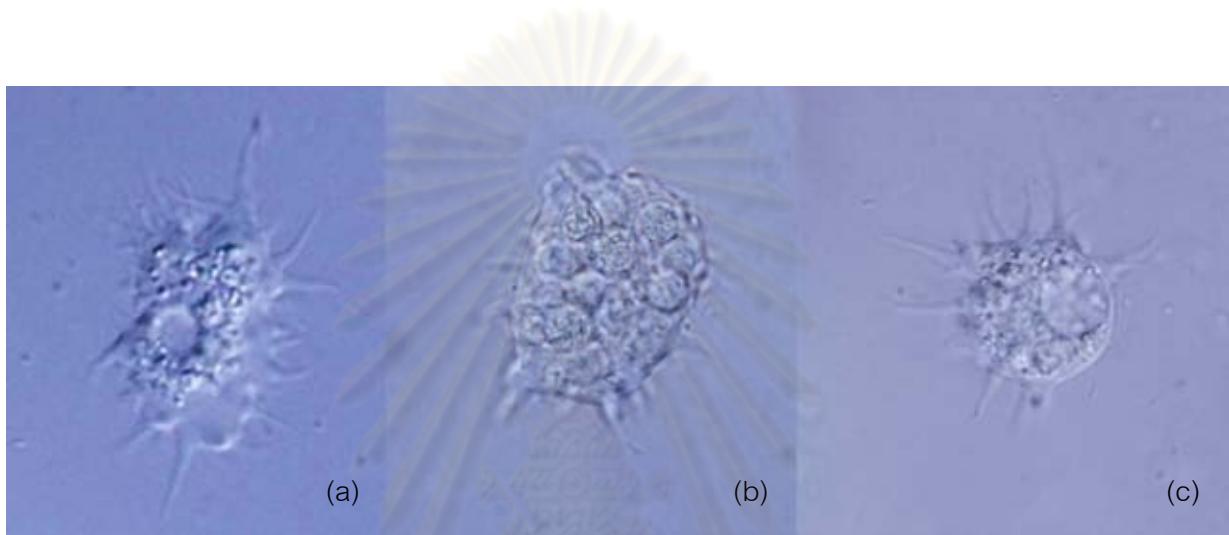
เดือนที่พบตัวอย่าง	จำนวนตัวอย่างที่เก็บ	จำนวนตัวอย่างที่พบ	ร้อยละ (%)
กุมภาพันธ์	36	4	11.11
มีนาคม	46	4	8.70
พฤษภาคม	51	4	7.84
มิถุนายน	43	0	0.00
ธันวาคม	2	1	50.00
รวม	178	13	

ตารางที่ 4. แสดงสถานที่ ลักษณะทางกายภาพและลักษณะของกลุ่มชีสต์ของ *Acanthamoeba* ที่พบ
ในแหล่งน้ำต่างๆ ในเขตกรุงเทพมหานครและปริมณฑล

สถานที่	จำนวนแหล่งน้ำ	อุณหภูมิ (°C)	ค่า pH	ตัวอย่าง	ลักษณะของกลุ่มชีสต์
บึงลำพังพวย	1	29.5	8.0	Ac_E1	I
				Ac_E2	I
				Ac_F1	II
				Ac_F2	II
มหาวิทยาลัยเกษตรศาสตร์ บางเขน	2	31.5	7.9	Ac_E3	II
				Ac_E4	II
บึงเก็บน้ำ เมืองทองธานี	1	34.0	9.4	Ac_E5	II
หมู่บ้านเพอร์เฟกเพส รามคำแหง	1	31.0	9.0	Ac_F3	II
รังสิต คลอง 6	1	24.0	8.0	Ac_E6	II
สนามกีฬาแห่งชาติหัวหมาก	1	32.5	8.0	Ac_E7	II
				Ac_E8	II
				Ac_E9	I
				Ac_E10	II
หมู่บ้านสัมมากร รามคำแหง	2	32.0	8.2	Ac_E11	II
				Ac_E12	II
				Ac_E13	II
รวม / เฉลี่ย	9	30.6	8.4	16	

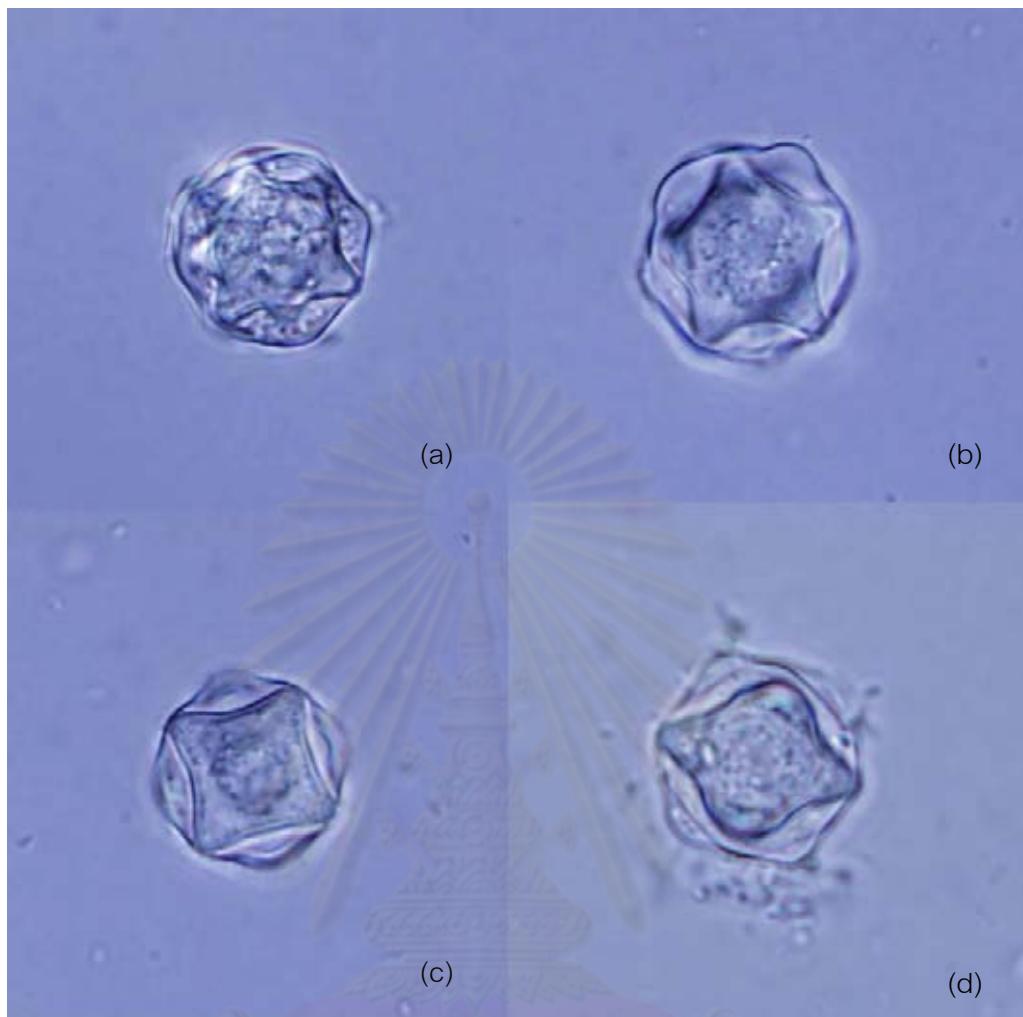
รูปร่างลักษณะของ *Acanthamoeba*

โทรโพซอยต์ปรากฏหน้าแหลมและมีลักษณะ似 มีรูปร่างไม่แน่นอน *Acanthamoeba* ที่แยกได้จากตัวอย่างน้ำ AC_E1, AC_E2 และ AC_E9 มีชิสต์และโทรโพซอยต์ขนาดใหญ่ ลักษณะรูปร่างของชิสต์ถูกจัดอยู่ในกลุ่มที่ 1 มีขนาดเส้นผ่าศูนย์กลางตั้งแต่ 13-25 ไมโครเมตร โดยเฉลี่ยมากกว่า 18 ไมโครเมตร ผนังชั้นนอกมีผิวเรียบมีระยะห่างออกจากการผนังชั้นในอย่างชัดเจนและสัมผัสเพียงบางส่วนเป็นแกนคล้ายดาวมีแขนหรือรากมีตั้งแต่ 4 แขนขึ้นไป ตั้งแสดงในรูปที่ 7 และ 8



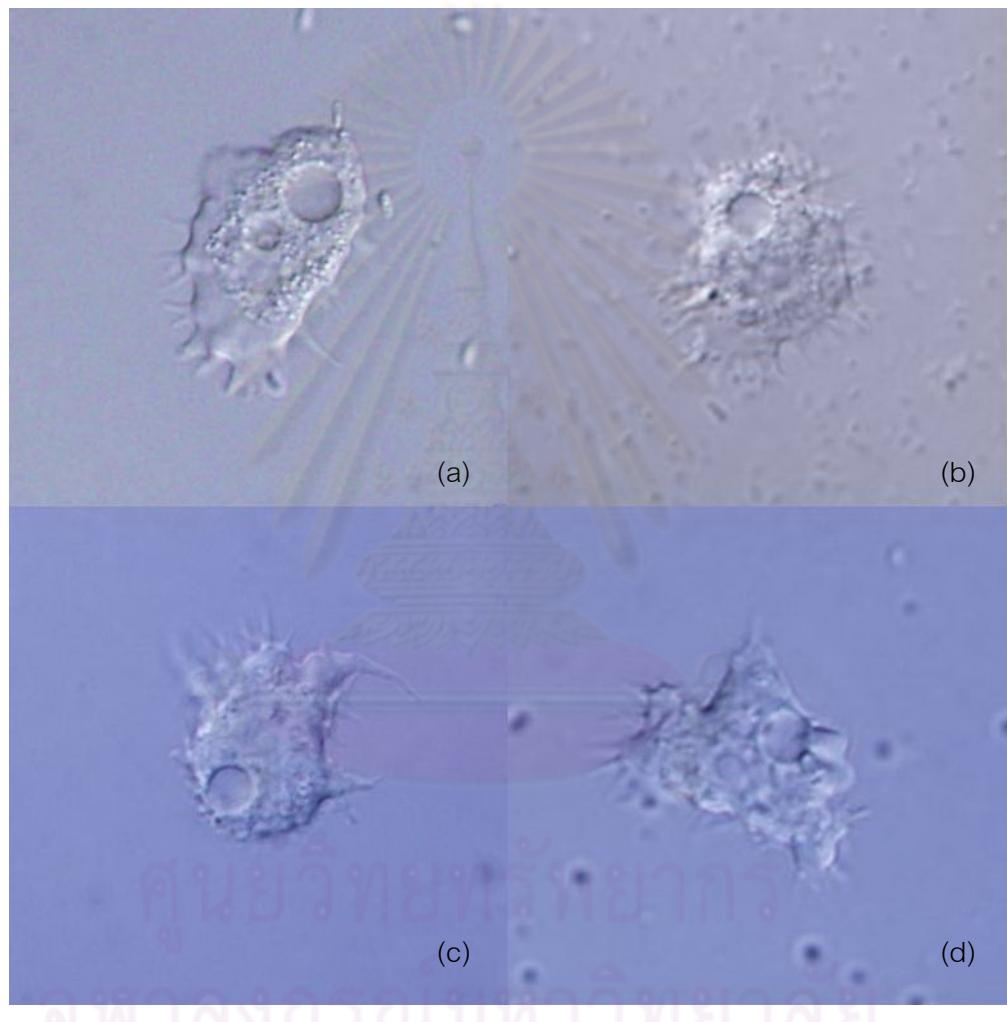
รูปที่ 8. โทรโพซอยต์ของชิสต์กลุ่มที่ 1, (a) ระยะโทรโพซอยต์มีหน้าแหลมและ似ื่นออกมาก, (b) ภายในโทรโพซอยต์มีอุกกาณัล์และอาหารจำนวนมาก, (c) โทรโพซอยต์ที่เพิ่งออกจากชิสต์ยังคงมีลักษณะกลม ปรากฏแลคคิวโอลขนาดใหญ่

ศูนย์วิทยทรัพยากร
จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย



รูปที่ 9. ลักษณะของชิสต์กลุ่มที่ 1, (a) ชิสต์มีมากกว่า 6 แขนหัวไป, (b) ชิสต์มี 5 แขน, (c) ชิสต์มี 4 แขนเท่ากัน, (d) ชิสต์มี 4 แขนขนาดไม่เท่ากัน

Acanthamoeba ที่ได้จากตัวอย่างน้ำและตัวอย่างเหงื่อคุณป้า ได้แก่ Ac_E3, Ac_E4, Ac_E5, Ac_E6, Ac_E7, Ac_E8, Ac_E10, Ac_E11, AC_E12, Ac_F1, Ac_F2 และ Ac_F3 มีขนาดซิสต์และ trophont เล็กกว่าซิสต์กลุ่มที่ 1 ลักษณะรูปร่างของซิสต์ถูกจัดอยู่ในกลุ่มที่ 2 ผนังชั้นนอกพบทั้งผิวนานาและผิวบาง มีลักษณะหยักเป็นคลื่น ผนังชั้นในมีรูปร่างหลายแบบ ไม่แน่นอน มีขนาดเส้นผ่านศูนย์กลางตั้งแต่ 7-18 ไมโครเมตร โดยเฉลี่ยน้อยกว่า 18 ไมโครเมตร ดังแสดงในรูปที่ 10 ถึง 13

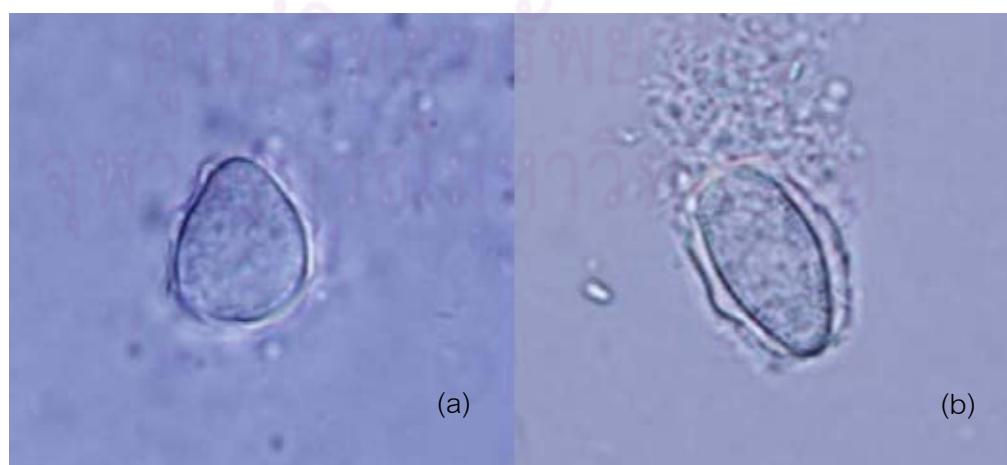


รูปที่ 10. โทรโพซอยด์ของซิสต์กลุ่มที่ 2

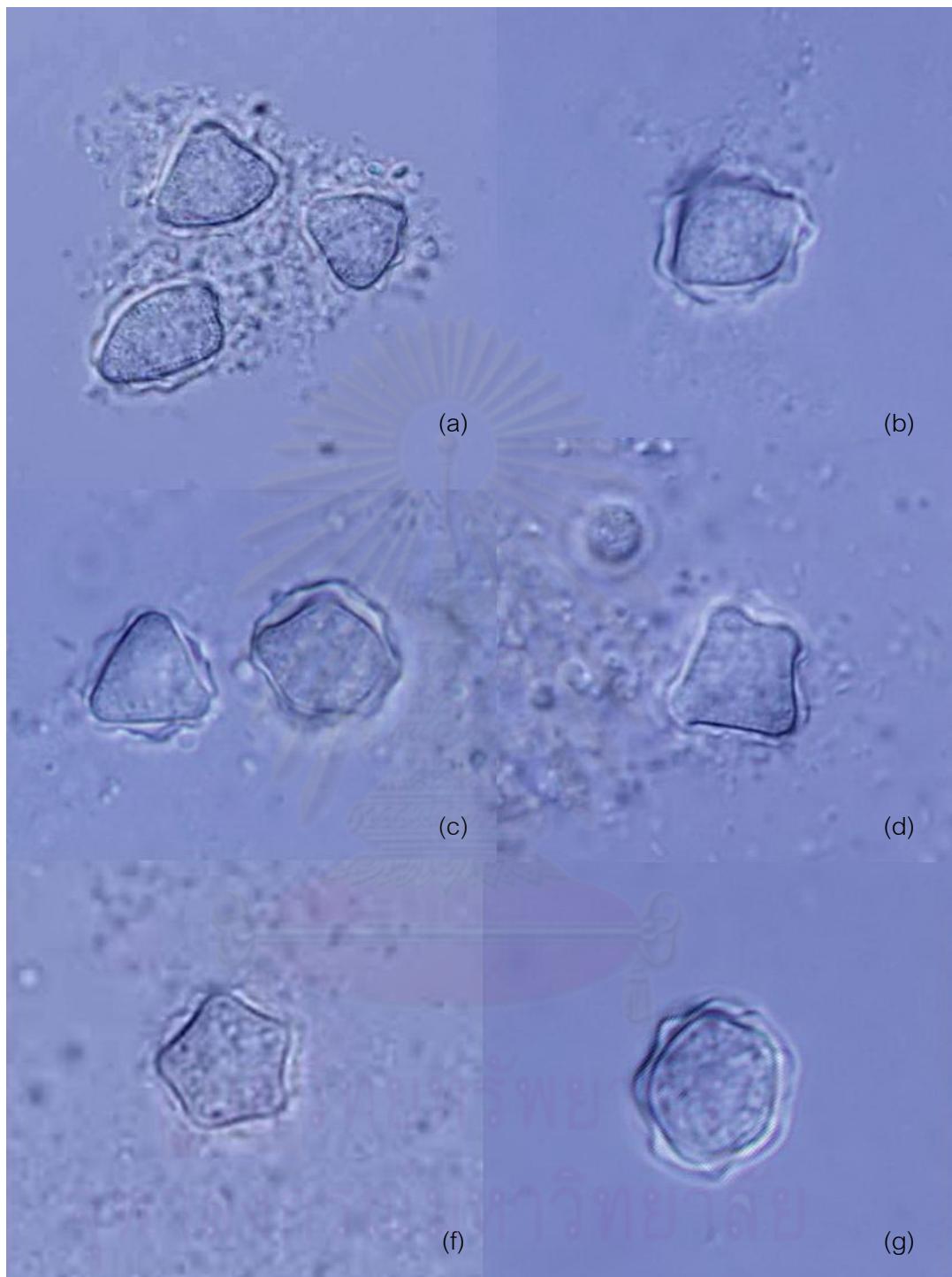
(a-d) โทรโพซอยด์มีขนาดเล็กกว่าโทรโพซอยด์ของซิสต์กลุ่ม 1



รูปที่ 11. ลักษณะซึ่งของกลุ่มที่ 2 (a-d) ผนังซึ่งชั้นในมีรูปร่างกลม



รูปที่ 12. ลักษณะซึ่งของกลุ่มที่ 2 (a), (b) ผนังซึ่งชั้นในเป็นทรงรีหรือรูปไข่



รูปที่ 13. ลักษณะชีสต์ของกลุ่มที่ 2 (a-g) ผนังชีสต์ขั้นในมีรูปร่างหลายเหลี่ยม

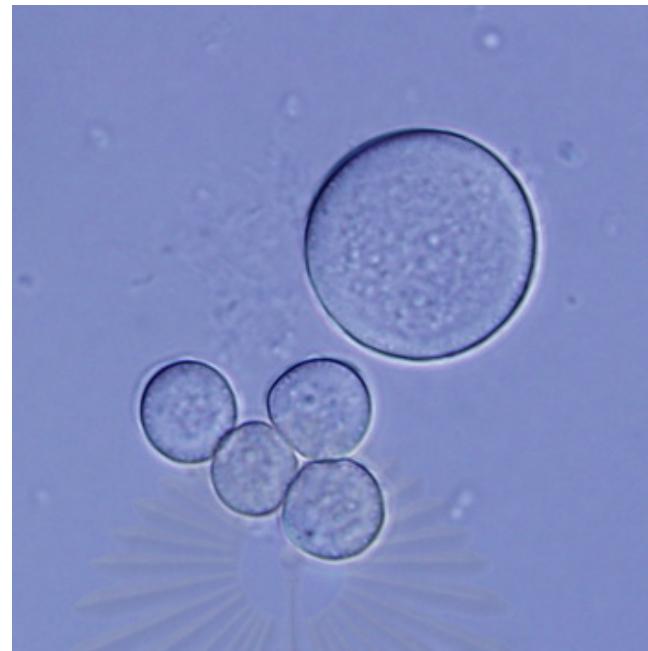
ตัวอย่าง *Acanthamoeba* จากผู้ป่วยโรงพยาบาลจุฬาลงกรณ์

ในช่วงเวลาวันที่ 14 มีนาคม พ.ศ.2550 ถึง 29 พฤษภาคม พ.ศ.2552 มีตัวอย่างส่งตรวจหาการติดเชื้อ *Acanthamoeba* ที่โรงพยาบาลจุฬาลงกรณ์จำนวน 14 ราย โดยใน 1 รายมีการติดเชื้อเพิ่มที่สมอง โดยการนำชิ้นส่วนกระจากตา น้ำล้างตา คอนแทคเลนส์หรือน้ำยาแช่ในตับคอนแทคเลนส์และนำไนส์นหลังมาเพาะเลี้ยงบน 1.5% non-nutrient agar ร่วมกับ heat-inactivated *E. coli* ทำการบ่มเชื้อไว้ที่อุณหภูมิห้องและตรวจสอบเพลทกรุนเลี้ยงเชื้อด้วยกล้อง Inverted microscope พบรการติดเชื้อ *Acanthamoeba* จำนวน 4 ตัวอย่างจากผู้ป่วย 3 รายดังนี้

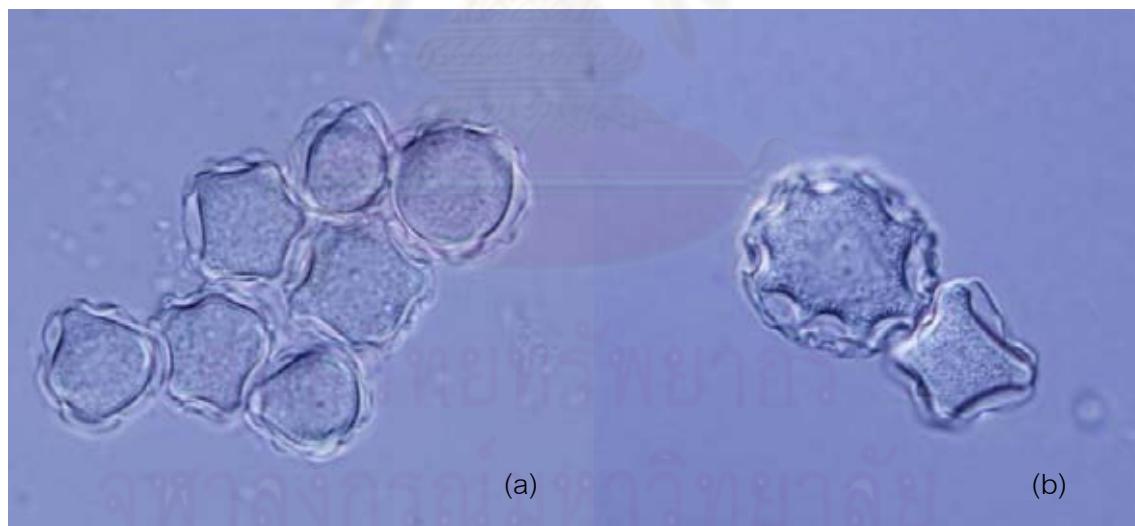
ผู้ป่วย keratitis รายที่ 1 (Ac_PCN3) เป็นเพศหญิง อายุ 16 ปี ติดเชื้อจากการใส่คอนแทคเลนส์ว่ายน้ำในสระว่ายน้ำในกรุงเทพ ผู้ป่วยรายที่ 2 (Ac_PCN4) เป็นเพศชาย อายุ 35 ปี ก่อนการติดเชื้อมีอาการต้อหินเป็นเวลา 5 ปี ทำงานในสภาพแวดล้อมที่มีฝุ่นจากการปรับปรุงทิพกโขมสเตียร์และลงเล่นน้ำคลองใน ตำบลล้อมพวา จังหวัดสมุทรสงคราม ได้รับการวินิจฉัยในเบื้องต้นว่าเกิดจากเชื้อราและรักษาด้วยยาหยดตาที่เป็นสเตรอรอยด์แต่อาการไม่ดีขึ้น ผู้ป่วยรายที่ 3 (Ac_PCN12 และ Ac_PCS12) เป็นเพศหญิง อายุ 31 ปี มีภูมิลำเนาในจังหวัดสุพรรณบุรี พบรการติดเชื้อที่โรงพยาบาลจากการใส่คอนแทคเลนส์มาเป็นเวลา 4-5 ปีและติดเชื้อที่สมองโดยไม่มีประวัติเกี่ยวข้องในการว่ายน้ำ

เมื่อพิจารณาลักษณะซิสต์ของ *Acanthamoeba* ที่แยกได้จากผู้ป่วย keratitis 3 รายที่มีการติดเชื้อทางสมองด้วย 1 ราย พบร่วมลักษณะของซิสต์ในกลุ่มที่ 2 และ 3 โดยขนาดของซิสต์จากผู้ป่วย Ac_PCN4 มีความแตกต่างกันอย่างชัดเจน ส่วนลักษณะซิสต์ที่พบในผู้ป่วย Ac_PCS12 นั้นมีความหลากหลายของลักษณะซิสต์สูง ดังแสดงในรูปที่ 14 และ 15 ตามลำดับ

ศูนย์วิทยทรัพยากร
จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย



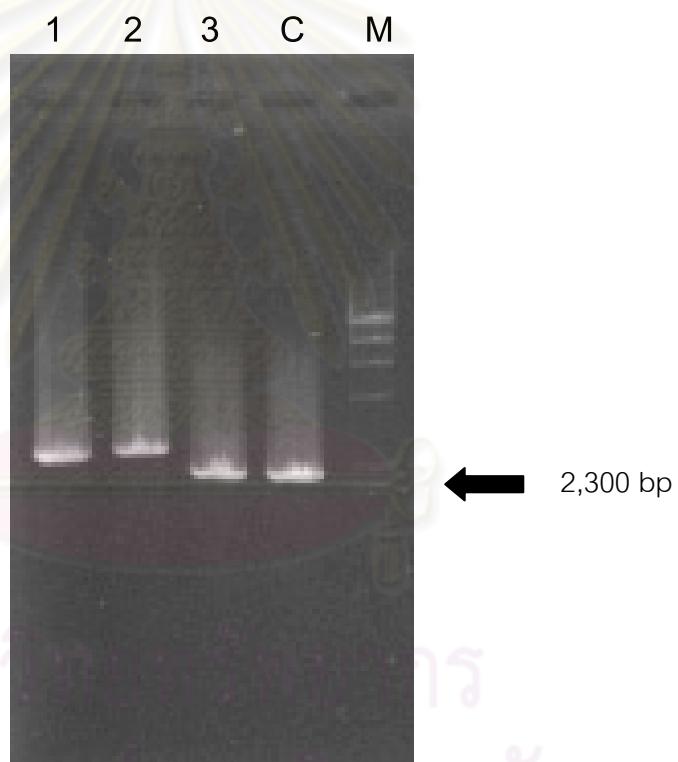
รูปที่ 14. ลักษณะซีสต์จากตัวอย่างผู้ป่วยติดเชื้อที่กระจะต้า (Ac_PCN4)



รูปที่ 15. (a), (b) ลักษณะซีสต์จากตัวอย่างผู้ป่วยติดเชื้อทางสมอง (Ac_PCS12)

ผลการเพิ่มปริมาณดีเอ็นเอของยีน 18S rRNA โดยอาศัยปฏิกิริยาลูกไซโพรีเมอร์เรส (PCR)

จากการเพิ่มปริมาณดีเอ็นเอของยีน 18S rRNA ด้วยปฏิกิริยาลูกไซโพรีเมอร์เรส (PCR) โดยใช้เพร์เมอร์ ACAN 18S F0 และ ACAN 18S R0 ซึ่งครอบคลุมยีน 18S rRNA เมื่อตรวจส่วนการวิเคราะห์ผล PCR ด้วยวิธี agarose gel electrophoresis โดยใช้ agarose gel ความเข้มข้นร้อยละ 1 เปรียบเทียบกับดีเอ็นเอมาตรฐานบอกขนาด λ Hind III พบร้าขนาดของดีเอ็นเอที่นำมาวิเคราะห์แบ่งได้เป็น 2 กลุ่มคือ กลุ่มที่มีลักษณะชิสต์กลุ่มที่ 1 จะมีขนาดประมาณ 2,500 คู่เบส และกลุ่มที่มีลักษณะชิสต์ในกลุ่มที่ 2 มีขนาดประมาณ 2,300 คู่เบส เมื่อใช้ดีเอ็นเอของผู้ป่วย keratitis ตัวอย่างที่ Ac_PCN4 ซึ่งมีลักษณะชิสต์ในกลุ่มที่ 3 มีขนาดประมาณ 2,300 คู่เบส เป็น positive control

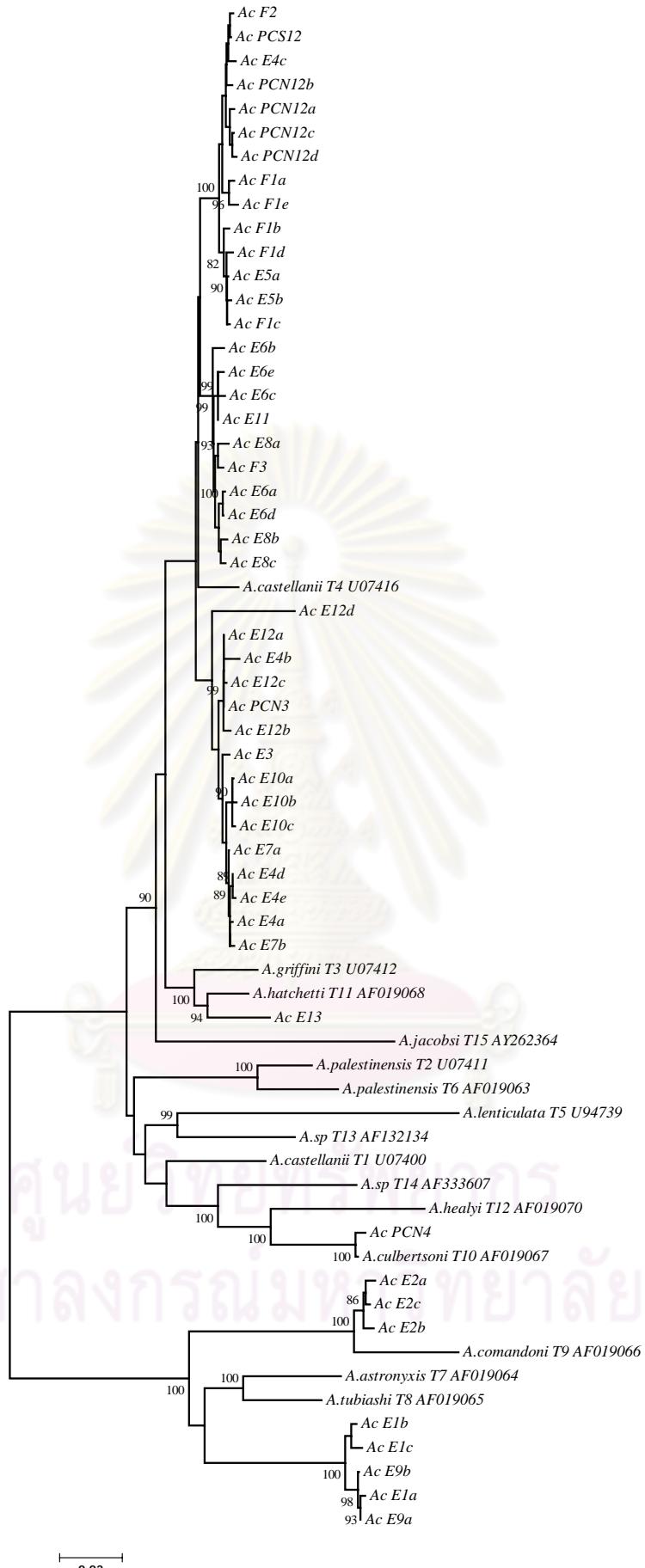


รูปที่ 16. แสดงผลการวิเคราะห์ผลิตผล PCR ด้วยวิธี agarose gel electrophoresis เรียงตามหมายเลข 1, 2 และ 3 คือตัวอย่าง Ac_E1, Ac_E2, Ac_E3 ตามลำดับ C คือ Ac_PCN4 เป็น positive control และ M คือ ดีเอ็นเอบอกขนาด (marker) โดยใช้ λ Hind III

การวิเคราะห์ลำดับนิวคลีโอไทด์ของยีน 18S rRNA

การวิเคราะห์ลำดับนิวคลีโอไทด์ของยีน 18S rRNA จากตัวอย่างที่ทำการศึกษาพบว่ามีความหลากหลายของลำดับนิวคลีโอไทด์ที่สามารถใช้แยกชนิดของ *Acanthamoeba* ออกเป็นชนิดต่าง ๆ ตามจีโนไทป์ที่มีอยู่ในปัจจุบัน เนื่องจาก *Acanthamoeba* ที่แยกได้จากชุมชนต่างๆ ผู้ป่วยบางตัวอย่างมีการปะปนของเชื้อมากกว่า 1 สายพันธุ์ จึงทำการวิเคราะห์ลำดับนิวคลีโอไทด์โดยการ subclone และพบรูปแบบลำดับนิวคลีโอไทด์จากตัวอย่างในชุมชนได้ 42 โคลนและ 7 โคลนโดยพิจารณาลำดับนิวคลีโอไทด์ของ *Acanthamoeba* ที่นำมาวิเคราะห์เทียบกันในระหว่างโคลนและสายพันธุ์มาตรฐาน T1-T15 จาก [1www.ncbi.nlm.nih.gov](http://www.ncbi.nlm.nih.gov)

เมื่อทำการวิเคราะห์ phylogenetic tree ของลำดับนิวคลีโอไทด์ในยีน 18S rRNA ของ *Acanthamoeba* ดังแสดงในรูปที่ 17 พบร่วมกับลำดับนิวคลีโอไทด์จัดอยู่ในกลุ่มของ *Acanthamoeba* ดังจีโนไทป์ T4, T7, T8, T9, T10 และ T11 โดยมีรายละเอียดดังนี้ ตัวอย่างที่มีลักษณะทางพันธุกรรมใกล้เคียงกับ *A. astronyxis* (T7) และ *A. tubiashi* (T8) จำนวน 2 ตัวอย่าง คือ Ac_E1 และ Ac_E9 ประกอบด้วยโคลน ได้แก่ Ac_E1a, Ac_E1b, Ac_E1c, Ac_E9a และ Ac_E9b เมื่อนำมาเปรียบเทียบร่วมกับลำดับนิวคลีโอไทด์อ้างอิง ดังหมายเลข AF019057 (T7) และ AF019058 (T8) ได้พบบริเวณที่มีความหลากหลายทางพันธุกรรม (variable region) ทั้งหมด 10 บริเวณ เมื่อพิจารณาโคลนทั้ง 5 ในบริเวณที่ 2-4 และ 7-10 พบร่วมไม่มีความแตกต่างของลำดับนิวคลีโอไทด์ที่ชัดเจน ส่วนบริเวณที่ 6 (ตำแหน่งเบสที่ 1,331-1,384) จะพบความแตกต่างของลำดับเบสแบ่งได้เป็น 2 กลุ่ม โดยกลุ่มแรกประกอบด้วย Ac_E1a, Ac_E9a และ Ac_E9b กลุ่มที่ 2 ประกอบด้วย Ac_E1b และ Ac_E1c เนื่องจากแขนง phylogenetic tree ของตัวอย่าง Ac_E1 และ Ac_E9 แยกออกจากสายพันธุ์ T7 และ T8 ที่ค่าความเชื่อมั่น 100 ดังนั้น *Acanthamoeba* ตัวอย่าง Ac_E1 และ Ac_E9 จึงมีจีโนไทป์ที่ต่างจาก T7 และ T8 ขณะเดียวกันเมื่อพิจารณาในส่วนของ DF3 ซึ่งครอบคลุม variable region ในบริเวณที่ 7 จะพบความแตกต่างระหว่างโคลนที่ศึกษากับ T7 และ T8 อย่างชัดเจน ดังแสดงในรูปที่ 18



รูปที่ 17. แสดง phylogenetic tree ในส่วน 18S rRNA ของ Acanthamoeba ที่ทำการศึกษา

ตัวอย่าง Ac_PCN4 ที่แยกได้จากกราฟต้าผู้ป่วยมีรูปแบบของนิวคลีโอไทด์ใกล้เคียงกับ *A. culbertsoni* (T10) เมื่อนำลำดับนิวคลีโอไทด์มาเปรียบเทียบกับ AF019067 จะพบความแตกต่างของเบสทั้งหมด 17 ตำแหน่ง โดยมี deletion-insertion จำนวน 8 เบส ดังแสดงในรูปที่ 19 ในตำแหน่งที่ 526(A), 731 (TTT), 761 (AA), 1657 (A), 1788 (G/A), 1,664 (C/T), 1717 (A/G), 1745 (G/A), 2219 (T/C) เมื่อทำการวิเคราะห์ในบริเวณ DF3 ของ Ac_PCN4 และ T10 พบรความแตกต่างของเบสเพียงตำแหน่งเดียว ดังนั้น Ac_PCN4 จึงจัดอยู่ในจีโนไทป์ T10 ซึ่งลักษณะของชีสต์ในกลุ่มที่ 3

ตัวอย่าง Ac_E2 มีรูปแบบของลำดับเบสต่างกัน 3 โคลน คือ Ac_E2a, Ac_E2b และ Ac_E2c เมื่อวิเคราะห์ phylogenetic tree พบร่วมมีความใกล้ชิดกับ *A. comandoni* (T9) ในลำดับนิวคลีโอไทด์ข้างอิง AF019057 โดยตำแหน่งที่ 1-1269 เป็นบริเวณที่มีความแตกต่างของลำดับค่อนข้างสูงเมื่อเทียบกับจีโนไทป์ T9 แต่ไม่พบรความแตกต่างกันระหว่างทั้ง 3 โคลน นอกจากนี้ยังพบรความหลากหลายที่เกิดจาก deletion-insertion จำนวน 3 เบส คือ TGC ในโคลน Ac_E2a ในตำแหน่งที่ 187 และตำแหน่งที่ 1270-2569 เป็นบริเวณที่เหมือนกันสูง เมื่อพิจารณาในบริเวณ DF3 จะพบรความแตกต่างของเบสต่างจาก *A. comandoni* (T9) เพียง 3 ตำแหน่ง ดังแสดงในรูปที่ 20 จึงจัดได้ว่าไม่มีความแตกต่างกันของสายพันธุ์

ตัวอย่าง Ac_E13 มีลำดับนิวคลีโอไทด์ที่ใกล้เคียงกับ *A. hatchetti* (T11) จากการเปรียบเทียบพบว่ามีเบสที่เปลี่ยนไปในบางตำแหน่ง โดยมีอัตราความเหมือนกันกับจีโนไทป์ T11 คิดเป็นร้อยละ 96.5 ส่วนบริเวณ DF3 พบร่วมมีความหลากหลายมากกว่าบริเวณอื่น ดังแสดงในรูปที่ 21

จากแผนผังสุดของ phylogenetic tree พบ 39 โคลน ที่มีความใกล้เคียงกับจีโนไทป์ T4 ด้วยค่าความเชื่อมั่นที่ต่างกัน *Acanthamoeba* ที่พบในกลุ่มนี้ จึงมีความหลากหลายสูง สามารถแบ่งเป็นกลุ่มย่อยได้ถึง 13 กลุ่ม จากการวิเคราะห์ความหลากหลายทางพันธุกรรมของกลุ่มย่อยนี้ เปรียบเทียบกับลำดับเบสข้างอิง U07416 จะพบบริเวณที่เป็น variable region ทั้งหมด 4 บริเวณ บริเวณแรกอยู่ในช่วงลำดับเบสตำแหน่งที่ 266-300 บริเวณที่ 2 อยู่ในตำแหน่งที่ 792-813 บริเวณที่ 3 อยู่ในตำแหน่งเบสที่ 1306-1361 ซึ่งตรงกับบริเวณ DF3 และบริเวณที่ 4 ตรงกับตำแหน่งเบสที่ 1935-1972 ดังแสดงในรูปที่ 22 จากตัวอย่างทั้ง 39 โคลนนี้ จัดอยู่ในกลุ่มที่มีความสามารถในการก่อโรคได้และมีความหลากหลายของลำดับนิวคลีโอไทด์มากในบริเวณ DF3 ดังแสดงในรูปที่ 23 การศึกษาความแตกต่างของลำดับเบสในส่วนนี้ จึงมีความสำคัญ เมื่อพิจารณาในส่วนดังกล่าว นี้ สามารถแบ่งกลุ่มตามความคล้ายคลึงของลำดับเบสได้ 5 กลุ่ม คือ

กลุ่มที่ 1 ได้แก่ Ac_F2, Ac_PCS12, Ac_PCN12a, Ac_PCN12b, Ac_PCN12c และ Ac_PCN12d

กลุ่มที่ 2 ได้แก่ Ac_E5a, Ac_E5b, Ac_F1b, Ac_F1c, Ac_F1d และ Ac_E4c

กลุ่มที่ 3 ได้แก่ Ac_E4c และ Ac_F1e

กลุ่มที่ 4 ได้แก่ Ac_E6a, Ac_E6d, Ac_E8b, Ac_E8c, Ac_E6e, Ac_E11,

Ac_E6c, Ac_E8a, Ac_F3 และ Ac_E6b

กลุ่มที่ 5 ได้แก่ Ac_E12a, Ac_E12d, Ac_PCN3, Ac_E12c, Ac_E4b,

Ac_E12b, Ac_E12d, Ac_E3, Ac_E4a, Ac_E4e, Ac_E7a, Ac_E7b, Ac_E10a, Ac_E10b และ Ac_E10c

อย่างไรก็ตามเมื่อทำวิเคราะห์ phylogenetic tree ของลำดับนิวคลีโอไทด์เฉพาะในส่วนของบริเวณ DF3 จะพบว่าตัวอย่างโคลนที่มีลักษณะเทียบเคียงกับจีโนไทป์ T4 นั้นได้แยกกลุ่มออกจากสายพันธุ์มาตรฐานด้วยค่าความเชื่อมั่นที่ 80 และแบ่งออกเป็น 6 กลุ่มจากเดิม 13 กลุ่ม ดังแสดงในรูปที่ 24

ศูนย์วิทยทรัพยากร
จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

รูปที่ 18. แสดงการเปรียบเทียบลำดับนิวคลีโอไทด์ของ SSU rRNA gene ในกลุ่ม T7 และ T8 ของเชื้อ *Acanthamoeba* ที่ได้จากการรวมชาติ จุดหมายถึงเบสที่เหมือนกันในแต่ละตำแหน่ง ข้อหมายถึงการขาดหายไปของเบส อักษรย่อ Ac = *Acanthamoeba*

[] แสดงบริเวณของลำดับนิวเคลียร์ที่มีความหลากราย

แสดงปริมาณของ DF3, ขีดเส้นใต้แสดงตัวแหนงสำบับเบสที่มีความแตกต่างออกเป็น 2 กลุ่มจากสายพันธุ์มาตรฐาน

#A.astronyxis_T7_AF019064 GCGTGCAGT GCGAGGGTGC GTGCTTCAG TGTGTGGGC -GACCTGCAC ATGGCACGAG GAGGGCTCGG TCCGCTT-A CCTGCCGTT CGCCACCGAA AGGTGGGTG TGCGCGTG GGGCGTGCA CTGGCCCGCC CGCTCCCTCC

#A.tubiashi_T8_AF019065 -.-.T.. .C..... AT-T...-T...TG..

#Ac_Ela ..A..... .CA...-A.T..... .TGC..A.T.C.T.TGCT.A..CA-----C...AC..T.....

#Ac_E9a ..A..... .CA...-A.T..... .TGC..A.T.C.T.TGCT.A..CA-----C...AC..T.....

#Ac_E9b ..A..... .CA...-A.T..... .TGC..A.T.C.T.TGCT.A..CA-----C...AC..AT.....

#Ac_Elb ..A...T.. .CA...-A.T..... .TGC..A.T.C.T.TGCT.A..CA-----C...AC..T.....

#Ac_Elc ..A...T.. .CA...-A.T..... .TGC..A.T.C.T.TGCT.A..CA-----C...AC..T.....

#A.astronyxis_T7_AF019064 TTCTGGATT CCCTCCTAG C--CGGCTAT TAACTTAGCT CTGGGGCGC CTCGGGTG TGTT-GCCC TTAGCCGGC AGTGGTTTG GCACTCAGGG CACTTG-- CTTTGC-GG CACAGGTGTT GAGGCCAGA TCGTTACCG

#A.tubiashi_T8_AF019065C..TTT.... T..C.....TC...C...T.....

#Ac_ElaC.A TT-G..... CA..... T.G.C.....TC...TC...AA.C..GG.....A.....

#Ac_E9aC.A TT-G..... CA..... T.G.C.....TC...TC...AA.C..GG.....A.....

#Ac_E9bC.A TT-G..... CA..... T.G.C.....TC...TC...AA.C..GG.....A.....

#Ac_ElbTC.A TT-G..... C..... T.G.C.....TC...TC...AA.C..GG.....A.....

#Ac_ElcTC.A TT-G..... C..... T.G.C.....TC...TC...AA.C..GG.....A.....

#A.astronyxis_T7_AF019064 TGAAAAAATT AGAGTGTCA AACGAGGCAG ATATTTATT ACTGCCACCG AATACATTAG CATGGATAA TGGAATAGGA CCCTGTCTT CATGTTCCG GTGGTTGTC CACAAAAGG ACAAGAATGG TTGTGTGTC GCGTGCAAAC

#A.tubiashi_T8_AF019065T..C.A.....

#Ac_Ela-....-....

#Ac_E9a-....-....

#Ac_E9b-....-....

#Ac_Elb-....-....

#Ac_Elc-....-....

#A.astronyxis_T7_AF019064 GCGTACATA GCTATTTTTT GTTTTTTTT GGTGCATGGT TTCGCTAAA GGAGGACAG GGTAAATGATT AAATGGGATA GTTGGGGCA TTAATATTTA ATTGTCAAGG GTGAAATTCT TGGATTTATG AAAGATTAAC TTCTGCAAA

#A.tubiashi_T8_AF019065 A..CGGGTGG ..----G.....

#Ac_Ela A...GG.TG-----G..C.....G.....

#Ac_E9a A...GG.TG-----G..CA.....G.....

#Ac_E9b A...GG.TG-----G..CA.....G.....

#Ac_ElbGG.TG-----G..CA.....G.....

#Ac_ElcGG.TG-----G..CA.....G.....

#A.astronyxis_T7_AF019064 GCATCTGCCA AGGATGTTT CATTAATCAA AAACGAAAGT TAGGGATCG AAGACGATTA GATACCGTCG TAGTCTAAC CATAAACCAT GCCGACCAGC GATTGGAGA CGTTTCACAC GGAGGTGCC TCGGGGGCC TTTTGCTGT

#A.tubiashi_T8_AF019065C.....

#Ac_ElaC.....

#Ac_E9aC.....

#Ac_E9bC.....

#Ac_ElbC.....

#Ac_ElcC.....

#A.astronyxis_T7_AF019064 TCCGTCGCG AAGCGCCG- --GCGAATG TGTCCCTTT TGCGCTGCT TCC-ACTAAA -GGATGACTC CCC--AGCA GCTTGTGA-G AAATCATCAA GTCTTTGGGT TCCGGGGGA GTATGGTCGC AAGGCTGAAA CTTAAAGGAA

#A.tubiashi_T8_AF019065 -..T.....A.-.....G.C. C--.T.....T.....-G.....

#Ac_Ela ..TT.C.C..T..AAAAG..G.CT.A...-..C.C..TC.C..T.....C.....A.....CA.C.....A.....

#Ac_E9a ..TT.C.C..T..AAAAG..-CT.A...-..C.C..TC.C..T.....C.....A.....CA.C.....A.....

#Ac_E9b ..TT.C.C..T..AAAAG..-CT.A...-..C.C..TC.C..T.....C.....A.....CA.C.....A.....

#Ac_Elb ..TT.C.C..T..AAAAG..-CC.A...-..CAC..TC.C..T.....C.....A.....CA.C.....A.....

#Ac_Elc ..TT.C.C..T..AAAAG..-CC.A...-..CAC..TC.C..T.....C.....A.....CA.C.....A.....

#A.astronyxis_T7_AF019064 TTGACGGAAG GGCACCAACCA GGAGTGGAGC TGCGGCTTA ATTTGACTCA ACACGGGAA ACTTACCGG TCCGGACATA GTAAGGATTG ACAGATTGAT AGCTCTTCT TGATTCTATG GTGGGTGGT CATGGCCGTT CTTAGTGGT

#A.tubiashi_T8_AF019065 ..

#Ac_Ela ..

#Ac_E9a ..

#Ac_E9b ..

#Ac_Elb ..

#Ac_Elc ..

รูปที่ 19. แสดงการเปรียบเทียบลำดับนิวคลีโอไทด์ของ SSU rRNA gene ในกลุ่ม T10 ของเชื้อ *Acanthamoeba* ที่ได้จากผู้ป่วย จุดหมายถึงเบสที่เหมือนกันในแต่ละตำแหน่ง ขีดหมายถึงการขาดหายไปของเบส อักษรย่อ Ac = *Acanthamoeba*

แสดงบริเวณของ DF3

```
#A.culbertsoni_T10_AF019067 TCATATGCTT GTCTCAAAGA TTAAGCCATG CATGTCTAAG TATAAGCTTG TTATACGGC GAGACTCGGG ATGGCTCATT AAATCAGTTA TAGTTTATTG GATGGCTCT TTACTCTTG TCAGAGTTAC CCTACTTGA TAACCGTGGT  
#Ac_PCN4 .....  
  
#A.culbertsoni_T10_AF019067 AATTCTAGAG CTAATACATG CGCAAGGTCC CGAGCCGGGG GCAAAGGAGT GTAAAAAGCT TCTTGTCTG TCATTCTAGTG CAGAGGGATG TATTTATTAG GTTAAAACC AGCACACTT ATCAAACCTGG TGATTCTAA AAACCTTTTC  
#Ac_PCN4 .....  
  
#A.culbertsoni_T10_AF019067 GGATCGCATA TTAAATATCC TCCTTGTGAG GATGGCGACG ATTCAATTCAA ATTCTGCCT TATCAACTTT CGATGGTAGG ATAGAGGCCT ACCATGGTCG TAACGGGATA CGGAGAATTA GGTTGATT CGGAGAGGG AGCCTGAGAA  
#Ac_PCN4 .....  
  
#A.culbertsoni_T10_AF019067 ATGGCTACCA CTTCTAAGGA AGGCAGCAGG CGCGCAAATT ACCCAATCCC GACACGGGG GGTAGTGACA ATAAAATAAC AATACAGCG CTCGACAAGA GTCTTGTAA TGGAATGAGT ACAATTAAA CCCCTTAACG AGTAACAATT  
#Ac_PCN4 .....  
  
#A.culbertsoni_T10_AF019067 GGAGGGCAAG TCTGGTGCCA CGAGCCCGGG TAATTCCAGC TCCAATAGCG TATATTAAG TGTTGCAGT TAAAAGCTC GTAGTTGGAT TTAGGGATGC GCAATTCTT TTTTAATGAC GNNTCTYNT TTTGTCTTT ATGTCAAAGT  
#Ac_PCN4 .....A .CA .TTT .T .....  
  
#A.culbertsoni_T10_AF019067 AAAGGCAAAA AATGAGATGT TGTGGGCTCG GTCCACTGGA GGACCAAGTGT GTGCCCGGCC CACCCATCCC CTCCCTCTGG ATTCCCATTC CTGCTATTGA GTTAGGGGG ATGTCACAGG GAATTGATAG TCATCGCAAG GTGATTATGA  
#Ac_PCN4 .....T .....  
  
#A.culbertsoni_T10_AF019067 ATTCCCTGGGG CCCAGATCGT TTACCGTGAA AAAATTAGAG TGTTCAAAGC AGGCAGATT ACCATTCTG CCACCGAATA CATTAGCATG GGATAATGAA ATAGGACCT GTCCCTCAT TTACGTGTTG GTTTTGAGG ACCAGGGTAA  
#Ac_PCN4 .....  
  
#A.culbertsoni_T10_AF019067 TGATTAATAG GGATAGTTGG GGGCATTAAT ATTAAATTGT CAGAGGTGAA ATTCTTGGAT TTATGAAAGA TTAACTCTG CGAAAGCATC TGCCAAGGAT GTTTCTATTA ATCAAGAACG AAAGTTAGGG GATCGAACAG GATCAGATAC  
#Ac_PCN4 .....  
  
#A.culbertsoni_T10_AF019067 CGTCGTAGTC TTAACCATAA ACGATGCCGA CCAGCGATTA GGAGACGTTG AATACAAAAC ACCATCCATT TAGCAYGGTC GTTTCAAAT ATTCCCTTTT GCGAAGGTTG TTTGGGAAACG ATTGTCCTG ATGGATCTGG TGAATGACTC  
#Ac_PCN4 .....T .....A .....  
  
#A.culbertsoni_T10_AF019067 CCCTAGCAGC TTGTGAGAAA TCATAAGTCT TTGGGTTCCG GGGGGAGTAT GGTGCAAGG CTGAAACTTA AAGGAATTGA CGGAAGGGCA CCACCAAGG TGGAGCTGC GGCTTAATT GACTAACAC GGGAAACCT ACCAGGTCG  
#Ac_PCN4 .....  
  
#A.culbertsoni_T10_AF019067 GACATAGTAA GGATGACAG ATTGATAGCT CTTCTTGAT TCTATGGTG GTGGTGCATG GCGCTTCTTA GTGTTGGAG TGATTGTCT GTTAACTCC GTAAAGCAAC GAGACCTAA CCTGCTAAAT ATGCCGCCT AACCGTCCA  
#Ac_PCN4 .....  
  
#A.culbertsoni_T10_AF019067 TCAAAA-CCC ATACGTGGC TTTGAGATCC GCTGCATTAG TGATGAGGCG CGTTCGCGCG CGCTTTATCA TTAGTGGCG CGGGTCCAG GTGCGTATGG CGGGTAGGGT TCGCGTITG TGCTTCTTAG AGGGACT-CT GGCGCTAGT  
#Ac_PCN4 .....A .....T .....G .....A .....G .....  
  
#A.culbertsoni_T10_AF019067 CAGCGGAAGT TTGAGGAAT AACAGGTCTG TGATGCCCT AGATGTTCTG GGCGCACGC GCGCTACACT GATTAATTCA ACAGAGTCCGC TTCATCGAG CGCTAGATTA GTTTGGTTT GTAAACACAA ACAAGACTAT TTCTGCTGTC  
#Ac_PCN4 .....  
  
#A.culbertsoni_T10_AF019067 CTTGATCGCG CCTGGGCCGA TAGGTCTGGG TAATCTTGC AAATTTAATC GTGCTGGGA TAGATCATG TAATTATTGA TCTTCACGA GGAATTCTTA GTAAGCGCGA GTCATCAGCT CGCGTTGATT ACGTCCCTGC CCTTTGTACA  
#Ac_PCN4 .....  
  
#A.culbertsoni_T10_AF019067 CACCGCCCGT CGCTCCTACC GATTGAATGG TCCGGTGAAA TCCTCGGAGC CGTGGCTCT AYGAATCCG GGCAACGGGG TTGTGAGGTC GTGGGTGGCT TGAGAGTGGC AACACTCTTA GGTGCCCCCTG CGGGTAAAG TCGATTGAAC  
#Ac_PCN4 .....C .....C .....  
  
#A.culbertsoni_T10_AF019067 CTTACCATT AGAGGAAGGA GAAG  
#Ac_PCN4 .....
```

รูปที่ 20. แสดงการเปรียบเทียบลำดับนิวคลีอิโตกัดของ SSU rRNA gene ในกลุ่ม T9 ของเชื้อ *Acanthamoeba* ที่ได้จากการหมักชีติ จุดหมายถึงเบสที่เหมือนกันในแต่ละตำแหน่ง ขีดหมายถึงการขาดหายไปของเบส อักษรย่อ Ac = *Acanthamoeba*

แสดงบริเวณของ DF3

```

#A.comandoni_T9_AF019066 TGAAATTCTT GGATTTATGA AAGATTAAC TCTGCGAAAG CATCTGCCA GGATGTTTC ATTAATCAAG AACGAAAGTT AGGGGATCGA AGACGATTAG ATACCGTCGT AGTCTTAACC ATAAACCAGT CCGACCAGCG ATTGGGAGAC
#ac_E2a ..... .
#ac_E2b ..... .
#ac_E2c ..... .

#A.comandoni_T9_AF019066 GTTTCACACG GGGGTGGTCC CCATGGGGAG AGTGCCTGGG GGTGGCGCT TCATGCCTGG GCCTCCTCGC CTTTCCCCTTT GGGGGGCTGC TCCCCTAA GGATGACTCC CCCAGCAGCT TGTGAGAAAT CATCAAGTCT TTGGGTTCCG
#ac_E2a ..... .A..... .G..... .T.G..... .
#ac_E2b ..... .A..... .G..... .T.G..... .
#ac_E2c ..... .A..... .G..... .T.G..... .

#A.comandoni_T9_AF019066 GGGGGAGTAT GTTCGCAAGG CTGAAACTTA AAGGAATTGA CGGAAGGGCA CCACCAGGAG TGGAGCCTGC GGCTTAATT GACTCAACAC GGGGAAACCTT ACCAGGTCCG GACATAGTAA GGATTGACAG ATTGATAGCT CTTTCTTGAT
#ac_E2a ..... .
#ac_E2b ..... .
#ac_E2c ..... .

#A.comandoni_T9_AF019066 TCTATGGGTG GTGGTGCATG GCCGTTCTTA GTTGGTGGAG TGATTTGTCT GGTTAATTCC GTTAACGAAC GAGACCTAA CCTGCTAAAT AGCCGCGCTC ATCCTTGCC ATCCAAGCC CGCGTATGTT TTTAATACG GTCTGC-CGT
#ac_E2a ..... .
#ac_E2b ..... .
#ac_E2c ..... .

#A.comandoni_T9_AF019066 GGCGCGCTCT CCGCTCGCGT CAAAAGCGA --CGGGCGG CGGGCCATGG CGCGCGTGCA TCGCGGGTG GTCGGATGG- CGTCTCGCT TCTTAGAGGG ACTGTCTCGC CTTAGCAGAC GGAAGTTGA GGCAATAACA GGTCTGTGAT
#ac_E2a ..... .T..... .GC..... .G..... .
#ac_E2b ..... .GC..... .G..... .
#ac_E2c ..... .T..... .GT..... .T..... .G..... .

#A.comandoni_T9_AF019066 GCCCTTAGAT GTTCTGGGCC GCACCGCGC TACACTGATT AATTCAACGA GTTCCACTGC GCTTGTGCGT GGCGGTTGGC CGTCGTGCTG --TGCTCGG TCGCAAGACC GGGTGCGGTG CGCGC--GGT TGGCGCTGCG GCGCGCTCG
#ac_E2a ..... .
#ac_E2b ..... .
#ac_E2c ..... .

#A.comandoni_T9_AF019066 TCCCTGGGCC GATAGGTCTG GTGAAATT TA ATCGTCTGG GGATAGATCA TTGTAATT TGATCTCAA CGAGGAATT CTAGTAAGCG CGAGTCATCA GCTCGCGTTG ATTACGTCCC TGCCCTTGT ACACACCGCC
#ac_E2a ..... .
#ac_E2b ..... .
#ac_E2c ..... .

#A.comandoni_T9_AF019066 CGTCGCTCCT ACCGATTGAA TGGTCCGGTG AAATCCCCGG AGCCTGGCT CTCTGTCACC CAGTGTCCCC TTCTCTCTC TTCCCTCGCG GGTGGAGGGG GAGGGCCACT GTTGAGAGGC CTCTTCAGG CGAAGCCGAT TGAACCTTAC
#ac_E2a ..... .
#ac_E2b ..... .
#ac_E2c ..... .

#A.comandoni_T9_AF019066 CATTAGAGG AGGGAGAAG
#ac_E2a ..... .
#ac_E2b ..... .
#ac_E2c ..... .

```

ศูนย์วิทยทรัพยากร จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

รูปที่ 21. แสดงการเปรียบเทียบลำดับนิวคลีโอไทด์ของ SSU rRNA gene ในกลุ่ม T11 ของเชื้อ *Acanthamoeba* ที่ได้จากการหมักดิช จุดหมายถึงเบสที่เหมือนกันในแต่ละตำแหน่ง ขีดหมายถึงการขาดหายไปของเบส อักษรย่อ Ac = *Acanthamoeba*

แสดงบริเวณของ DF3

```
#A.hatchetti_T11_AF019068 TCATATGCTT GTCTCAAAGA TTAAGCCATG CATGTCTAAG TATAAGCTTG TTTATACGGC GAGACTGCGG ATGGCTCATT AAATCAGTTA TAGTTTATTT GATGGTCTCT TTTCTATATT --TTACCTAC TTGGATAACC GTGGTAATTC
#Ac_E13 .....T.....GT.....
#A.hatchetti_T11_AF019068 TAGAGCTAAT ACATCGCAA GGTCCCAGC GCGACGGCGG GGGTCTCACAA AGGATCTGGT CCTCTGCATGC GCAGAGGGAT GTATTTATTA GGTTAAAAC CAGCAGGGTC AGCAATGGCG TTCACA-CACA ACTGGTGATT CATACTAAC
#Ac_E13 .....A.C.....---GCT.....T.....C.A.....T.....
#A.hatchetti_T11_AF019068 CTTCGGATC GCATTGATGT CCTCCTTGTG GGGACGGGA CGATTCACTC AAATTCTGC CCTATCAACT TTCGATGGTA GGATAGAGGC CTACCATGGT CGTAACGGGT AACGGAGAA TAGGTTCGA TTCCGGAGAG GGAGCCTGAG
#Ac_E13 .....C.....C.....
#A.hatchetti_T11_AF019068 AAATGGCTAC CACTTCTAAG GAAGGCAGCA GGGCGCAA TTACCCAATC CCGACACGGG GAGGTAGTGA CAATAAATAA CAATACAGGC GCTCGATAAG AGTCTTGAA TTGGAATGAG TACAATTAA ACCCCTTAAC GAGTAACAAAT
#Ac_E13 .....C.....C.....
#A.hatchetti_T11_AF019068 TGGAGGGCAA GTCTGGTGCC AGCAGCGCG GTAATTCCAG CTCCAATAGC GTATATTAAA GTTGTGAG TTAAAAGCT CGTAGTTGGA TCTAGGGAGC CGCATTCAA GCGTCCGCAC TATCGGGTCA AACCGGTAGT GCGT-GGC
#Ac_E13 .....C.....C.....CG.T.....T.A.G.....T.T.....
#A.hatchetti_T11_AF019068 TGCGGCTCG GTCCGTTGGT GCCCACTAAA GCATCAGCGT GTCAACCGGC CGGCCCGTCC CCTCCCTCTG GATTCCCGT CCGTCTATTG AGTTAGTGGG GACGTCACAG GGGGTCCATC GTCGGTCAGC AATGGCCGC GGTGGATCC
#Ac_E13 .....T.A--C...A.....T.....T.....G..A.....AG.....
#A.hatchetti_T11_AF019068 TGGGGCCAG ATCGTTTACG GTGAAAAAAAT TAGAGTGTG AAAGCAGGCA GATCCAATT TCTGCCACCG AATACATTAG CATGGGATAA TGGAAATAGGA CCCTGTCCCT CTATTTTCAG TTGGTTTGG CACGCGAGGA CCAGGGTAAT
#Ac_E13 .....C.....C.....A.....A.....
#A.hatchetti_T11_AF019068 GATTAATAGG GATAGTTGGG GGCAATTATA TTTAATTGTC AGAGGTAAA TTCTGGATT TATGAAAGAT TAACCTCTGC GAAAGCATCT GCCAAGGATG TTTCTATTAA TCAAGAACAG AAGTTAGGGG ATCGAAGAGC ATCAGATAC
#Ac_E13 .....C.....C.....
#A.hatchetti_T11_AF019068 GTCGTAGTCT TAACCATAAA CGATGCCGAC CAGCGATTAG GAGACGTTGA ATACAAAACA CCACCATCGG TGCGGTGTC CTTGGCGC-- GTCGTGGCTT G--CTGCGGC --GTGCGAGG GCGGTTTAGC CTGATGG-CA TCGGTGAATG
#Ac_E13 .....T.....T.....ATT.....GC.....AG.....G.....A.....ATT.....
#A.hatchetti_T11_AF019068 ACTCCCCTAG CAGCTTGTGA GAAATCATAA GTCTTGGGT TCCGGGGGG GTATGGTGC AAGGCTGAAA CTTAAAGGA TTGACGGAAG GGCACACCAAG GAGTGGAGCC TGCGGCTTAA TTTGACTCAA CACGGGAAA CTTACCAAGGT
#Ac_E13 .....C.....C.....
#A.hatchetti_T11_AF019068 CGGGACATAG TAAGGATTGA CAGATTGATA GCTCTTCTT GATTCTATGG GTGGTGGTGC ATGGCGTTC TTAGTTGGT GAGTGATTG TCTGGTTAAT TCCGTTAACG AACGAGACCT TAACCTGCTA AATATGCCGC GCTAACCGC
#Ac_E13 .....C.....C.....
#A.hatchetti_T11_AF019068 CCATCAAAAC CCATCGCGG CTCACCGGGT CCGCTGCGAG ACAGTGCAGC CTGCGGTGG TGCTGTTCTG CCGGCAGGGC CCGGGCTCGT GTGGCGGTA GGGTCGGCG TCCGTGCTTC TTAGAGGGAC TGCTGCGCCTC CTAGCCAGCG
#Ac_E13 .....T.....T.....G.....T.....A..C.....T..C.....C.....
#A.hatchetti_T11_AF019068 GAAGTTTGAG GCAATAACAG GTCGTGTGATG CCCTTAGATG TTCTGGCCG CACGCGCGCT ACACGTGATTA ATCCAACAG TCCGCTTCAA TTGAGGCCGT -AGCGTGTG TGGGGTCAAAC CCCATGCGCG GTCTG---C TGCTCGAT
#Ac_E13 .....C.....C.....G..T.....TGCAT.....CGCGTT.....T.....
#A.hatchetti_T11_AF019068 CGCGCCTGGG CGGATAGGTC CGGGTAATCT TTGCAAATTT AATCGTGTG GGGATAGATC ATTGTAATTAA TTGATCTTCA ACAGGAAATT CCTAGTAAGC GCGAGTCATC AGCTCGCGT GATTACGTCC CTGCCCTTG TACACACC
#Ac_E13 .....C.....C.....
#A.hatchetti_T11_AF019068 CCGTCGCTCC TACCGATTGA ATGGTCCGGT GAAATCCTCG GAGCCGTGGC CTCTACGCAA TCCGGCAAC CGGGTTGTGA GGTCTCCCCC ATTTGGCCGC GAAGTCGATT GAACCTTACCA ATTTAGAGGA AGGAGAAGTC GTAACAAGGT
#Ac_E13 .....C.....C.....
#A.hatchetti_T11_AF019068 CTCCGTAG
#Ac_E13 .....C.....C.....
```

รูปที่ 22. แสดงการเปรียบเทียบลำดับนิวคลีโอไทด์ของ SSU rRNA gene ในกลุ่ม T4 ของเชื้อ *Acanthamoeba* ที่ได้จากการหมักดิและผู้ป่วย จุดหมายถึงเบสที่เหมือนกันในแต่ละตำแหน่ง ขีดหมายถึงการขาดหายไปของเบส อักษรย่อ Ac = *Acanthamoeba*

[] แสดงบริเวณของลำดับนิวคลีโอไทด์ที่มีความหลากหลาย

แสดงบริเวณของ DF3

```
#A.castellanii_T4_U07416 TCCTGCCAGT AGTCATATGC TTGTCTCAA GATTAAGCCA TGCATGTCTA AGTATAAGCT TGTTTATACG GCGAGACTGC GGATGGCTCA TTAAATCAGT TATAGTTTAT TTGATGGTCT CTTTTGTCTT TTTT---AC CTACTGGAT
#Ac_F2 .....T--.
#Ac_PCS12 .....T--.
#Ac_PCN12a .....T--.
#Ac_PCN12b .....T--.
#Ac_PCN12c .....T--.
#Ac_PCN12d .....T--.
#Ac_E5a .....T--.
#Ac_E5b .....T--.
#Ac_F1b .....T--.
#Ac_F1c .....T--.
#Ac_F1d .....T--.
#Ac_E4c .....T--.
#Ac_F1a .....T--.
#Ac_F1e .....T--.
#Ac_E6a .....T--.
#Ac_E6d .....T--.
#Ac_E8b .....T--.
#Ac_E8c .....T--.
#Ac_E6e .....T--.
#Ac_E11 .....T--.
#Ac_E6c .....T--.
#Ac_E8a .....T--.
#Ac_F3 .....T--.
#Ac_E6b .....T--.
#Ac_E12a .....T--.
#Ac_E12d .....T--.
#Ac_PCN3 .....T--.
#Ac_E12c .....T--.
#Ac_E4b .....T--.
#Ac_E12b .....T--.
#Ac_E12d .....T--.
#Ac_E4d .....T--.
#Ac_E3 .....T--.
#Ac_E4a .....T--.
#Ac_E4e .....T--.
#Ac_E7a .....T--.
#Ac_E7b .....T--.
#Ac_E10a .....T--.
#Ac_E10b .....T--.
#Ac_E10c .....T--.
```



```

#A.castellanii_T4_U07416 TGGTGATTCA TAGTAACTCTT TCCGGATCGC ATTCAATGCC TCCTT-GTGG GGACGGCGAC GATTCAATTCA AATTCTGCC CTATCAACTT TCGATGGTAG GATAGAGGCC TACCATGGTC GTAACGGGTA ACGGAGAATT AGGGTTCGAT
#Ac_F2 .....C.....
#Ac_PCS12 .....C.....
#Ac_PCN12a .....C.....
#Ac_PCN12b .....C.....
#Ac_PCN12c .....C.....
#Ac_PCN12d .....C.....
#Ac_E5a .....C.....
#Ac_E5b .....C.....
#Ac_F1b .....C.....
#Ac_F1c .....C.....
#Ac_F1d .....C.....
#Ac_E4c .....C.....
#Ac_F1a .....C.....
#Ac_F1e .....C.....
#Ac_E6a .....C.....
#Ac_E6d .....C.....
#Ac_E8b .....C.....
#Ac_E8c .....C.....
#Ac_E6e .....C.....
#Ac_E11 .....C.....
#Ac_E6c .....C.....
#Ac_E8a .....C.....
#Ac_F3 .....C.....
#Ac_E6b .....C.....
#Ac_E12a .....-.....
#Ac_E12d .....-.....
#Ac_PCN3 .....-.....
#Ac_E12c .....-.....
#Ac_E4b .....-.....
#Ac_E12b .....-.....
#Ac_E4d .....-.....
#Ac_E3 .....-.....
#Ac_E4a .....-.....
#Ac_E4e .....-.....
#Ac_E7a .....-.....
#Ac_E7b .....C.-.....
#Ac_E10a .....-.....
#Ac_E10b .....-.....
#Ac_E10c .....-.....

```

ศูนย์วิทยาห้อง จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

#A.castellanii_T4_U07416 TCCGGAGAGG GAGCCTGAGA AATGGCTACC ACTTCTAAGG AAGGCAGCAG GCGCGCAAAT TACCCAAATCC CGACACGGGG AGGTAGTGAC AATAAATAAC AATACAGGCG CTCGATAAGA GTCTTGTAAAT TGG-AATGAG TACAATTAA
#Ac_F2
#Ac_PCS12
#Ac_PCN12a
#Ac_PCN12b
#Ac_PCN12c
#Ac_PCN12d
#Ac_E5a
#Ac_E5b A.
#Ac_F1b
#Ac_F1c
#Ac_F1d
#Ac_E4c
#Ac_F1a
#Ac_F1e
#Ac_E6a
#Ac_E6d
#Ac_E8b
#Ac_E8c
#Ac_E6e
#Ac_E11
#Ac_E6c
#Ac_E8a
#Ac_F3
#Ac_E6b C. G.
#Ac_E12a
#Ac_E12d G.
#Ac_PCN3
#Ac_E12c
#Ac_E4b
#Ac_E12b
#Ac_E4d
#Ac_E3
#Ac_E4a
#Ac_E4e G.
#Ac_E7a
#Ac_E7b
#Ac_E10a
#Ac_E10b
#Ac_E10c

ศูนย์วิทยาห้อง จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

```

#A.castellanii_T4_U07416 ACCCCCTAA- CGAGTAACAA TTGGAGGGCA AGTCTGGTGC CAGCAGCCGC GGTAATTCCA GCTCCAATAG CGTATATTAA AGTTGTTGCA GTTAAAAGC TCGTAGTTGG ATCTAGGGAC GCGCATTTCA AGCGCCCGTG TCGTCGGGTC
#Ac_F2 .....-..... .
#Ac_PCS12 .....-..... .
#Ac_PCN12a .....-..... .
#Ac_PCN12b C .....-..... .
#Ac_PCN12c .....-..... .
#Ac_PCN12d .....-..... .
#Ac_E5a .....-..... .
#Ac_E5b .....-..... .
#Ac_Flb .....-..... A . .
#Ac_Flc .....-..... .
#Ac_Fld .....-..... .
#Ac_E4c .....-..... .
#Ac_Fla .....-..... .
#Ac_Fle .....-..... .
#Ac_E6a .....-..... .
#Ac_E6d .....-..... .
#Ac_E8b .....-..... .
#Ac_E8c .....-..... .
#Ac_E6e .....-..... .
#Ac_E11 .....-..... .
#Ac_E6c .....-..... .
#Ac_E8a .....-..... .
#Ac_F3 .....-..... .
#Ac_E6b .....-..... .
#Ac_E12a .....-..... .
#Ac_E12d .....-..... .
#Ac_PCN3 .....-..... .
#Ac_E12c .....-..... .
#Ac_E4b .....-..... .
#Ac_E12b .....-..... .
#Ac_E4d .....-..... .
#Ac_E3 .....-..... .
#Ac_E4a .....-..... .
#Ac_E4e .....-..... .
#Ac_E7a .....-..... .
#Ac_E7b .....-..... .
#Ac_E10a .....-..... .
#Ac_E10b .....-..... .
#Ac_E10c .....-..... .

```



```

#A.castellanii_T4_U07416 CG-TCATGCA AATGG-CGGC GGTGGGTCCC TGGGGCCAG ATCGTTTACC GTGAAAAAT TAGAGTGTTC AAAGCAGGCA GATCCAATT TCTGCCACCG AATACATTAG CATGGGATAA TGGAATAGGA CCCTGTCTC CTATTTTCAG
#Ac_F2 .....A.....T.
#Ac_PCS12 ..C.....T.
#Ac_PCN12a ..C.....T.
#Ac_PCN12b ..C.....T.
#Ac_PCN12c ..C.....T.
#Ac_PCN12d ..C.....T.
#Ac_E5a .....T.
#Ac_E5b .....T.
#Ac_F1b ..T.....T.
#Ac_F1c ..T.....T.
#Ac_F1d ..T.....T.
#Ac_E4c .....T.
#Ac_F1a .....T.
#Ac_F1e .....T.
#Ac_E6a .....T.
#Ac_E6d .....C.
#Ac_E8b .....C.
#Ac_E8c .....C.
#Ac_E6e .....C.....C.
#Ac_E11 .....C.
#Ac_E6c .....C.
#Ac_E8a .....C.
#Ac_F3 .....C.
#Ac_E6b ..CA...C.
#Ac_E12a ..CA...C.
#Ac_E12d ..CA...C.
#Ac_PCN3 ..CA...C.
#Ac_E12c ..CA...C.
#Ac_E4b ..CA...C.
#Ac_E12b ..CA...C.
#Ac_E4d ..A.G...C.G.
#Ac_E3 ..G...C.
#Ac_E4a ..A.G...C.G.
#Ac_E4e ..A.G...C.G.
#Ac_E7a ..A.G...C.G.
#Ac_E7b ..A.G...C.G.....G.
#Ac_E10a ..A.G...C.G.
#Ac_E10b ..A.G...C.G.
#Ac_E10c ..A.G...C.G.

```

ศูนย์วิทยาห้องปฏิบัติการ จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

#A.castellanii_T4_U07416 TTGGTTTGG CAGCGCGAGG ACTAGGGTAA TGATTAATAG GGATAGTTGG GGGCATTAAT ATTTAATTGT CAGAGGTGAA ATTCTTGAT TTATGAAAGA TTAACCTCTG CGAAAGCATC TGCCAAGGAT GTTTCAATTA ATCAAGAACG
#Ac_F2
#Ac_PCS12
#Ac_PCN12a
#Ac_PCN12b
#Ac_PCN12c
#Ac_PCN12d
#Ac_E5a
#Ac_E5b A C G
#Ac_F1b
#Ac_F1c
#Ac_F1d
#Ac_E4c
#Ac_F1a
#Ac_F1e
#Ac_E6a
#Ac_E6d
#Ac_E8b
#Ac_E8c A C
#Ac_E6e
#Ac_E11
#Ac_E6c
#Ac_E8a
#Ac_F3
#Ac_E6b
#Ac_E12a
#Ac_E12d
#Ac_PCN3
#Ac_E12c
#Ac_E4b GCGA.A A.G
#Ac_E12b
#Ac_E4d
#Ac_E3
#Ac_E4a
#Ac_E4e
#Ac_E7a
#Ac_E7b
#Ac_E10a
#Ac_E10b
#Ac_E10c

ศูนย์วิทยาศาสตร์ จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

```

#A.castellanii_T4_U07416 AAAGTTAGGG GATCGAAGAC GATCAGATA CCGTCGTAGTC TTAACCATAA ACGATGCCGA CCAGC-GATT AGGAGACGTT GAATACAAAA CACCAC--C ATCGGC-GCG GTCGTCCTTG GCGTCTGTCC CTTCAACGG GGGCAGGGCG
#Ac_F2 ..... T-..... C---.TG G.C.TC--AA AA..CA...
#Ac_PCS12 ..... T-..... TG G.C.TC--AA AA..CA...
#Ac_PCN12a ..... T-..... TG G.C.TC--AA AA..CA...
#Ac_PCN12b ..... T-..... TG G.C.TC--AA AA..CA...
#Ac_PCN12c ..... T-..... TG G.C.TC--AA AA..CA...G
#Ac_PCN12d ..... T-..... TG G.C.TC--AA AA..CA...G
#Ac_E5a ..... T-..... A ..... T.-G G.C.TGAAA A..CA..-G
#Ac_E5b ..... T-..... A ..... T.-G G.C.TGAAA A..CA..-G
#Ac_F1b ..... T-..... A ..... T.-G G.C.TGAAA A..CA..CG
#Ac_F1c ..... T-..... A ..... T.-G G.C.TGAAA A..CA..-G
#Ac_F1d ..... T-..... A ..... T.-G G.C.TGAAA A..CA..-G
#Ac_E4c ..... T-..... A ..... T.-G G.C.TC--AA AA..CA..-G
#Ac_F1a ..... T-..... C---.TG G.C.TC--AA AA..CA...
#Ac_F1e ..... T-..... C---.TG G.C.TC--AA AA..CA...
#Ac_E6a ..... T-..... T ..... T.G...G--- --.C...
#Ac_E6d ..... T-..... T ..... G.G...G--- --.C...
#Ac_E8b ..... T-..... T ..... G.G...G--- --.C...
#Ac_E8c ..... T-..... T ..... G.G...G--- --.C...
#Ac_E6e ..... T-..... CT..T ..... G.G...G--- --.C...
#Ac_E11 ..... T-..... CT..T ..... G.G...G--- --.C...
#Ac_E6c ..... T-..... CT..T ..... T.G...G--- --.C...
#Ac_E8a ..... T-..... T ..... G.G...G--- --.C...
#Ac_F3 ..... T-..... T ..... G.G...G--- --.C...
#Ac_E6b ..... T-..... T ..... G.G...G--- --.C...
#Ac_E12a ..... TT..... --C..G.G...G--- --.C..G...
#Ac_E12d ..... TT..... --C..G.G...G--- --.C..G...
#Ac_PCN3 ..... TT..... --C..G.G...G--- --.C..G...
#Ac_E12c ..... TT..... --C..G.G...G--- --.C..G...
#Ac_E4b ..... TT..... --C..G.G...G--- --.C..G...
#Ac_E12b ..... TT..... --C..G.G...G--- --.C..G...
#Ac_E4d ..... TT..... --C..G.G...G--- --.C..G...
#Ac_E3 ..... TT..... A ..... --C..G.G...G--- --.C..G...
#Ac_E4a ..... TT..... --C..G.G...G--- --.C..G...
#Ac_E4e ..... TT..... --C..G.G...G--- --.C..G...
#Ac_E7a ..... TT..... --C..G.G...G--- --.C..G...
#Ac_E7b ..... TT..... --C..G.G...G--- --.C..G...
#Ac_E10a ..... TT..... --C..G.G...G--- --.C..G...
#Ac_E10b ..... C.ACC..... TT..... --C..G.G...G--- --.C..G...
#Ac_E10c ..... TT..... --C..G.G...G--- --.C..G...

```

ศูนย์วิทยาห้องปฏิบัติการ จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

```

#A.castellanii_T4_U07416 --GAGGGCGG TTAGCCCGG TGGCACCGGT GAATGACTCC CCTAGCAGCT TGTGAGAAAT CATAAGTC TT GGGTTCCGG GGGGAGTATG GTGCAGGC TGAAACTTAA AGGAATTGAC GGAAGGGCAC CACCAGGAGT GGAGCCTGCG
#Ac_F2 GC.G.....C.
#Ac_PCS12 --G...T..C.
#Ac_PCN12a -C.G...T..C.
#Ac_PCN12b --G...T..C.
#Ac_PCN12c -C.G...C.
#Ac_PCN12d -C.G...C.
#Ac_E5a -C.G...T..C.
#Ac_E5b -C.G...T..C.
#Ac_F1b -C.G...T..C.
#Ac_F1c -C.G...T..C..A.
#Ac_F1d -C.G...T..C.
#Ac_E4c -C.G...T..C.
#Ac_F1a GC.G.....C.
#Ac_F1e GC.G.....C.
#Ac_E6a --G.....C.
#Ac_E6d --G.....C.
#Ac_E8b --G..AT..C.
#Ac_E8c --G..AT..C.
#Ac_E6e --G..AT..C.
#Ac_E11 --G..AT..C.
#Ac_E6c --G..AT..C.
#Ac_E8a --G..AT..C.
#Ac_F3 --G..AT..C.
#Ac_E6b --G.....C.
#Ac_E12a GC.G..AT..C.
#Ac_E12d GC.G..AT..C.
#Ac_PCN3 GC.G..AT..C.
#Ac_E12c GC.G..AT..C.
#Ac_E4b GC.G..AT..C.
#Ac_E12b GC.G..AT..C.
#Ac_E4d GC.G..A... .
#Ac_E3 GC.G..AT..C.
#Ac_E4a GC.G..A... .
#Ac_E4e GC.G..A... .
#Ac_E7a GC.G..A... .
#Ac_E7b GC.G..A... .
#Ac_E10a GC.G..AT..C.
#Ac_E10b GC.G..AT..C.
#Ac_E10c GC.G..AT..C.

```

ศูนย์วิทยาห้อง จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

#A.castellanii_T4_U07416 GCTTAATTTG ACTCAACACG GGGAAACTTA CCAGGTCCGG ACATAGTAAG GATTGACAGA TTGATAGCTC TTTCTTGATT CTATGGTGG TGTTGCATGG CCGTTCTTAG TTGGTGGAGT GATTGTCTG GTTAATTCCG TTAACGAACG
#Ac_F2
#Ac_PCS12
#Ac_PCN12a
#Ac_PCN12b
#Ac_PCN12c
#Ac_PCN12d
#Ac_E5a
#Ac_E5b
#Ac_F1b
#Ac_F1c
#Ac_F1d
#Ac_E4c
#Ac_F1a
#Ac_F1e
#Ac_E6a
#Ac_E6d
#Ac_E8b
#Ac_E8c
#Ac_E6e
#Ac_E11
#Ac_E6c
#Ac_E8aC.....C.....
#Ac_F3
#Ac_E6b
#Ac_E12a
#Ac_E12d
#Ac_PCN3
#Ac_E12c
#Ac_E4b
#Ac_E12b
#Ac_E4d
#Ac_E3
#Ac_E4a
#Ac_E4eG.....
#Ac_E7a
#Ac_E7b
#Ac_E10a
#Ac_E10b
#Ac_E10c

ศูนย์วิทยาห้องปฏิบัติการ จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

```

#A.castellanii_T4_U07416 AGACCTTAAC CTGCTAAATA TGCCGCGCTA ACCCGTCAT CAAACCCAT GCGTGGCTCA CGCGTCCGC TGCGGGTGG TGTCGCTTCG CGCGACGTC ATCCGCCGG CAGGGCCGG GTCCGTGTT GCGTAGGGT TCGGCCGCG
#ac_F2
#ac_PCS12
#ac_PCN12a
#ac_PCN12b .T.
#ac_PCN12c .T.
#ac_PCN12d .T.
#ac_E5a .T.
#ac_E5b .T.
#ac_F1b
#ac_F1c .T.
#ac_F1d .T.
#ac_E4c
#ac_Fla
#ac_Fle .C.
#ac_E6a .T.
#ac_E6d .T.
#ac_E8b .T.
#ac_E8c .T.
#ac_E6e .T.
#ac_E11 .T.
#ac_E6c .T.
#ac_E8a
#ac_F3
#ac_E6b .T.
#ac_E12a .T.
#ac_E12d .T.
#ac_PCN3 .T.
#ac_E12c .T.
#ac_E4b .T.
#ac_E12b .C. .T. .C.
#ac_E4d .T. .C.
#ac_E3 .T.
#ac_E4a .T.
#ac_E4e .T.
#ac_E7a .T.
#ac_E7b .T.
#ac_E10a .C. .T.
#ac_E10b .C. .T.
#ac_E10c .C. .T. A.

```

```

#A.castellanii_T4_U07416 TGCTTCTTAG AGGGACTGCT GCGCGCCTAG CCAGCGGAAG TTTGAGGCAA TAACAGGTCT GTGATGCCCT TAGATGTTCT GGGCCGCACG CGCGCTACAC TGATTAATCC AACGAGTCGG CTTCAATCGA GGCGCGATG- CCGTT--GGG
#Ac_F2 .....T.G..G .T.G.GC...
#Ac_PCS12 .....T.G..- .T.G.GC...
#Ac_PCN12a .....T.G..- .T.G.GC...
#Ac_PCN12b .....T.G..- .T.G.GC...
#Ac_PCN12c .....T.G..- .T.G.GC...
#Ac_PCN12d .....T.G..- .T.G.GC...
#Ac_E5a .....T.G..- .T.G.GC...
#Ac_E5b .....T.G..- .T.G.GC...
#Ac_F1b .....T.G..- .T.G.GC...
#Ac_F1c .....T.G..- .T.G.GC...
#Ac_F1d .....T.G..- .T.G.GC...
#Ac_E4c .....T.G..- .T.G.GC...
#Ac_F1a .....T.G..- .T.G.GC...
#Ac_F1e .....T.G..- .T.G.GC...
#Ac_E6a .....AGC.- ..G.GC...
#Ac_E6d .....AGC.- ..G.GC...
#Ac_E8b .....AGC.- ..G.GC...
#Ac_E8c .....AGC.- ..G.GC...
#Ac_E6e .....AGC.- ..G.GC...
#Ac_E11 .....T...
#Ac_E6c .....AGC.- ..G.GC...
#Ac_E8a .....AGC.- ..G.GC...
#Ac_F3 .....AGC.- ..G.GC...
#Ac_E6b .....AGC.- ..G.GC...
#Ac_E12a .....C TG.GTC...
#Ac_E12d .....T...CGG.GT...CGTT T..T-----C TG.GTC...
#Ac_PCN3 .....C TG.GTC...
#Ac_E12c .....C TG.GTC...
#Ac_E4b .....C TG.GTC...
#Ac_E12b .....C TG.GTC...
#Ac_E4d .....T.GC.- .T.G.-C...
#Ac_E3 .....T.GC.C TG.GTC...
#Ac_E4a .....T.GC.- .T.G.-C...
#Ac_E4e .....T.GC.- .T.G.-C...
#Ac_E7a .....T.GC.- .T.G.-C...
#Ac_E7b .....T.GC.- .T.G.-C...
#Ac_E10a .....T.GC.- .T.G.-C...
#Ac_E10b .....T.GC.- .T.G.-C...
#Ac_E10c .....T.GC.- .T.G.-C...

```

ศูนย์วิทยาทรัพยากร จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

```

#A.castellanii_T4_U07416 GTCAAACCCA -ACTGT---G TCGCTGTCCCT CGATCGCGCC TGGCCGATA GGTCCGGTA ATCTTGCAA ATTTAACGTC GCTGGGATA GATCATTGTA ATTATTGATC TTCAACGAGG AATTCTAGT AAGCGCGAGT CATCAGCTCG
#Ac_F2 .....G TG.C..GCCA .....
#Ac_PCS12 .....G TG.C..GC-A .....
#Ac_PCN12a .....G TG.C..GC-.....
#Ac_PCN12b .....G T...GCCA .....
#Ac_PCN12c .....G TG.C..GC-A .....
#Ac_PCN12d .....G T...GC-A .....
#Ac_E5a .....G T..CA.GC-A .....
#Ac_E5b .....G T..CA.GC-A .....
#Ac_F1b .....G TG.C..GC-A C.....
#Ac_F1c .....G T..CA.GC-A .....
#Ac_F1d .....G TG.CA.GCCA .....
#Ac_E4c .....G TG.C..GC-A C.....
#Ac_F1a .....G TG.CA.GCCA .....
#Ac_F1e .....G TG.CA.GCCA .....
#Ac_E6a .....G T..C.C-GC. .T....
#Ac_E6d .....G T..C.C-GC. .T....
#Ac_E8b .....G ..G T..C.C-GC. .T....
#Ac_E8c .....G T..C.C-GC. .T....
#Ac_E6e .....G T...C-GC. .T....
#Ac_E11 .....G T...C-GC. .T....
#Ac_E6c .....G T...C-GC. .T....
#Ac_E8a .....G T..C.CCGC. .T....
#Ac_F3 .....G T..C.CCGC. .T....
#Ac_E6b .....G TG.C.C-GC. .T....
#Ac_E12a .....G AT.C.C---. .....
#Ac_E12d .....G AT.C.C---. .....
#Ac_PCN3 .....G AT.C.C---. .....
#Ac_E12c .....G AT.C.C---. .....
#Ac_E4b .....G AT.C.C---. .....
#Ac_E12b .....G AT.C.C---. .....
#Ac_E4d .....G AT.C.C---. .....
#Ac_E3 .....G AT.C.C---. .....
#Ac_E4a .....G AT.C.C---. .....
#Ac_E4e .....G AT.C.C---. .....
#Ac_E7a .....G AT.C.C---. .....
#Ac_E7b .....G AT.C.C---. .....
#Ac_E10a .....G AT.C.C---. .....
#Ac_E10b .....G AT.C.C---. .....
#Ac_E10c .....G AT.C.C---. .....

```

ศูนย์วิทยาห้องปฏิบัติการ จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

#A.castellanii_T4_U07416 CGTTGATTAC GTCCCTGCC CTTGTACACA CCGCCCGTCG CTCCTACGA TTGAATGGTC CGGTGAAATC CTCGGAGCCG TGGCCTCTAC GCAAT-CCGG GCAACC GGTT TGTGAGGTCT CCCCTTTGG CGGC-GAAGT CGATTGAACC
#Ac_F2
#Ac_PCS12
#Ac_PCN12a
#Ac_PCN12b
#Ac_PCN12c
#Ac_PCN12d
#Ac_E5a
#Ac_E5b
#Ac_F1b
#Ac_F1c
#Ac_F1d
#Ac_E4c
#Ac_F1a
#Ac_F1e
#Ac_E6a
#Ac_E6d
#Ac_E8b
#Ac_E8cG.....
#Ac_E6e
#Ac_E11
#Ac_E6c
#Ac_E8aT.....
#Ac_F3
#Ac_E6b
#Ac_E12a
#Ac_E12d ..C.....C.....C..G.A. TC...---.T.GGC.....GG---.T..A.----.TG.G.CC. T.C.A...C T.T.C.....
#Ac_PCN3
#Ac_E12c
#Ac_E4b
#Ac_E12b
#Ac_E4d
#Ac_E3
#Ac_E4a
#Ac_E4e
#Ac_E7a
#Ac_E7b
#Ac_E10aT.....
#Ac_E10b
#Ac_E10c

ศูนย์วิทยทรัพยากร จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

#A.castellanii_T4_U07416 TTACCATTAA GAGGAAGGAG AAG
#Ac_F2
#Ac_PCS12
#Ac_PCN12a
#Ac_PCN12b
#Ac_PCN12c
#Ac_PCN12d
#Ac_E5a
#Ac_E5b
#Ac_F1b
#Ac_F1c
#Ac_F1d
#Ac_E4c
#Ac_F1a
#Ac_F1e
#Ac_E6a
#Ac_E6d
#Ac_E8b
#Ac_E8c
#Ac_E6e
#Ac_E11
#Ac_E6c
#Ac_E8a
#Ac_F3
#Ac_E6b
#Ac_E12a
#Ac_E12d
#Ac_PCN3
#Ac_E12c
#Ac_E4b
#Ac_E12b
#Ac_E4d
#Ac_E3
#Ac_E4a
#Ac_E4e
#Ac_E7a
#Ac_E7b
#Ac_E10a
#Ac_E10b
#Ac_E10c



ศูนย์วิทยทรัพยากร จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

รูปที่ 23. แสดงการเปรียบเทียบลำดับนิวคลีอิโกราชีของ DF3 ใน SSU rRNA gene ในกลุ่ม T4 ของเชื้อ Acanthamoeba ที่ได้จากการรวมชาติและผู้ป่วย จุดหมายถึงเบสที่เหมือนกันในแต่ละตำแหน่ง ข้อความด้านล่างเป็นการขาดหายไปของเบส อักษรย่อ Ac = Acanthamoeba

T4	GGC-GCGGTC GTCCTTGGCG TCTGTCCCTT TCAACGGGGG CAGGCAC--G AGGGCGGT
G1	..T-..... C--..TGG.C .TC--AAAAA. .CA....GC. G.....C-..... -.....-..-.....T...-..... -.-.....-..-.....T...-..... -.....G-.....
G2	..T-..... A..... ---T.-GG.C .TGCAAAA.. .CA..-G-C. G...T..C-.....G..C.....-.....A.
G3	..T-..... C--..TGG.C .TC--AAAAA. .CA....GC. G.....C
G4	..T-..... .T..... -....GG.. ..G-----. C.....-.. G.....C-.....AT...CT.....AT...AT...AT...
G5	..TT.....--C..GG.. ..G-----. .C..G..GC. G..AT..C-.....C...A.....

G1 = F2, PCS12, PCN12a, PCN12b, PCN12c, PCN12d

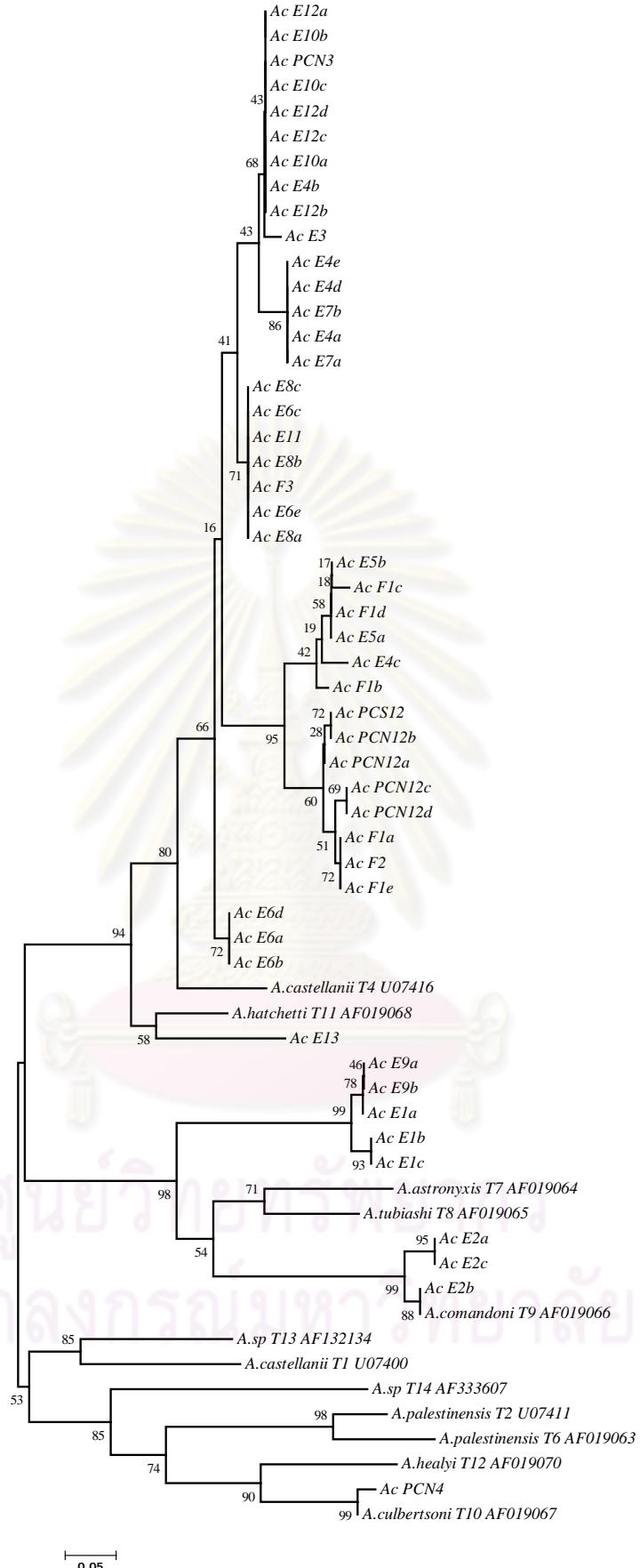
G2 = E5a, E5b, F1b, F1c, F1d, E4c

G3 = E4c, F1e

G4 = E6a, E6d, E8b, E8c, E6e, E11, E6c, E8a, F3, E6b

G5 = E12a, E12d, PCN3, E12c, E4b, E12b, E4d, E3, E4a, E4e, E7a, E7b, E10a, E10b, E10c

ศูนย์วิทยทรัพยากร
จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย



รูปที่ 24. แสดง phylogenetic tree ในปริเวณ DF3 ของยีน 18S rRNA ของ Acanthamoeba ที่ทำการศึกษา

บทที่ 5

อภิปรายผลการทดลองและข้อเสนอแนะ

จากการสำรวจแหล่งน้ำต่าง ๆ ในเขตกรุงเทพมหานครและปริมณฑล *Acanthamoeba* ที่มีการตรวจพบค่อนข้างรวมตัวอยู่ในพื้นที่บริเวณเขตมีนบุรีและรามคำแหงและกรุงเทพฯตัวไปยังพื้นที่ในเขตจังหวัดปทุมธานีและนนทบุรี ซึ่งเป็นเขตชานเมืองและปริมณฑล มีการพูดเชื่อ *Acanthamoeba* จากแหล่งน้ำได้ในช่วงที่มีสภาพอากาศแฉะ ได้แก่ ฤดูหนาว มีนาคม พฤศจิกายน และธันวาคม โดยไม่พบเชื้อจากแหล่งน้ำในช่วงฤดูฝนและมีสภาพอากาศชื้น ซึ่งมีปริมาณน้ำในแหล่งน้ำมาก อะมีบาที่อาศัยอยู่บริเวณผิวน้ำอาจถูกกรบกวนจากน้ำฝนและถูกชะล้างลงสู่ระดับน้ำที่ลึกลง เมื่อเปรียบเทียบคุณภาพและค่า pH ผลปรากฏว่าไม่มีความแตกต่างจากแหล่งน้ำที่พับและไม่พับเชื้อ ซึ่งมีคุณภาพ pH 31 องศาเซลเซียส ค่า pH ประมาณ 8.4 และมีสภาพเป็นด่าง ดังนั้น ถูกากลจึงเป็นปัจจัยสำคัญในการพบร่องรอยเชื้อจากธรรมชาติมากกว่าคุณภาพและค่าความเป็นกรด-ด่าง ของแหล่งน้ำโดยทั่วไป นอกจากนี้ยังสามารถตรวจพบ *Acanthamoeba* ได้จากเหือกปลาซึ่งเป็นการศึกษาในระดับอนุชีวโมเลกุลเป็นครั้งแรกในประเทศไทย

Acanthamoeba ที่พับในการสำรวจครั้งนี้จำนวน 16 ตัวอย่างเมื่อพิจารณาจากลักษณะชีสต์ สามารถแบ่งได้ออกเป็น 2 กลุ่ม ซึ่งมีลักษณะชีสต์ในกลุ่มที่ 1 จำนวน 3 ตัวอย่างจาก Ac_E1, Ac_E2 และ Ac_E9 ลักษณะชีสต์ในกลุ่มที่ 2 จำนวน 13 ตัวอย่างจาก Ac_E3, Ac_E4, Ac_E5, Ac_E6, AC_E7, Ac_E8, Ac_E10, Ac_E11, Ac_E12, Ac_E13, Ac_F1, Ac_F2 และ Ac_F3 และลักษณะชีสต์ที่พับจากผู้ป่วยนั้นมีลักษณะชีสต์ในกลุ่มที่ 2 ได้แก่ Ac_PCN3, Ac_PCN12 และ Ac_PCS12 ส่วน Ac_PCN4 มีลักษณะชีสต์ในกลุ่มที่ 3

รูปร่างลักษณะของ *Acanthamoeba* ที่เป็นลักษณะของชีสต์ที่จัดอยู่ในกลุ่มที่ 1 ผนังชั้นนอกและผนังชั้นในมีการสัมผัสกันเป็นบางบริเวณ บริเวณที่ไม่ได้สัมผัสกันจะเห็นผนังทึบสองแยกออกจากกันอย่างเห็นได้ชัดทำให้มีลักษณะเป็นแฉกคล้ายดาว เนื่องจากชีสต์มีลักษณะเป็นทรงกลมเมื่อมีการหมุนวนจะทำให้เห็นจำนวนแขนหรือรัศมีของผนังชั้นในเปลี่ยนแปลงไปชีสต์กลุ่มนี้แยกได้จากแหล่งน้ำในบึงลำพังพวยและสนามกีฬาแห่งชาติหัวหมาก และ *Acanthamoeba* ที่เป็นลักษณะของชีสต์ที่จัดอยู่ในกลุ่มที่ 2 สามารถแยกได้จากแหล่งน้ำภายใต้มหาวิทยาลัยเกษตรศาสตร์บางเขน เมืองทองธานี หมู่บ้านเพอร์เฟคเพสรามคำแหง รังสิตคลอง 6 สนามกีฬาแห่งชาติหัวหมาก หมู่บ้านสัมภารามคำแหงและตัวอย่างปลาจากบึงลำพังพวยและหมู่บ้านเพอร์เฟคเพสรามคำแหง มีผนังชีสต์ชั้นนอกหยักเป็นคลื่น ผนังชีสต์ชั้นในมีรูปว่างหลายแบบ เช่น กลม รี หรือหดหายเหลือร่องมีลักษณะไม่แน่นอน มักเห็นเป็นแจกแจงชั้นชั้น ตรงกับลักษณะของชีสต์ในกลุ่มที่ 2 และพบได้มากที่สุดจากการสำรวจครั้งนี้ถึง 13 ตัวอย่าง โดยไม่พบ *Acanthamoeba* ที่

มีลักษณะของชิสต์กลุ่มที่ 3 เนื่องจากผนังชั้นนอกของชิสต์กลุ่มนี้มีลักษณะที่บางอาจเป็นริ้วขนาดเล็ก ผนังชิสต์ชั้นในกลม การสั้นเกตัดลักษณะของชิสต์กลุ่มนี้จึงทำได้ยากและอาจสับสนได้กับชิสต์ในกลุ่มที่ 2 ซึ่งผนังชั้นในมีรูปร่างกลม โดยพบว่าชิสต์ในกลุ่มที่ 2 และ 3 มีการแพร์กระจายไปในสิ่งแวดล้อมและมีก่อโรคในคนได้มากที่สุด (Stothard *et al.*, 1998) แต่สปีชีส์ที่อยู่ในกลุ่มดังกล่าวยังประกอบด้วยสายพันธุ์ที่ก่อโรคและไม่ก่อโรค อีกทั้งขนาดและลักษณะของชิสต์ที่เมื่อชัดเจนทำให้เกิดความสับสนในการจัดแบ่งกลุ่ม ดังนั้นการพิจารณาลักษณะชิสต์และการตั้งชื่อสปีชีส์จึงไม่สมพนธ์กับความหลากหลายของ *Acanthamoeba* ที่มีอยู่ในธรรมชาติ (Visvesvara, 1991) การจัดความสัมพันธ์ภายใต้เจนัส *Acanthamoeba* จึงไม่สามารถอาศัยลักษณะของชิสต์ เป็นเกณฑ์ได้เนื่องจากลักษณะดังกล่าวมีความผันแปรไปตามสภาวะการเจริญเติบโตและปัจจัยอื่น ๆ แม้จะเป็นเชื้อชนิดเดียวกันก็ตาม (Jongwutiwes *et al.*, 2000) เมื่อมีการศึกษาโดยใช้เทคนิคทางอนุชีวโมเลกุลพบว่ามีประสิทธิภาพในการจัดหมวดหมู่ เช่น การเพิ่มปริมาณดีเอ็นเอของยีน 16S mitochondrial rRNA หรือ 18S rRNA โดยปฏิกริยาลูกไซโพรีแลนเซอร์สพบว่าสามารถใช้จำแนกชนิดและความหลากหลายของ *Acanthamoeba* ได้ (De Jonckere & Weekers, 1997; Kilvington *et al.*, 2004) จากการศึกษาของ Stothard และคณะ (1998) พบร่วมชิสต์ในกลุ่มที่ 1 มีความยาวประมาณ 2,600 - 2,700 คู่เบสโดยในตัวอย่าง Ac_E1, Ac_E2 และ Ac_E9 มีขนาดใกล้เคียงกันที่ความยาวประมาณ 2,500 คู่เบส และจากตัวอย่าง Ac_E3, Ac_E4, Ac_E5, Ac_E6, Ac_E7, Ac_E8, Ac_E10, Ac_E11, Ac_E12, Ac_E13, Ac_F1, Ac_F2, Ac_F3, AC_PCN3, Ac_PCS12 และ Ac_PCN12 ที่มีลักษณะตรงกับชิสต์ในกลุ่มที่ 2 และ Ac_PCN4 ที่มีลักษณะตรงกับชิสต์ในกลุ่มที่ 3 มีขนาดเท่ากันประมาณ 2,300 คู่เบส *Acanthamoeba* ในสปีชีส์หนึ่งสามารถมีรูปร่างและขนาดของชิสต์ได้หลายแบบ แต่จากวิเคราะห์ลำดับเบสช่วงยีนยังได้ว่าความหลากหลายนั้นเป็นชนิดเดียวกัน

ความหลากหลายทางพันธุกรรมของ *Acanthamoeba* จากตัวอย่างที่พบในธรรมชาติสามารถแบ่งตามความใกล้ชิดทางพันธุกรรมได้เป็น 15 กลุ่มหรือจีโนไทป์ (T1-T15) การศึกษาครั้งนี้ได้รวมตัวอย่างจากแหล่งน้ำภายในเขตกรุงเทพมหานครและปริมณฑล พบรากะยะตัวอย่างจีโนไทป์ T4, T7, T8, T9 และ T11 โดยมีจำนวนของจีโนไทป์ T4 มากที่สุด คิดเป็นร้อยละ 75 (12/16) รองลงมาคือ T8 ร้อยละ 12.5 (2/16) ตามด้วย T11 ร้อยละ 6.25 (1/16) และมีการปะปนระหว่าง T7 และ T9 จำนวน 1 ตัวอย่าง คิดเป็นร้อยละ 6.25 (1/16) *Acanthamoeba* ที่แยกได้จากเหنجอกปลา มีเพียงจีโนไทป์ T4 เท่านั้น จีโนไทป์ T7, T8 และ T9 สามารถแยกได้จากตัวอย่างน้ำแต่ไม่พบจากตัวอย่างเหنجอกปลา ส่วนจีโนไทป์ที่พบในผู้ป่วยจากโรงพยาบาลจุฬาลงกรณ์ ได้แก่ T4 และ T10

จากตัวอย่างในครอบชาติที่ทำการศึกษาพบว่าบางตัวอย่างมีการປะปันกันมากกว่า 1 สายพันธุ์จึงได้ทำการวิเคราะห์ลำดับนิวคลีโอไทด์โดยการ subclone และทำการวิเคราะห์ phylogenetic tree ของยีน 18S rRNA พบว่าตัวอย่าง Ac_E1 และ Ac_E9 สามารถเทียบเคียงได้กับจีโนไทป์ T7 และ T8 มีลักษณะของความแตกต่างที่แยกออกจากสายพันธุ์มาตรฐานอย่างชัดเจน และเมื่อทำการเบรี่ยบลำดับนิวคลีโอไทด์จากข้อมูลใน Gen Bank พบว่ามีความใกล้เคียงกับ *Acanthamoeba tubiashi* OC-15C ดังหมายเลข AF019065 แต่มีความแตกต่างกันมากกว่าร้อยละ 20 ซึ่งอาจเป็นจีโนไทป์ชนิดใหม่ จากตัวอย่าง Ac_E2 ที่มีการປะปันระหว่าง T7 และ T9 เมื่อทำ phylogenetic tree ปรากฏว่ามีลักษณะเทียบเคียงได้จีโนไทป์ T9 และอยู่คนละแขนงกับจีโนไทป์ T7 โดยไม่มีความแตกต่างกันในระหว่างโคลนแต่มีความแตกต่างจากสายพันธุ์มาตรฐาน ในกลุ่มของจีโนไทป์ T7, T8 และ T9 มีความใกล้ชิดกันมากกว่าจีโนไทป์ T4, T10 และ T11 ตัวอย่าง Ac_E13 มีอัตราความเหมือนกันกับจีโนไทป์ T11 คิดเป็นร้อยละ 96.5 และในกลุ่มที่มีจีโนไทป์ T4 ซึ่งมีการแพร่กระจายไปในสิ่งแวดล้อมและก่อโรคได้นั้น มีความหลากหลายในระหว่างจีโนไทป์สูงซึ่งประกอบด้วยหลายกลุ่มอยู่ในบริเวณ DF3 และเมื่อทำการวิเคราะห์ phylogenetic tree ของลำดับนิวคลีโอไทด์ในบริเวณดังกล่าวพบว่ามีความแตกต่างกันในระหว่างโคลนที่น้อยลงจาก 13 กลุ่มอยู่เหลือเพียง 6 กลุ่ม

ความหลากหลายของ *Acanthamoeba* ที่มีการกระจายตัวอยู่ในสิ่งแวดล้อมนั้นมีความสามารถในการก่อโรคและความรุนแรงของโรคที่แตกต่างกัน การติดเชื้อทางสมองที่ทำให้เกิดโรคสมองอักเสบชนิดเรื้อรังหรือเฉียบพลัน (granulomatous amebic encephalitis, GAE) มีอัตราการติดต่อค่อนข้างต่ำ มักพบในผู้ที่มีภูมิคุ้มกันร่างกายบกพร่อง เนื่องจากอาการของโรคมีความใกล้เคียงกับจุลทรรศน์ก่อโรคทางสมองโดยทั่วไป จึงทำให้มีการวินิจฉัยลำบากเนื่องเนื้อสมองเริ่มถูกทำลายผู้ป่วยจะมีอาการทางประสาทและเสียชีวิตลง มักทราบว่าติดเชื้อด้วย *Acanthamoeba* ภายหลังการพิสูจน์เนื้อเยื่อสมองเมื่อได้รับการตัดออกแล้ว แต่การติดเชื้อทางตาสามารถพบรอยตัวที่ได้โดยทั่วไปได้มากกว่าการติดเชื้อทางสมอง เมื่อเนื้อเยื่อกระจากตามีบาดแผลจะเปิดโอกาสให้เชื้อที่แพร่กระจายไปในอวัยวะ ในเดินหรือในแหล่งน้ำเข้าสู่ท่าได้ โดยมีผู้ติดเชื้อทางทากามาขึ้นตามความนิยมเลื่อนส์ การรักษาไม่อาจรักษาให้หายขาดได้หากยังมีเชื้อในระยะซิสต์ฟังตัวอยู่ในกระจากตา ทำให้เชื้อสามารถกลับมาก่อโรคได้อีกและมีอาการตื้อยา ผู้ป่วยอาจต้องทำการเปลี่ยนกระจากตาหรือต้องสูญเสียดวงตาในรายที่มีอาการรุนแรง ซึ่ง *Acanthamoeba* ที่มีลักษณะจีโนไทป์ T4 สามารถก่อโรคได้ทั้งทางกระจากตาและทางสมองซึ่งเป็นจีโนไทป์ที่มีการกระจายตัวอยู่ในครอบชาติมากที่สุดจึงมีโอกาสในการก่อโรคในคนได้สูง (Booton et al., 2004 ; Maghsoud et al., 2005) แต่ตัวอย่าง Ac_PCN4 จากผู้ป่วย keratitis พบร่วมลักษณะจีโนไทป์ T10 ซึ่งเคยพบก่อโรคที่สมอง (Khan, 2006)

ในการศึกษาโดยการวิเคราะห์ในไทยเป็นช่วงให้ทราบถึงการแพร่กระจายของเชื้อที่อยู่ในธรรมชาติและอาจก่อโรคในคนได้ จึงเป็นการศึกษาครั้งแรกในระดับจีโนไทป์เพื่อเพิ่มองค์ความรู้เกี่ยวกับเชื้อ *Acanthamoeba* ในประเทศไทย



เอกสารอ้างอิง

ภาษาไทย

มยุรัตน์ เทพมงคล และคณะ. ปรัชีติวิทยาทางการแพทย์. พิมพ์ครั้งที่ 1. เอกบังกอกน้อย
กรุงเทพมหานคร: ห้างหุ้นส่วนจำกัดเสริมกิจ, 2532.

ภาษาอังกฤษ

- Adl, S. M.; et al. The new higher level classification of eukaryotes with emphasis on the taxonomy of protists. J. Eukaryot. Microbiol. 52 (2005): 399-541.
- Azuara-Blanco, A.; Sadiq, A. S.; Hussain, M.; Loyd, J. H.; and Dua, H. S. Successful medical treatment of *Acanthamoeba* keratitis. Int. Ophthalmol. 21 (1998): 223-227.
- Barker, J.; Humphrey, T. J.; and Brown, M. W. Survival of *Escherichia coli* O157 in a soil protozoan: implications for disease. EES. Microbiol. Lett. 173 (1999): 291-295.
- Beattie, T. K.; Tomlinson, A.; McFadyen, A. K.; Seal, D. V.; and Grimason, A. M. Enhanced attachment of *Acanthamoeba* to extended-wear silicone hydrogel contact lenses: a new risk factor for infection? Ophthalmol. 110 (2003): 765-771.
- Biddick, C. J.; Rogers, L. H.; and Brown, T. J. Viability of pathogenic and non pathogenic free-living amoebae in long-term storage at a range of temperatures. Appl. Environ. Microbiol. 48 (1984): 859-860.
- Booton, G. C.; et al. 18S ribosomal DNA typing and tracking of *Acanthamoeba* species isolates from corneal scrape specimens, contact lens, lens cases, and home water supplies of *Acanthamoeba* keratitis patients in Hong Kong. J. Clin. Microbiol. 40 (2002): 1621-1625.
- Booton, G. C.; et al. Molecular and physiological evaluation of subtropical environmental isolates of *Acanthamoeba* spp., causal agent of *acanthamoeba* keratitis. J. Eukap. Mioobiol. 51(2004): 192-200.
- Booton, G. C.; et al. Identification and distribution of *Acanthamoeba* species genotypes associated with nonkeratitis infections. J. Clin. Microbiol. 43 (2005): 1689-1693.

- Castellanii, A. An amoeba found in culture of yeast. *J. Trop. Med. Hyg.* 33 (1930): 160.
- Cursors, R. T.; Brown, T. J.; Keys, E. A.; Moriarty, K. M.; and Till, D. Immunity to pathogenic free-living amoebae: role of humoral antibody. *Infect. Immun.* 29 (1980): 401-407.
- Costal, I. M.; and Griffiths, A. J. The esterases and acid-phosphatases of *Acanthamoeba* (Amoebida, Acanthamoebidae). *Protistologica*. 20 (1984): 33-41.
- Clarke D. W.; and Niederkorn J. Y. The pathophysiology of *Acanthamoeba* keratitis. *Trends. Parasitol.* 22 (2006): 175-180.
- Cursors, R. T.; and Brown, T. J. Use of cell cultures as an indicator of pathogenicity of free-living amoebae. *J. Clin. Pathol.* 31 (1978): 1-11.
- Daggett, P. M.; Sawyer, T. K.; and Nerad, T. A. Distribution and possible interrelationships of pathogenic and nonpathogenic *Acanthamoeba* from aquatic environments. *Microbial. Ecology*. 8 (1982): 371-386.
- Di Cave, D.; Monno, R.; Bottalico, P.; Guerriero, S.; D'Amelio, S.; D'Orazi, C.; and Berrilli, F. *Acanthamoeba* T4 and T15 genotypes associated with keratitis infections in Italy. *Eur. J. Clin. Microbiol. Infect. Dis.* (2008) doi:10.1007/s10096-008-0682-4.
- De Jonckheere, J. F. Growth characteristics, cytopathic effect in cell culture, and virulence in mice of 36 type strains belonging to 19 different *Acanthamoeba* spp. *Appl. Environ. Microbiol.* 39 (1980): 681-685.
- De Jonckeere, J. F. *Amphizoic amoebae human pathology*. Padua, Italy: Piccin Nuova Libraria, (1987): 25-48.
- De Jonckeere, J. F.; and Weekers, P. H. Differences in isoenzyme patterns of axenically and monoxenically grown *Acanthamoeba* and *Hartmannella*. *Antonie van Leeuwenhoek*. 71 (1997): 231-237.
- De Jonckeere, J. F. Epidemiological typing of *Acanthamoeba* strains isolated from keratitis cases in Belgium. *Bull. Soc. belge Ophtalmol.* 287 (2003): 27-33.
- Douglas, M. Notes on the classification of the amoebae found by Castellani on culture of yeast-like fungus. *J. Trop. Med. Hyg.* 33 (1930): 258-259.

- Dudley, R.; Matin, A.; Alsam, S.; Sissons, J.; Maghsoud, A. H.; and Khan, N. A. *Acanthamoeba isolates belonging to T1, T2, T3, T4 but not T7 encyst in response to increased osmolarity and cysts do not bind to human corneal epithelial cells.* *Acta. Tropica.* 95 (2005):100–108.
- Dykova, I.; Lom, J.; Schoeder-Diedrich, J. M.; Booton, G. C.; and Byers T. J. *Acanthamoeba strains isolated from organs of freshwater fishes.* *J. Parasitol.* 85 (1999): 1106-1113.
- Dykova, I.; and Lom, J. Advences in the knowleage of amphizoic amoebae infecting fish. *Folia Parasitologica.* 51 (2004): 81-97.
- Ettinger, M. R.; Webb, S. R.; Harris, S. A.; Mcininch, S. P.; Garman, G. C.; and Brown, BL. Distribution of free-living amoebae in James River, Virginia, USA. *Parasitol. Res.* 89 (2003): 6-15.
- Gast, R. J. Development of an *Acanthamoeba*-specific reverse dot-blot and the discovery of a new ribotype. *J. Eukaryot. Microbiol.* 48 (2001): 609–615.
- Gelman, B. B.; Rauf, S. J.; Nader, R.; et al. Amebic encephalitis due to *Sappinia diploidea*. *JAMA.* 285 (2001): 2450-2451.
- Giese, M. J.; and Weissman, B. A. Contact lens associated corneal infections. Where do we go from here? *Clin. Exp. Optom.* 85 (2002): 141–148.
- Hewett, M. K.; et al. Identification of a new *Acanthamoeba* 18S rRNA gene sequence type, corresponding to the species *Acanthamoeba jacobsi* Sawyer, Nerad and Visvesvara, 1992 (Lobosea: Acanthamoebidae). *Acta. Protozool.* 42 (2003): 325-329.
- Horn M.; Fritsche, T. R.; Gautom, R. K.; Schleifer, K-H.; and Wagner, M. Novel bacterial endosymbionts of *Acanthamoeba* spp. related to the *Paramecium caudatum* symbiont *Caedibacter caryophilus*. *Environ. Microbiol.* 1 (1999): 357–367.
- Himano, H.; and Kaufman, H. E. *Corneal physiology and disposable contact lenses.* Boston: Butterworth-Heinemann, 1997.
- Hutchinson, K.; and Andrew, A. Infectious keratitis in orthokeratology. *Clin. Exp. Ophthalmol.* 30 (2002): 49-51.
- Ibrahim, Y. W.; Boase, D. L.; and Cree, I. A. Factor affecting the epidemiology of *Acanthamoeba* keratitis. *Ophthal. Epidemiol.* 14 (2007): 53-60.

- Illingworth, C. D.; and Cook, S. D. *Acanthamoeba keratitis*. Surv. Ophthalmol. 42 (1998): 493-508.
- Jariya, P.; Lertlaituan, P.; and Warachoon, K. *Acanthamoeba spp.: A cause of chronic granulomatous amoebic meningoencephalitis*. Siriraj. Hosp. Gaz. 44 (1992): 148-153.
- Jones, B. R.; Visvesvara, G. S.; and Robinson, N. M. *Acanthamoeba polyphaga* keratitis and *Acanthamoeba uveitis* associated with fatal meningoencephalitis. Trans. Ophthalmol. Soc. UK. 95 (1975): 221-232.
- Jongwutiwes, S.; Pariyakanok, L.; Charoenkorn, M.; Yagita, K.; and Endo, T. Heterogeneity in cyst morphology within isolates of *Acanthamoeba* from keratitis patients in Thailand. Trop. Med. Int. Health. 5 (2000): 335-340.
- Kahane, S.; Dvoskin, B.; Mathias, M.; and Friedman, M. G. Infection of *Acanthamoeba polyphaga* with *Simkania negevensis* and *S. negevensis* survival within amoebal cysts. Appl. Environ. Microbiol. 67 (2001): 4789-4795.
- Khan, N. A. Pathogenicity, morphology and differentiation of *Acanthamoeba*. Curr. Microbiol. 43 (2001): 391-395.
- Khan, N. A.; Jarroll, E. L.; and Pager, T. A. Molecular and physiological differentiation between pathogenic and nonpathogenic *Acanthamoeba*. Curr. Microbiol. 45 (2002): 197-202.
- Khan, N. A. Pathogenesis of *Acanthamoeba* infections. Macrob. Pathog. 34 (2003): 277-85.
- Khan, N. A. The immunological aspects of *Acanthamoeba* infections. Am. J. Immunol. 1 (2005a): 24-30.
- Khan, N. A. Granulomatous amoebic encephalitis: clinical diagnosis and management. Am. J. Infect. Dis. 1 (2005b): 79-83.
- Khan, N. A. *Acanthamoeba*: biology and increasing importance in human health. FEMS. Microbiol. Rev. 30 (2006): 564-595.
- Kilvington, S.; Gray, T.; Dart, J.; Morlet, N.; Beeching, J. R.; Frazer, D. G.; and Matheson, M. *Acanthamoeba* keratitis: the role of domestic tap water contamination in the United Kingdom. IOVS. 45 (2004): 165-169.

- Kim, K. S.; Mathers, W. D.; Alexandrakis, G.; Sutphin, J. E.; and Wiles, C. D. Polymerase chain reaction for *Acanthamoeba* keratitis, primer selection and inhibitory factors. *Investig. Ophthalmol. Vis. Sci.* 38 (1997):5016.
- Krishna-Prasad, B. N.; and Gupta, S. K. Preliminary report on engulfment and retention of mycobacteria by trophozoites of axenically grown *Acanthamoeba castellanii* Douglas. *Curr. Sci.* 47 (1978): 245–247.
- La Scola, B.; and Raoult, D. Survival of *Coxiella burnetti* within free-living amoeba *Acanthamoeba castellanii*. *Clin. Microbiol. Infect.* 7 (2001): 75-79.
- Lane, J. A.; Mathers, W. D.; and Sutphin, J. E. Variation in cases per month of *Acanthamoeba*, a waterborne pathogen. *Invest. Ophthalmol. Vis. Sci.* 38 (1997): S424.
- Lam, D. S.; Houang, E.; Fan, D. S.; Lyon, D.; Seal, D.; and Wong, E. Incidence and risk factors for microbial keratitis in Hong Kong: comparison with Europe and North America. *Eye*. 16 (2002): 608-618.
- Laube, U.; and Kiderien, A. F. *Balamuthia mandrillaris*, an opportunistic agent of granulomatous amebic encephalitis, infects the brain via the olfactory nerve pathway. *Parasitol. Res.* 94 (2004): 49-52.
- Ledee, D. R.; et al. *Acanthamoeba griffini* Molecular characterization of a new corneal pathogen. *Investig. Ophthalmol. Vis. Sci.* 37 (1996): 544-550.
- Lehmann, M. O.; et al. Polymerase chain reaction analysis of corneal epithelial and tear samples in the diagnosis of *Acanthamoeba* keratitis. *Investig. Ophthalmol. Vis. Sci.* 39 (1998): 1261–1265.
- Lekkla, A.; Sutthikornchai, C.; Bovornkitti, S.; and Sukthana, Y. Free-living amebae contamination in natural hot springs in Thailand. *Southeast Asian. J. Trop. Med. Public. Health.* 36 (2005): 5-6.
- Lewis, E. J.; and Sawyer, T. K. *Acanthamoeba tubiashi* n. sp., A new species of fresh-water amoebida (Acanthamoebidae). *Trans. Amer. Microsc. Soc.* 98 (1979): 543-549.

- Lorenzo-Morales, J.; Ortega-Rivas, A.; Martinez, E.; Khoubbane, M.; Artigas, P.; Periago, M. V.; Foronda, P.; Abreu-Acosta, N.; Valladares, B.; and Mas-Coma, S. *Acanthamoeba isolates belonging to T1, T2, T3, T4 and T7 genotypes from environmental freshwater samples in the Nile Delta region Egypt.* *Acta. Propica.* 100 (2006): 63-69.
- Lorenzo-Morales, J.; Lopez-Darias, M.; Martinez-Carretero, E.; and Valladares, B. Isolation of potentially pathogenic strains of *Acanthamoeba* in wild squirrels from the Canary Islands and Morocco. *Exp. Parasitol.* 117 (2007): 74–79.
- Ly, T. M.; and Muller, H. E. Ingested *Listeria monocytogenes* survive and multiply in protozoa. *J. Med. Microbiol.* 33 (1990): 51–54.
- Ma, P.; Visvesvara, G. S.; Martinez, A. J.; Theodore, F. H.; Daggett, P. M.; and Sawyer, T.K. *Naegleria* and *Acanthamoeba* Infections: review. *Rev. Infect. Dis.* 12 (1990): 490-513.
- Maghsoud, A. H.; et al. *Acanthamoeba* genotype T4 from UK and Iran and isolation of the T2 genotype from clinical isolates. *J. Med. Microbiol.* 54 (2005): 755-759.
- Marciano-Cabral, F. Biology of *Naegleria* spp. *Microbiol. Rev.* 52 (1988): 114–133.
- Marciano-Cabral, F.; and Cabral, G. *Acanthamoeba* spp. as agents of disease in humans. *J. Clin. Microbiol. Rev.* 16 (2003): 273-307.
- Martinez, A. J. Infections of the central nervous system due to *Acanthamoeba*. *Rev. Infect. Dis.* 13 (1991): S399-S402.
- Martinez, M. S.; Gonzalez-Mediero, G.; Santiago, P.; Rodriduez de Lope, A.; Diz, J.; Conde, C.; and Visvesvara, G. S. Granulomatous amebic encephalitis in a patient with AIDS: isolation of *Acanthamoeba* sp. group II from brain tissue and successful treatment with sulfadiazine and fluconazole. *J. Clin. Microbiol.* 38 (2000): 3892-3895.
- Matin, A. M.; Siddiqui, R.; Jayasekera, S.; and Khan, N. A. Increasing importance of *Balamuthia mandrillaris*. *Clin. Microbiol. Rev.* 21 (2008): 435-448.
- Mazur, T.; Hadas, E.; and Iwanicka, I. The duration of the cyst stage and the viability and virulence of *Acanthamoeba* isolates. *Trop. Med. Parasitol.* 46 (1995): 106–108.

- Micheal, R.; Burghardt, H.; and Bergman, H. *Acanthamoeba* naturally intracellularly infected with *Pseudomonas aeruginosa*, after their isolation from a microbiologically contaminated drinking water system in the hospital. Zentralbl. Hyg. Umweltmed. 196 (1995): 532-544.
- Miyazaki, T.; Yagita, K.; Yanagi, T.; Uemura, H.; and Kanbara, H. Seasonal fluctuation of *Acanthamoeba* spp. contamination in water containers placed indoors and outdoors. Acta. Med. Nagasaki. 52 (2007): 13-18.
- Moura, H.; Wallace, S.; and Visvesvara, G. S. *Acanthamoeba healyi* n. sp. and the isoenzyme and immunoblot profiles of *Acanthamoeba* spp., Groups 1 and 3. J. Partozool. 39 (1992): 573-583.
- Nacapunchai, D.; Lamon, C.; Rungsittichai, C.; and Sriwichai, P. Isolation of free-living amoebae from soil and water resources in Thailand. J. Trop. Med. Parasitol. 22 (1999): 22-26.
- Nacapunchai, D; Kihho, H.; Ruangsitticha, C.; Sriwichai, P.; Ishih, A.; and Terada, M. A brief survey of free-living amoebae in Thailand and Hamamatsu District, Japan. Southeast Asian. J. Trop. Med. Public. Health. 32 (2001): 179-186.
- Nagington, J.; Watson, P. G.; Playfair, T. J.; McGill J.; Jones B. R. and Steele, A. D. Amoebic infection of the eye. Lancet. ii (1974): 1537-1540.
- Nidhinandana, S.; and Leelayoova, S. Report of three cases of *Acanthamoeba* meningoencephalitis and literature review. RTA. Med. J. 51 (1998): 235-239.
- Niederkorn, J. Y.; Alizadeh, H.; Leher, H.; and McCulley, J. P. The pathogenesis of *Acanthamoeba* keratitis. Microbes. Infect. 1 (1999): 437-443.
- Niyyati, M.; Lorenzo-Morales, J.; Rahimi, F.; Motevalli-Haghi, A.; Martin-Navarro, C. M.; Farnia, S.; Valladares, B.; and Rezaeian, M. Isolation and geotyping of potentially Pathogenic *Acanthamoeba* strains from dust sources in Iran. Trans. R. Soc. Trop. Med. Hyg. (2009): 1-3.
- Page, F. C. Re-definition of the genus *Acanthamoeba* with descriptions of three species. J. Parasitol. 14 (1967): 709-724.
- Page, F. C. A new key to fresh water and soil amoebae. Cumbria, UK: Fresh Water Biological Association Scientific, 1988.

- Pettit, D. A.; Williamson, J.; Cabral, G. A.; and Marciano-Cabral, F. In vitro destruction of nerve cell cultures by *Acanthamoeba* spp.: a transmission and scanning electron microscopy study. *J. Parasitol.* 82 (1996): 769–777.
- Preston, T. M.; Richards, H.; and Wotton, R. S. Locomotion and feeding of *Acanthamoeba* at the water-air interface of ponds. *FEMS Microbiol. Lett.* 94 (2001): 143-147.
- Pussard, M.; and Pons, R. Morphologies de la paroi kystique et taxonomie du genre *Acanthamoeba* (Protozoa, Amoebida). *Protistologica*. 13 (1977): 557-598.
- Qvarnstrom, Y.; da Silva, A. J.; Schuster, F. L. Gelman, B. B.; and Visvesvara, G. S. Molecular confirmation of *Sappinia pedata* as a causative agent of amoebic encephalitis. *J. Infect. Dis.* 199 (2009): 1139-1142.
- Raoult, D.; Audic, S.; Robert, C.; Abergel, C.; Renesto, P.; Ogata, H.; La Scola, B.; Suzan, M.; and Claverie, J. M. The 1.2-megabase genome sequence of mimivirus. *Science*. 306 (2004): 1344-1350.
- Radford, C. F.; Dart, J.; and Minaessian, D. *Acanthamoeba* keratitis in England and Wales: incidence, outcome and risk factors. *Br. J. Ophthalmol.* 86 (2002): 536-542.
- Riviere, D.; Szczebara, F. M.; Berjeaud, J. M.; Frere, J.; and Hechard, Y. Development of a real-time PCR assay for quantification of *Acanthamoeba* trophozoites and cysts. *J. Microbiol. Methods*. 64 (2006): 78–83.
- Rowbotham, T. J. Preliminary report on the pathogenicity of *Legionella pneumophila* for freshwater and soil amoeba. *J. Clin. Pathol.* 33 (1980): 1179-1183.
- Sansopha, L.; and Tulvatana, W. A non-contact lens related *Acanthamoeba* keratitis. *Chula. Med. J.* 47 (2003): 661-666.
- Sawyer, T. K.; and Griffin, J. L. A proposed new family, Acanthamoebidae new family (order Amoebida), for certain cyst-forming filose amoebae. *Trans. Am. Microsc. Soc.* 94 (1975): 93-98.
- Schuster, F. L.; and Visvesvara, G. S. Efficacy of novel antimicrobials against clinical isolates of opportunistic amebas. *J. Euk. Microbiol.* 45 (1998): 612–618.
- Schuster, F. L.; and Visvesvara, G. S. Free-living amoebae as opportunistic and non-opportunistic pathogens of humans and animals. *Int. J. Parasitol.* 34 (2004a): 1001–1027.

- Schuster, F. L.; and Visvesvara, G. S. Opportunistic amoebae: challenges in prophylaxis and treatment. Drug Resistance Update. 7 (2004b): 41-51.
- Schroeder, J. M.; et al. Use of 18S ribosomal DNA PCR and sequencing for genus and genotype identification of *Acanthamoeba* from humans with keratitis and sewage sluge. J. Clin. Microbiol. 39 (2001): 1903-1911.
- Seal, D. V.; Kirkness, C. M.; and Bennett, H. G. B. Population-based cohort study of microbial keratitis in Scotland: incidence and features. Contact lens Anterior Eye. 22 (1999): 49-57.
- Sithinamsuwan, P.; Sangruchai, T.; Chiewvit, P.; and Poungvarin, N. Free-living amoeba infections of the central nervous system in Thailand : report of two patients and review of literature. Int. Med. J. Thaj. 17 (2001): 350-360.
- Spanakos, G.; Tzanetou, K.; Miltzakakis, D.; Patsoula, E.; Malamou-Lada, E.; and Vakalis, N. C. Genotyping of pathogenic *Acanthamoebae* isolated from clinical samples in Greece-Report of a clinical isolate presenting T5 genotype. Parasitol. Int. 55 (2006): 147-149.
- Stehr-Green, J. K.; Bailey, T. M.; and Visvesvara, G. S. The epidemiology of *Acanthamoeba* keratitis in the united states. Am. J. Ophthalmol. 107 (1989): 331-336.
- Steinert, M.; Birkness, K. K.; White, E.; Fields, B.; and Quinn, F. *Mycobacterium avium* bacilli grow saprozoically in coculture with *Acanthamoeba polyphaga* and survive within cyst walls. Appl. Environ. Microbiol. 64 (1998): 2256–2261.
- Stothard, D. R. ; et al. The evolutionary history of the genus *Acanthamoeba* and the Identification of eight new 18S rRNA gene sequence type. J. Euka. Microbiol. 45 (1998): 45-54.
- Stratford, M. P.; and Griffiths, A. J. Variations in the properties and morphology of cysts of *Acanthamoeba castellanii*. J. Gen. Microbiol. 108 (1978): 33-37.
- Sukthana, Y.; et al. Study of natural hot springs in Lop Buri Provience. Intern. Med. J. Thaj. 20 (2004): 211-214.
- Tachikawa, T.; Ishibashi, Y.; Fujisawa, S.; Takazawa, S.; Nyunt, A. K.; and Miyanaga, Y. A nation-wide surway on the occurrence of amebic keratitis in Japan. Nippon Ganka Gakkai Zasshi. 99 (1995): 68-75.

- Tavare, M.; et al. Diagnosis of first case of *Balamuthia* amoebic encephalitis in portugal by immunofluorescence and PCR. J. Clin. Microbiol. 44 (2006): 2660-2663.
- Taylor, P. W. Isolation and experimental infection of free-living amoeba in freshwater samples fishes. J. Parasitol. 63 (1977): 232-237.
- Thom, S.; Warhurst, D.; and Drasar, B. S. Association of *Vibrio cholerae* with fresh water amoebae. J. Med. Microbiol. 36 (1992): 303-306.
- Tsvetkova, N.; Schild, M.; Panaiotov, S.; Kurdova-Mintcheva, R.; Gottstein, B.; Walochnik, J.; Aspock, H.; Lucas, M. S.; and Muller, N. The identification of free-living environment isolates of amoebae from Bulgaria. Parasitol. Res. 92 (2004): 405-413.
- Ulbelaker, J. E. *Acanthamoeba* spp.: "Opportunistic pathogens". Trans. Am. Microsc. Soc. 110 (1991) : 289-299.
- Volkonsy, M. *Hartmannella castellanii* Douglas et classification des *Hartmannelles*. Arch. de Zool. Exp. Gen. 72 (1931): 317-339.
- Visvesvara, G. S. Classification of Acanthamoeba. Rev. Infect. Dis. 13 (1991): 369-372.
- Visvesvara, G. S.; Schuster, F. L.; and Martinez, A. J. *Balamuthia mandrillaris*, N.G., N. Sp., agent for amebic meningoencephalitis in humans and other animals. J. Eukaryot. Microbiol. 40 (1993): 504–514.
- Visvesvara, G. S.; Moura, H.; and Schuster, L. Pathogenic and opportunistic free-living amoeba: *Acanthamoeba* spp., *Balamuthia mandrillaris*, *Naegleria fowleri* and *Sappinia diploidea*. FEMS. Immunol. Med. Microbiol. 50 (2007): 1-26.
- Vodkin, M. H.; Howe, D. K.; Visvesvara, G. S.; and McLaughlin, G. L. Identification of *Acanthamoeba* at the generic and specific levels using the Polymerase Chain Reaction. J. Protozool. 39 (1992): 378-385.
- Walochnik, J.; Obwaller, A.; and Aspock, H. Correlations between morphological, molecular biological and physiological characteristics in clinical and nonclinical isolates of *Acanthamoeba* spp. Appl. Environ. Microbiol. 66 (2000): 4408-4413.
- Winiecka-Krusnell, J.; Wreiber K. von Euler, A.; Engstrand, L.; and Linder, E. Free-living amoebae promote growth and survival of *Helicobacter pylori*. Scand. J. Infect. Dis. 34 (2002): 253-256.

- Walochnik, J.; Aichelburg, A.; Assadian, O.; Steuer, A.; Visvesvara, G.; Vetter, N.; and Aspock, H. Granulomatous Amoebic Encephalitis Caused by *Acanthamoeba* Amoebae of Genotype T2 in a Human Immunodeficiency Virus-Negative Patient. *J. Clin. Microbiol.* 46 (2008): 338-340.
- Yaowalark, S.; Mario R.; Chutatip, S.; Teerachai, K.; Chalermchai, C.; and Boonchu, K. An exotic sinusitis. *Trans. Roy. Soc. of Trop. Hyg.* 99 (2005): 555-557.





ศูนย์วิทยทรัพยากร
จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

ภาคผนวก ก
รูปสถานที่แหล่งน้ำ



รูปที่ 1. สนามกีฬาแห่งชาติหัวหมาก



รูปที่ 2. บึงลำพังพวย



รูปที่ 3. มหาวิทยาลัยเกษตรศาสตร์ บางเขน 1



รูปที่ 4. มหาวิทยาลัยเกษตรศาสตร์ บางเขน 2



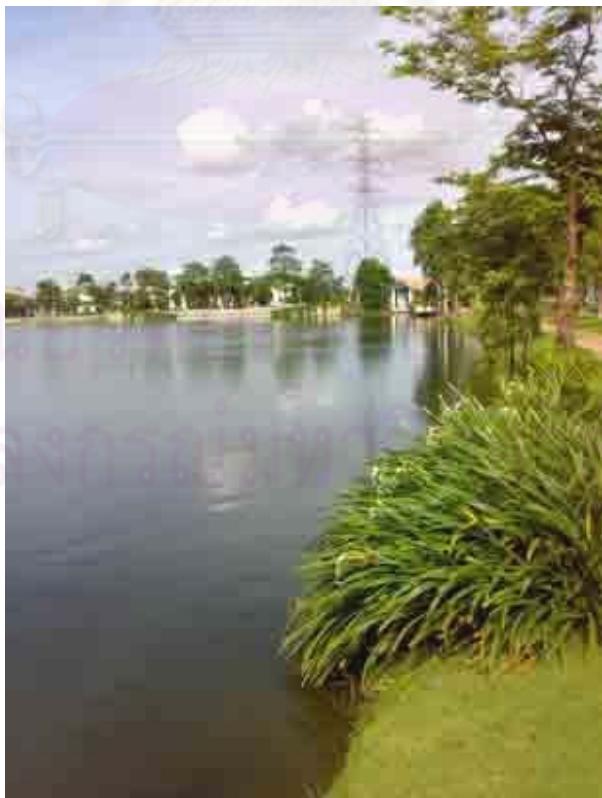
รูปที่ 5. เมืองทองธานี



รูปที่ 6. หมู่บ้านสัมมากร 1



รูปที่ 7. หมู่บ้านส้มมากร 2



รูปที่ 8. หมู่บ้านเพอร์เฟกเพส รามคำแหง



รูปที่ 9. รังสิต คลอง 6

ศูนย์วิทยทรัพยากร
จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

ภาคผนวก ข

การเตรียมสารเคมี

การเตรียม Page's ameba saline (10x)

Sodium chloride (NaCl)	1.20 g
Magnesium sulfate ($MgSO_4 \cdot 7H_2O$)	0.04 g
Potassium phosphate, dibasic (Na_4HPO_4)	1.42 g
Calcium chloride ($CaCl_2 \cdot 2H_2O$)	0.04 g
Double distilled water to นำไปปั่นฝ่าเชือด้วยหม้อน้ำในปั๊บแล้ว	1,000 ml

* เก็บไว้ในอุณหภูมิที่ 4°C

การเตรียม Nonnutrient agar (NNA)

10x ameba saline	100.0 ml
Agar	15.0 g
Double-distilled water	900.0 ml
นำไปปั่นฝ่าเชือด้วยหม้อน้ำในปั๊บแล้ว*	

* เก็บไว้ในอุณหภูมิที่ 4°C

การเตรียม Peptone-yeast extract-glucose (PYG) medium

Proteose Peptone	20.0 g
Yeast extract	2.0 g
Magnesium sulfate ($MgSO_4 \cdot 7H_2O$)	0.980 g
Calcium chloride ($CaCl_2$)	0.059 g
Sodium citrate ($Na_3C_6H_5O_7 \cdot 2H_2O$)	0.02 g
Ferric ammonium sulfate [$Fe(NH_4)_2(SO_4)_2 \cdot 6H_2O$]	0.02 g
Potassium phosphate, monobasic (KH_2PO_4)	0.34 g
Sodium phosphate, dibasic ($Na_2HPO_4 \cdot 7H_2O$)	0.355 g
Glucose	18.0 g

เติม $CaCl_2$ ปรับ pH 6.5 ± 0.2

นำไปปั่นฝ่าเชือด้วยหม้อน้ำในปั๊บแล้ว*

เก็บไว้ในอุณหภูมิที่ 4°C

การเตรียม 0.5 EDTA (pH 8.0)

EDTA	186.1 g.
double distilled water	800 ml.
นำส่วนผสมทั้ง 2 อ่ายนีมาร่วมด้วย magnetic stirrer จนสารละลายเป็นเนื้อเดียวกัน ปรับ pH ด้วย NaOH ให้มีค่า pH = 8 และปรับปริมาณให้ได้ 1 ลิตร ด้วยน้ำกลั่นจากนั้นนำไปนึ่งไฟอุ่นๆ ด้วยหม้อนึ่งปลอดเชื้อ*	
* นำน้ำไปนึ่งไฟอุ่นๆ ด้วยหม้อนึ่งปลอดเชื้อ	

การเตรียม TBE buffer (10x)

Tris base	108 g.
Boric acid	55 g.
EDTA	7.4 g.

ปรับค่า pH และปริมาณให้เท่ากับ 8.3 และ 1 ลิตร จากนั้นนำไปนึ่งด้วยหม้อนึ่งปลอดเชื้อที่อุ่นๆ

การเตรียม marker

DNA marker	20 μ l.
Dye	80 μ l.
TE buffer	360 μ l.

การเตรียม TE buffer (10x)

1 M Tris	800 ml.
0.5 M EDTA	200 ml.
ผสมให้เข้ากันแล้วนำไปนึ่งไฟอุ่นๆ ด้วยหม้อนึ่งปลอดเชื้อก่อนที่จะใช้*	

การเตรียม 1 M Tris (pH 7.8)

Tris base	121.1 g.
น้ำกลั่น	800 ml.
นำส่วนผสมทั้ง 2 มาละลายให้เป็นเนื้อเดียวกันด้วย magnetic stirrer จากนั้นปรับ pH ด้วย HCl ให้มีค่า pH เท่ากับ 7.4 และปรับปริมาณให้เท่ากับ 1 ลิตร โดยใช้น้ำกลั่นและนำไปนึ่งด้วยหม้อนึ่งปลอดเชื้อก่อนที่จะนำไปใช้*	
* หมายต่อความดัน 15 ปอนด์ต่อตารางนิวตัน ที่อุณหภูมิ 121 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 20 นาที	

การเติม gel-loading buffers

bromophenol blue 0.25 g.

xylene cyanol FF 0.25 g.

glycerol in water 30 g.

ละลายน้ำกลั่น โดยปรับปริมาณให้เท่ากับ 1 ลิตร



ประวัติผู้เขียนวิทยานิพนธ์

นางสาววิชชา หนูประเสริฐ เกิดเมื่อวันที่ 5 ตุลาคม 2526 จังหวัดกรุงเทพมหานคร สำเร็จการศึกษาปริญญาตรีวิทยาศาสตรบัณฑิต สาขาวิชาวิทยา คณะวิทยาศาสตร์ มหาวิทยาลัยศรีนครินทร์ในปีการศึกษา 2548 และเข้าศึกษาต่อในหลักสูตรวิทยาศาสตรมหาบัณฑิตสาขาวิชาปรสิตวิทยาทางการแพทย์ ภาควิชาปรสิตวิทยา คณะแพทยศาสตร์ จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย ในปีการศึกษา 2550



ศูนย์วิทยทรัพยากร
จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย