

บทที่ 2

ทฤษฎี

Chen และคณะ ได้ศึกษาเกี่ยวกับการแยกฮีโมโกลบินและ อัลบูมิน โดยใช้พีเอช พาราเมตริก บั้มปิงแบบหนึ่งคอลัมน์ ผลจากการทดลองแสดงให้เห็นว่าพาราบั้มซึ่งใช้ค่าพีเอช เป็นแรงผลักดันสามารถให้ให้ผลในการแยกได้เป็นอย่างดี

Chen และคณะ ได้ศึกษาทั้งทางด้านทฤษฎีและการทดลอง เกี่ยวกับพีเอช พาราเมตริก แบบหลายคอลัมน์ สำหรับการแยกโปรตีน โดยมีการเปลี่ยนลักษณะการจัดวางชุดทดลองในลักษณะต่างๆ ข้อมูลจากการทดลองได้นำมาเปรียบเทียบกับผลที่ได้จากการคำนวณตามทฤษฎีการสมดุล ผลการทดลองจะนำมาวาดแผนภาพอย่างง่าย เพื่อแสดงการเกิดการแยกในแต่ละวงรอบ ความสามารถในการแยกของพาราบั้มปิง แบบสองคอลัมน์ได้ถูกแสดงให้เห็นโดยการทดลอง โดยใช้ระบบของฮีโมโกลบิน-อัลบูมิน-CM Sepharose-DEAE Sepharose ข้อมูลที่ได้สอดคล้องกับทฤษฎีเป็นอย่างดี

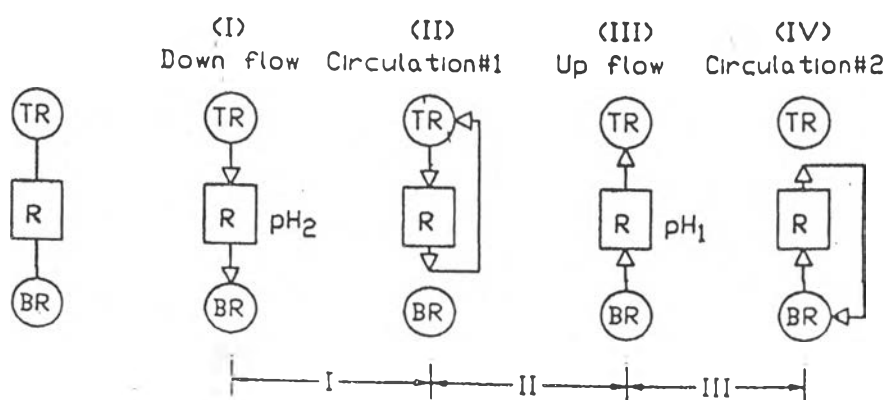
กระบวนการที่พัฒนาขึ้นมาใหม่นี้ สามารถใช้ในการเลือกให้โปรตีนที่ต้องการเคลื่อนไปสู่ปลายข้างหนึ่งของคอลัมน์โครมาโตกราฟี ยิ่งไปกว่านั้น กระบวนการนี้ยังสามารถให้ประสิทธิภาพในการแยกสูง โดยไม่จำเป็นต้องล้างตัวแลกเปลี่ยนประจุ

2.1 ระบบหนึ่งคอลัมน์

โดยทั่วไปโปรตีนมีคุณสมบัติเป็นได้ทั้งประจุบวกและประจุลบ จึงสามารถถูกยึดไว้ได้ด้วยทั้งตัวแลกเปลี่ยนประจุบวกหรือประจุลบ ค่าประจุสุทธิของโปรตีนจะขึ้นอยู่กับค่าพีเอช ที่พีเอชต่ำ ค่าประจุสุทธิจะเป็นบวก และโปรตีนจะถูกยึดไว้โดยตัวแลกเปลี่ยนประจุบวกในขณะที่เมื่อ ค่าพีเอชสูง โปรตีนจะมีประจุสุทธิเป็นลบ และจะถูกยึดไว้โดยตัวแลกเปลี่ยนประจุลบ

ค่าพีเอช ที่ทำให้ประจุสุทธิเป็นศูนย์เรียกว่า "จุดไอโซอิเล็กตริก" สมบัตินี้เองซึ่งเป็นพื้นฐานสำหรับกระบวนการแยกสารผสมโปรตีนโดยใช้พารามเมตริกบีบปั๊ม เมื่อพิจารณาการแยกโปรตีน A ออกจากสารผสม โดยโปรตีนนี้มีจุดไอโซอิเล็กตริกที่ I_A และ $P_2 < I_A < P_1$ ดังนั้น A จะมีประจุสุทธิเป็นลบที่พีเอช P_1 และจะมีประจุสุทธิเป็นบวกที่ พีเอช P_2 ทำให้โปรตีน A จะถูกยึดไว้ด้วยตัวแลกเปลี่ยนประจุบวก R ที่จุด P_2 และจะถูกปล่อยออกที่จุด P_1 ดังนั้นพารามเมตริกบีบที่ทำการทดลองโดยใช้ค่าพีเอช P_1 และ P_2 จะสามารถแยกโปรตีน A ออกจากปลายข้างที่มีพีเอชต่ำของคอลัมน์ ไปสู่ปลายด้านที่มีค่าพีเอช สูง ปรากฏการณ์จะกลับกัน เมื่อเปลี่ยนตัวแลกเปลี่ยนประจุเป็นตัวแลกเปลี่ยนประจุบวก

ในระบบแรกที่ได้แสดงไว้ในรูปที่ 1 ประกอบไปด้วยคอลัมน์ที่บรรจุไว้ด้วยตัวแลกเปลี่ยนประจุ และมีถึงพักติดอยู่ที่ปลายทั้งสองข้างของคอลัมน์ โดยมีปริมาตรที่ถึงบนและถึงล่างเท่ากับ V_1 และ V_0 ตามลำดับ เริ่มแรกสารผสมจะถูกเติมลงในช่องว่างของคอลัมน์ และถึงพักด้านบน โดยถึงพักด้านบนจะถูกควบคุมค่าพีเอชที่ P_2 โดยเครื่องไตเตรตแบบอัตโนมัติ เครื่องไตเตรตอีกเครื่องหนึ่งจะใช้สำหรับควบคุมค่าพีเอช P_1 ที่ถึงพักด้านล่าง ค่าความสามารถของบัฟเฟอร์ในสารละลายสำหรับถึงพักด้านบนและด้านล่างมีค่าเป็น IS_2 และ IS_1 ตามลำดับ โดยการใช้ ฮอลโลไฟเบอร์ ไดอะไลเซอร์



รูปที่ 2.1 กระบวนการแยกสารผสม ด้วยกระบวนการ พีเอช พารามเมตริก บีบปั๊มแบบ 1 คอลัมน์

ในหนึ่งรอบของระบบการทำงานจะประกอบไปด้วย 4 ขั้นตอนดังต่อไปนี้

1. สารผสมที่มีค่าพีเอชต่ำ (P_2) จากถังพักด้านบนจะไหลเข้าสู่ปลายด้านบนของคอลัมน์ ในขณะที่สารผสมจะถูกขับออกจากปลายอีกข้างหนึ่งลงสู่ถังพักด้านล่าง ปริมาตรของสารผสมที่เกิดจากการเคลื่อนที่ของลูกสูบ (Qt_1) จะถูกกำหนดให้พอดีกับปริมาตรของช่องว่างในคอลัมน์ (V_c)
2. สารผสมจะถูกทำให้เกิดการหมุนเวียนภายในถังพักด้านบน และคอลัมน์ เพื่อให้ค่าพีเอช คงที่อยู่ที่ P_2 เมื่อสิ้นสุดขั้นตอนนี้ ความเข้มข้นในถังพักด้านบนและคอลัมน์จะเท่ากัน
3. สารผสมที่มีค่าพีเอชสูง (P_1) จากถังพักด้านล่างจะไหลเข้าสู่ปลายด้านล่างของคอลัมน์ ในขณะที่สารผสมจะถูกขับออกจากปลายอีกข้างหนึ่งเข้าสู่ถังพักด้านบน ปริมาตรของสารผสมที่เกิดจากการเคลื่อนที่ของลูกสูบ (Qt_2) จะถูกกำหนดให้พอดีกับปริมาตรของช่องว่างในคอลัมน์ (V_c)
4. สารผสมจะถูกทำให้เกิดการหมุนเวียนภายในถังพักด้านล่าง และคอลัมน์ เพื่อให้ค่าพีเอช กลับมาคงที่อยู่ที่ P_1 เมื่อสิ้นสุดขั้นตอนนี้ ความเข้มข้นในถังพักด้านล่างและคอลัมน์จะเท่ากัน

ในภาวะสมดุล ความเข้มข้นของโปรตีนในถังพัก กับความเข้มข้นบนตัวแลกเปลี่ยนประจุ แสดงไว้ในสมการต่อไปนี้

$$X_{\infty} = k_{p1} \langle y_B \rangle_{\infty} = k_{p2} \langle y_T \rangle_{\infty}$$

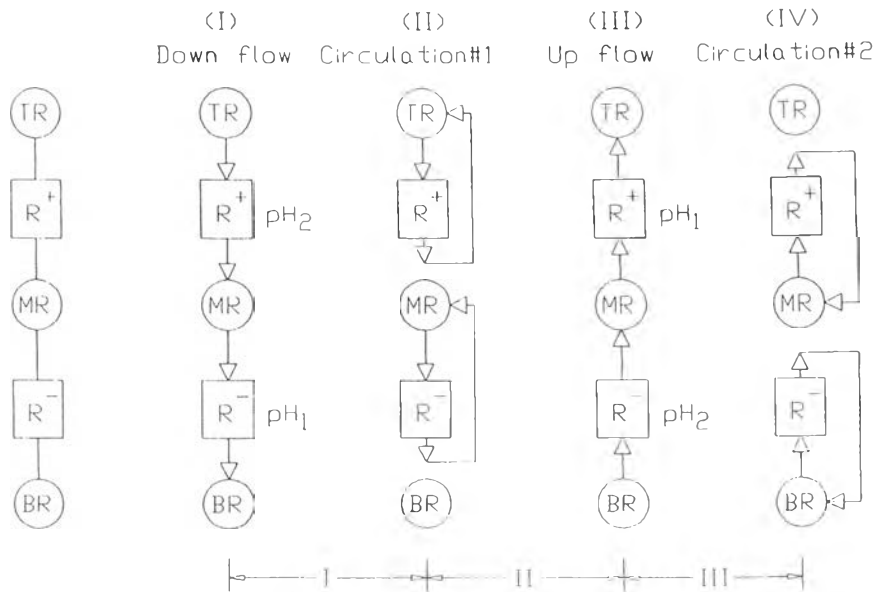
จะสังเกตได้ว่าอัตราการไหลภายในคอลัมน์ จะเท่ากับอัตราการเคลื่อนที่ของลูกสูบในถังพัก (Q) ระยะเวลาที่ใช้ในการหมุนเวียนภายในคอลัมน์ t_{11} หรือ t_{12} สามารถหาได้จากการทดลอง โดยจะขึ้นอยู่กับค่า V_c , V_b (หรือ V_p), และค่าพีเอชของทั้งคอลัมน์และถังพัก

2.2 ระบบสองคอลัมน์

วิธีการทดลองแบบสองคอลัมน์ประกอบด้วยทั้งหมด 4 วิธี ได้แสดงไว้ในรูปที่ 3, 5, 7 และ 9 ในทุกๆ วิธี ประกอบด้วย 2 คอลัมน์ โดยในคอลัมน์หนึ่งจะบรรจุไว้ด้วยตัวแลกเปลี่ยนประจุบวก (R^-) และอีกคอลัมน์จะบรรจุไว้ด้วยตัวแลกเปลี่ยนประจุลบ (R^+) อัตราการไหลภายในคอลัมน์ จะเท่ากับอัตราการเคลื่อนที่ของลูกสูบในถังพัก (Q) ทั้งด้านบนและด้านล่าง การทดลองนี้ จะเป็นการแยกสารผสมระหว่างโปรตีน A และ B ซึ่งมีจุดไอโซอิเล็กทริก เท่ากับ I_A และ I_B ตามลำดับ โดยที่ $P_3 < I_B < P_2 < I_A < P_1$ ซึ่ง P_1 , P_2 และ P_3 คือค่าพีเอช ในแต่ละถังพัก ดังนั้น ทั้งโปรตีน A และโปรตีน B จะมีประจุเป็นลบที่ P_1 และมีประจุเป็นบวกที่ P_3 และเมื่อค่าพีเอชเป็น P_2 โปรตีน A จะมีประจุบวก ส่วนโปรตีน B จะมีประจุเป็นลบ เพราะฉะนั้นโปรตีน A จะถูกยึดไว้ด้วยตัวแลกเปลี่ยนประจุบวกที่ P_2 หรือ P_3 และถูกปล่อยออกที่ P_1 ในขณะที่โปรตีน B จะถูกยึดไว้ด้วยตัวแลกเปลี่ยนประจุบวกที่ P_3 และถูกปล่อยออกที่ P_2 หรือ P_1 ปฏิกิริยาจะกลับกัน เมื่อเปลี่ยนตัวแลกเปลี่ยนประจุเป็นตัวแลกเปลี่ยนประจุลบ ความเข้มข้นในถังพักที่สภาวะสมดุล แสดงไว้ในรูปที่ 4, 6, 8 และ 10 เพื่อลดความซับซ้อนของการศึกษา จึงตั้งสมมติฐานให้ $k_{p2}^- = k_{p3}^-$ และ $k_{p2}^+ = k_{p3}^+$ สำหรับโปรตีน A และ $k_{p1}^- = k_{p2}^-$ และ $k_{p1}^+ = k_{p2}^+$ สำหรับโปรตีน B วิธีการทดลองทั้ง 4 ได้ถูกอธิบายไว้ดังต่อไปนี้

2.2.1 รูปแบบการทดลองที่ 1

ระบบนี้ประกอบไปด้วยถังพักทั้งหมด 3 ถัง ดังแสดงไว้ในรูปที่ 3 ค่าพีเอชที่ถังพักด้านบน และล่างถูกควบคุมไว้ที่ P_1 และสำหรับถังพักตรงกลางถูกควบคุมไว้ที่ P_2 เริ่มแรกสารละลายความเข้มข้น y_0 จะถูกเติมเข้าสู่ถังพักด้านบน, ด้านล่าง, ตรงกลาง และคอลัมน์ทั้งสอง ซึ่งประกอบไปด้วยตัวแลกเปลี่ยนประจุบวกและลบตามลำดับ ในหนึ่งวงรอบของระบบการทำงานจะประกอบไปด้วยขั้นตอน 4 ขั้นตอนดังต่อไปนี้



รูปที่ 2.3 กระบวนการแยกสารผสม ด้วยกระบวนการ ฟิโอส พาราเมตริก ปั๊มปีง แบบ 2 คอลัมน์
รูปแบบที่ 1

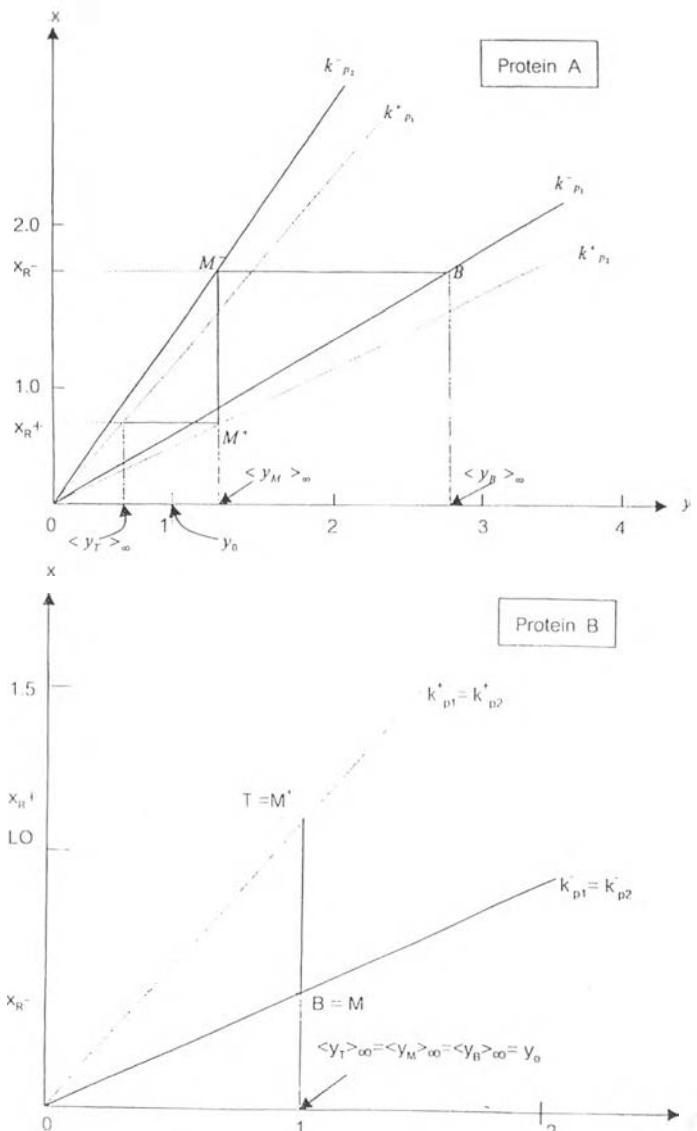
1. ปั๊มสารผสมจากถังพักด้านบน (TR) ผ่านคอลัมน์ที่บรรจุตัวแลกเปลี่ยนประจุบวก (R^+), ถังพักตรงกลาง (MR) และคอลัมน์ที่บรรจุตัวแลกเปลี่ยนประจุลบ (R^-) ลงสู่ถังพักด้านล่าง (BR) เป็นเวลา t_1
2. สารผสมจะถูกทำให้เกิดการหมุนเวียนภายในถังพักด้านบน กับคอลัมน์ที่บรรจุตัวแลกเปลี่ยนประจุบวก และระหว่าง ถังพักตรงกลาง กับคอลัมน์ที่บรรจุตัวแลกเปลี่ยนประจุลบ เป็นเวลา t_{II}
3. ปั๊มสารผสมจากถังพักด้านล่าง ผ่านคอลัมน์ที่บรรจุตัวแลกเปลี่ยนประจุลบ, ถังพักตรงกลาง และคอลัมน์ที่บรรจุตัวแลกเปลี่ยนประจุบวก เข้าสู่ถังพักด้านบน เป็นเวลา t_{III}
4. สารผสมจะถูกทำให้เกิดการหมุนเวียนภายในถังพักตรงกลาง กับคอลัมน์ที่บรรจุตัวแลกเปลี่ยนประจุบวก และระหว่าง ถังพักด้านล่าง กับคอลัมน์ที่บรรจุตัวแลกเปลี่ยนประจุลบ

กราฟแสดงความเข้มข้น (รูปที่ 4) สามารถสร้างขึ้นได้ โดยใช้วิธีการสร้างกราฟเหมือนกับแบบหนึ่งคอลัมน์ หลังจากผ่านขั้นตอนทั้ง 4 เป็นจำนวนหลายๆ รอบ โปรตีน A บนตัวแลกเปลี่ยนประจุบวกและลบ จะมีความเข้มข้นเข้าสู่ค่า X_{R+} และ X_{R-} ตามลำดับ กราฟที่ได้จะมีลักษณะเป็นรูปขั้นบันได 2 ชั้น ดังแสดงไว้ในรูปที่ 4 ในภาวะสมดุล ความเข้มข้นของโปรตีนในถังพักตรงกลางจะอยู่ในสภาพสมดุลกับความเข้มข้นบนตัวแลกเปลี่ยนประจุบวกและลบที่ P_2 ดังแสดงไว้ในสมการต่อไปนี้

$$X_{R+} = k_{p1}^+ \langle y_T \rangle_{\infty} = k_{p2}^+ \langle y_M \rangle_{\infty}$$

และ

$$X_{R-} = k_{p1}^- \langle y_B \rangle_{\infty} = k_{p2}^- \langle y_M \rangle_{\infty}$$

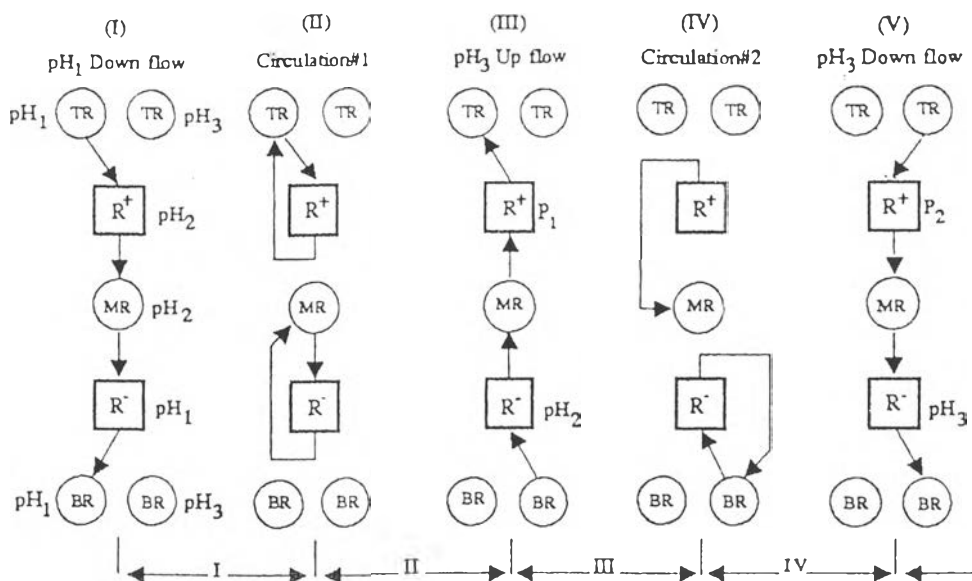


รูปที่ 2.4 ผลการแยกสารผสม ด้วยกระบวนการ พิเศษ พารามетริก บีมปัง แบบ 2 คอลัมน์
รูปแบบที่ 1

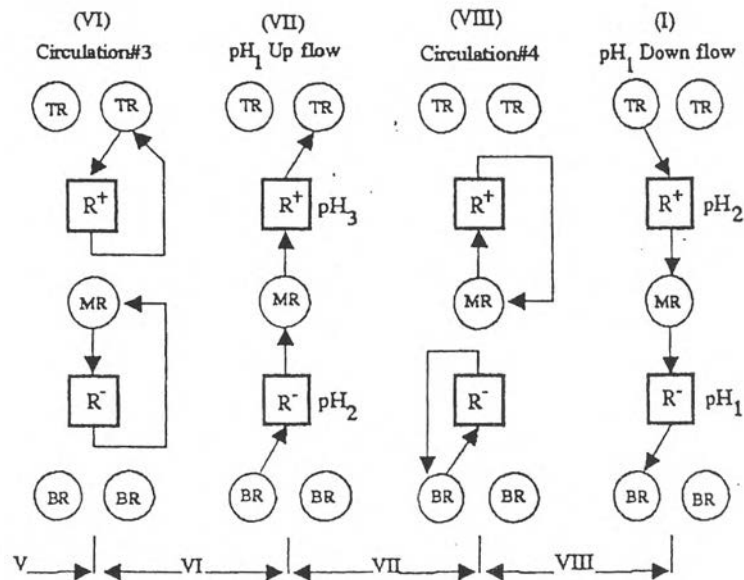
ในคอลัมน์ที่บรรจุ ตัวแลกเปลี่ยนประจุบวก โปรตีน A จะเคลื่อนที่จากปลายที่มีพีเอชสูง (P_1) ไปสู่ปลายด้านที่มีพีเอชต่ำ (P_2) ในขณะที่ในคอลัมน์ที่บรรจุประจุลบ จะมีทิศทางการเคลื่อนที่ของโปรตีน A ในทางตรงกันข้าม ดังนั้นโปรตีน A จะถูกสะสมอยู่ที่ปลายด้านที่มีพีเอชสูงของคอลัมน์ที่บรรจุประจุลบ โดยการเปรียบเทียบกราฟในรูปที่ 2 และ 4 จะพบว่าความสามารถในแยก [$\langle y_B \rangle_\infty / \langle y_T \rangle_\infty$] สำหรับระบบสองคอลัมน์มีประสิทธิภาพดีกว่าระบบหนึ่งคอลัมน์ รูปที่ 4 ด้านล่าง แสดงให้เห็นว่าโปรตีน B ไม่ได้ถูกแยกออก ดังนั้น [$\langle y_B \rangle_\infty / \langle y_T \rangle_\infty$] = 1 เป็นที่น่าสังเกตว่าแม้โปรตีน B จะมีประจุสุทธิเหมือนกันที่จุด P_1 และ P_2 แต่อาจมีค่าคงที่สมดุลต่างกัน ทำให้อาจเกิดการแยกของโปรตีน B เกิดขึ้นได้วิธีนี้ใช้ได้สำหรับปัญหาเกี่ยวกับเอ็นริชमेंท์เท่านั้น จุดประสงค์ก็คือต้องการจะได้ผลิตภัณฑ์ที่มีความเข้มข้นมากกว่าความเข้มข้นของสารที่เติมลงไป

2.2.2 รูปแบบการทดลองที่ 2

ในระบบนี้จะใช้ถังพักจำนวน 5 ถัง ประกอบด้วย ถังพักด้านบน 2 ถัง ถังพักตรงกลาง 1 ถัง และถังพักด้านล่าง 2 ถัง โดยมีค่าพีเอชเท่ากับ P_1, P_3, P_2, P_1 และ P_3 ตามลำดับ (รูปที่ 2.5)



รูปที่ 2.5 กระบวนการแยกสารผสม ด้วยกระบวนการ พีเอช พารามิเตอร์ บั้มบิง แบบ 2 คอลัมน์
รูปแบบที่ 2



รูปที่ 2.5 กระบวนการแยกสารผสม ด้วยกระบวนการ พีเอช พารามेटริก บีบปั๊ม แบบ 2 คอลัมน์
รูปแบบที่ 2 (ต่อ)

ในหนึ่งรอบของระบบการทำงานจะประกอบไปด้วยขั้นตอน 8 ขั้นตอนดังต่อไปนี้

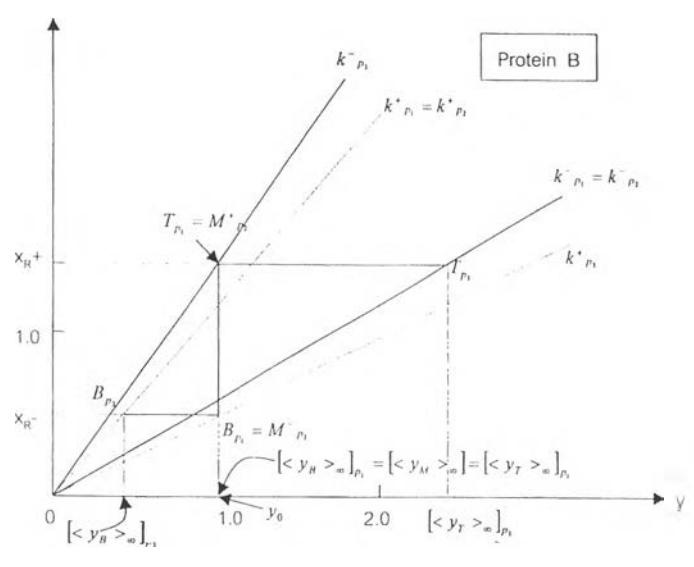
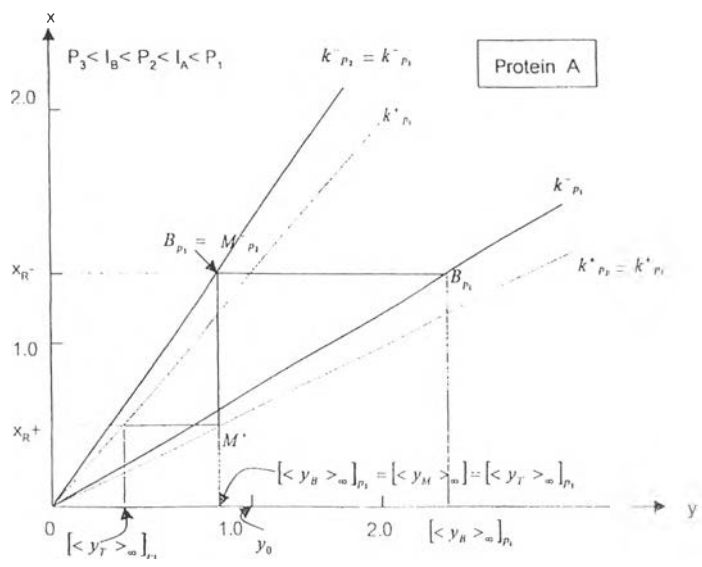
1. บีบสารผสมจากถังพักด้านบน ($TR:P_1$) ผ่านคอลัมน์ที่บรรจุตัวแลกเปลี่ยนประจุบวก (R^+), ถังพักตรงกลาง (MR) และคอลัมน์ที่บรรจุตัวแลกเปลี่ยนประจุลบ (R^-) ลงสู่ถังพักด้านล่าง ($BR:P_1$) เป็นเวลา t_1
2. สารผสมจะถูกทำให้เกิดการหมุนเวียนภายในถังพักด้านบน ($TR:P_1$) กับคอลัมน์ที่บรรจุตัวแลกเปลี่ยนประจุบวก (R^+) และระหว่าง ถังพักตรงกลาง (MR) กับคอลัมน์ที่บรรจุตัวแลกเปลี่ยนประจุลบ (R^-) เป็นเวลา t_{II}

3. มีมีสารผสมจากถึงพักด้านล่าง ($BR:P_3$) ผ่านคอลัมน์ที่บรรจุตัวแลกเปลี่ยนประจุลบ (R^-), ถึงพักตรงกลาง (MR) และคอลัมน์ที่บรรจุตัวแลกเปลี่ยนประจุบวก (R^+) เข้าสู่ถึงพักด้านบน ($TR:P_1$) เป็นเวลา t_{III}
4. สารผสมจะถูกทำให้เกิดการหมุนเวียนภายในถึงพักตรงกลาง (MR) กับคอลัมน์ที่บรรจุตัวแลกเปลี่ยนประจุบวก (R^+) และระหว่าง ถึงพักด้านล่าง ($BR:P_3$) กับคอลัมน์ที่บรรจุตัวแลกเปลี่ยนประจุลบ (R^-) เป็นเวลา t_{IV}
5. มีมีสารผสมจากถึงพักด้านบน ($TR:P_3$) ผ่านคอลัมน์ที่บรรจุตัวแลกเปลี่ยนประจุบวก (R^+), ถึงพักตรงกลาง (MR) และคอลัมน์ที่บรรจุตัวแลกเปลี่ยนประจุลบ (R^-) ลงสู่ถึงพักด้านล่าง ($BR:P_3$) เป็นเวลา t_V
6. สารผสมจะถูกทำให้เกิดการหมุนเวียนภายในถึงพักด้านบน ($TR:P_3$) กับคอลัมน์ที่บรรจุตัวแลกเปลี่ยนประจุบวก (R^+) และระหว่าง ถึงพักตรงกลาง (MR) กับคอลัมน์ที่บรรจุตัวแลกเปลี่ยนประจุลบ (R^-) เป็นเวลา t_{VI}
7. มีมีสารผสมจากถึงพักด้านล่าง ($BR:P_1$) ผ่านคอลัมน์ที่บรรจุตัวแลกเปลี่ยนประจุลบ (R^-), ถึงพักตรงกลาง (MR) และคอลัมน์ที่บรรจุตัวแลกเปลี่ยนประจุบวก (R^+) เข้าสู่ถึงพักด้านบน ($TR:P_3$) เป็นเวลา t_{VII}
8. สารผสมจะถูกทำให้เกิดการหมุนเวียนภายในถึงพักตรงกลาง (MR) กับคอลัมน์ที่บรรจุตัวแลกเปลี่ยนประจุบวก (R^+) และระหว่าง ถึงพักด้านล่าง ($BR:P_1$) กับคอลัมน์ที่บรรจุตัวแลกเปลี่ยนประจุลบ (R^-) เป็นเวลา t_{VIII}

ความเข้มข้นของโปรตีนในถึงพักที่ภาวะสมดุล ($n \rightarrow \infty$) ได้แสดงไว้ในรูปที่ 2.6

$$X_{R^+} = k_{p1}^+ [<y_T>_{\infty}]_{p1} = k_{p3}^+ [<y_T>_{\infty}]_{p3} = k_{p2}^+ [<y_M>_{\infty}]$$

และ $X_{R^-} = k_{p1}^- [<y_B>_{\infty}]_{p1} = k_{p3}^- [<y_B>_{\infty}]_{p3} = k_{p2}^- [<y_M>_{\infty}]$

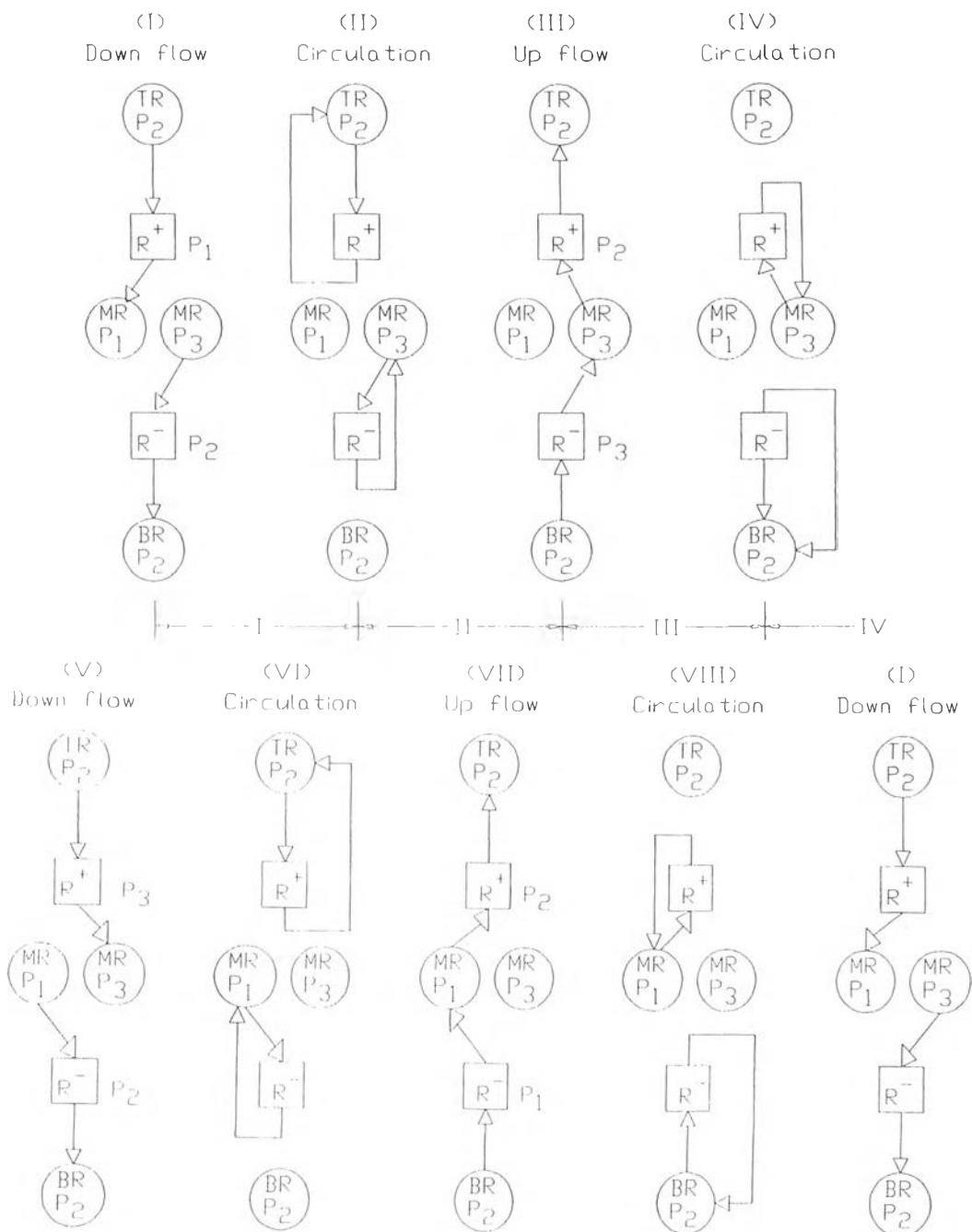


รูปที่ 2.6 ผลการแยกสารผสม ด้วยกระบวนการ พิเอช พารามตริก บีมป์ง แบบ 2 คอลัมน์
 รูปแบบที่ 2

โดยการเชื่อมจุด T_{p_1} , T_{p_3} , $M_{p_2}^*$, M_{p_2} , B_{p_3} และ B_{p_1} จะได้แผนภาพรูปขั้นบันไดสองชั้น ทั้ง
 ไพรติน A และ B อย่างไรก็ตาม ความเข้มข้นของไพรติน A ที่ถึงพักด้านล่าง ($BR:P_1$) [$<y_B>_{\infty}$] $_{p_1}$
 จะสูงกว่าความเข้มข้นของไพรติน A ที่ถึงพักด้านบน ($TR:P_1$) [$<y_T>_{\infty}$] $_{p_1}$ มาก ในขณะที่ความเข้มข้น
 ของไพรติน B ในถึงพักด้านบน ($TR:P_3$) [$<y_T>_{\infty}$] $_{p_3}$ จะสูงกว่าความเข้มข้นของไพรติน B ที่ถึงพัก
 ด้านล่าง ($BR:P_3$) [$<y_B>_{\infty}$] $_{p_3}$ ปฏิกิริยาการแยก สามารถอธิบายได้ ดังนี้ คือที่ระดับพีเอช P_1
 กับ P_2 และ P_2 กับ P_3 ช่วงระหว่างจุดไอโซอิเล็กทริกของไพรติน A และ B คือ $P_2 < I_A < P_1$ และ
 $P_3 < I_B < P_2$ ตามลำดับ ในคอลัมน์ที่บรรจุตัวแลกเปลี่ยนประจุลบ (R) ไพรติน A จะเคลื่อนที่ไปยังถึง
 พักด้านล่าง ($BR:P_1$) และไพรติน B จะเคลื่อนที่ไปยังถึงพักตรงกลาง (MR) ในขณะที่ในคอลัมน์ที่
 บรรจุตัวแลกเปลี่ยนประจุบวก (R') ไพรติน A จะเคลื่อนที่ไปยังถึงพักตรงกลาง (MR) และไพรติน
 B จะเคลื่อนที่ไปยังถึงพักด้านบน ($TR:P_3$) หรืออาจอธิบายได้ว่า ไพรติน A และ B เคลื่อนที่สวน
 ทิศกันระหว่างถึงพักด้านล่าง ($BR:P_1$) กับถึงพักด้านบน ($TR:P_3$)

2.2.3 รูปแบบการทดลองที่ 3

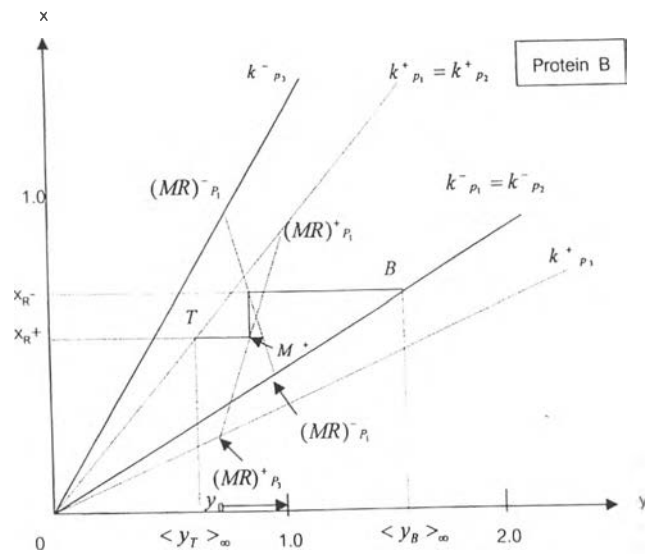
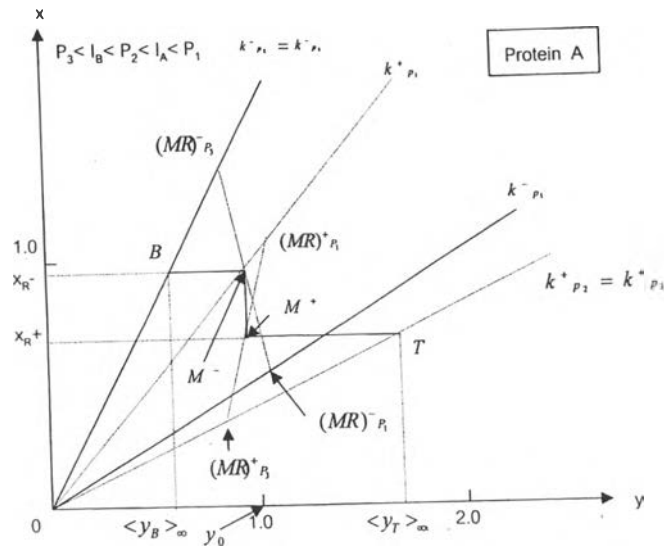
ในระบบนี้จะใช้ถังพักจำนวน 4 ถัง ประกอบด้วย ถังพักด้านบน 1 ถัง ถังพักตรงกลาง 2 ถัง และถังพักด้านล่าง 1 ถัง โดยมีค่าพีเอชเท่ากับ P_2, P_1, P_3 และ P_2 ตามลำดับ (รูปที่ 2.7)



รูปที่ 2.7 กระบวนการแยกสารผสม ด้วยกระบวนการ พีเอช พารามตริก บีมป์ง แบบ 2 คอลัมน์
รูปแบบที่ 3

ในหนึ่งวงรอบของระบบการทำงานจะประกอบไปด้วยขั้นตอน 8 ขั้นตอน ดังต่อไปนี้

1. มีมสารผสมจากถังพักด้านบน (TR) ผ่านคอลัมน์ที่บรรจุตัวแลกเปลี่ยนประจุบวก (R^+), ถังพักตรงกลาง ($MR:P_1$) และในเวลาเดียวกันจากถังพักตรงกลาง ($MR:P_3$) ผ่านคอลัมน์ที่บรรจุตัวแลกเปลี่ยนประจุลบ (R^-) ลงสู่ถังพักด้านล่าง (BR) เป็นเวลา t_1
2. สารผสมจะถูกทำให้เกิดการหมุนเวียนภายในถังพักด้านบน (TR) กับคอลัมน์ที่บรรจุตัวแลกเปลี่ยนประจุบวก (R^+) และระหว่าง ถังพักตรงกลาง ($MR:P_3$) กับคอลัมน์ที่บรรจุตัวแลกเปลี่ยนประจุลบ (R^-) เป็นเวลา t_{II}
3. มีมสารผสมจากถังพักด้านล่าง (BR) ผ่านคอลัมน์ที่บรรจุตัวแลกเปลี่ยนประจุลบ (R^-), ถังพักตรงกลาง ($MR:P_3$) และคอลัมน์ที่บรรจุตัวแลกเปลี่ยนประจุบวก (R^+) เข้าสู่ถังพักด้านบน (TR) เป็นเวลา t_{III}
4. สารผสมจะถูกทำให้เกิดการหมุนเวียนภายในถังพักตรงกลาง ($MR:P_3$) กับคอลัมน์ที่บรรจุตัวแลกเปลี่ยนประจุบวก (R^+) และระหว่าง ถังพักด้านล่าง (BR) กับคอลัมน์ที่บรรจุตัวแลกเปลี่ยนประจุลบ (R^-) เป็นเวลา t_{IV}
5. มีมสารผสมจากถังพักด้านบน (TR) ผ่านคอลัมน์ที่บรรจุตัวแลกเปลี่ยนประจุบวก (R^+), ถังพักตรงกลาง ($MR:P_3$) และในเวลาเดียวกันจากถังพักตรงกลาง ($MR:P_1$) ผ่านคอลัมน์ที่บรรจุตัวแลกเปลี่ยนประจุลบ (R^-) ลงสู่ถังพักด้านล่าง (BR) เป็นเวลา t_V
6. สารผสมจะถูกทำให้เกิดการหมุนเวียนภายในถังพักด้านบน (TR) กับคอลัมน์ที่บรรจุตัวแลกเปลี่ยนประจุบวก (R^+) และระหว่าง ถังพักตรงกลาง ($MR:P_1$) กับคอลัมน์ที่บรรจุตัวแลกเปลี่ยนประจุลบ (R^-) เป็นเวลา t_{VI}
7. มีมสารผสมจากถังพักด้านล่าง (BR) ผ่านคอลัมน์ที่บรรจุตัวแลกเปลี่ยนประจุลบ (R^-), ถังพักตรงกลาง ($MR:P_1$) และคอลัมน์ที่บรรจุตัวแลกเปลี่ยนประจุบวก (R^+) เข้าสู่ถังพักด้านบน (TR) เป็นเวลา t_{VII}
8. สารผสมจะถูกทำให้เกิดการหมุนเวียนภายในถังพักตรงกลาง ($MR:P_1$) กับคอลัมน์ที่บรรจุตัวแลกเปลี่ยนประจุบวก (R^+) และระหว่าง ถังพักด้านล่าง (BR) กับคอลัมน์ที่บรรจุตัวแลกเปลี่ยนประจุลบ (R^-) เป็นเวลา t_{VIII}



รูปที่ 2.8 ผลการแยกสารผสม ด้วยกระบวนการ พีเอช พารามิเตอร์ บีมป์ แบบ 2 คอลัมน์
 รูปแบบที่ 3

รูปที่ 2.8 แสดงความเข้มข้นของโปรตีนในถึงพักที่ภาวะสมดุล ซึ่งมีความเข้มข้นเฉลี่ยของถึงพักตรงกลาง $[MR:P_1$ และ $MR:P_3]$ อยู่ในสภาพสมดุล กับความเข้มข้นบนตัวแลกเปลี่ยนประจุบวกและลบ ดังแสดงไว้ในสมการต่อไปนี้

$$X_{R+} = k_{p2}^+ \langle y_T \rangle_{\infty} = k^+ \langle y_{M+} \rangle_{\infty}$$

$$X_{R-} = k_{p2}^- \langle y_B \rangle_{\infty} = k^- \langle y_{M-} \rangle_{\infty}$$

$$\text{และ } \langle y_{M+} \rangle_{\infty} = 0.5(y_{MR p1+} + y_{MR p3+}) = \langle y_{M-} \rangle_{\infty} = 0.5(y_{MR p1-} + y_{MR p3-})$$

โดยที่ $y_{MR p1+}$ และ $y_{MR p3+}$ คือ ค่าความเข้มข้นของสารผสม ที่ภาวะสมดุล ระหว่างคอลัมน์ที่บรรจุตัวแลกเปลี่ยนประจุบวก (R^+) กับถึงพักตรงกลาง $MR:P_1$ และ $MR:P_3$

$y_{MR p1-}$ และ $y_{MR p3-}$ คือ ค่าความเข้มข้นของสารผสมที่ภาวะสมดุล ระหว่างคอลัมน์ที่บรรจุ ตัวแลกเปลี่ยนประจุลบ (R^-) กับถึงพักตรงกลาง $MR:P_1$ และ $MR:P_3$

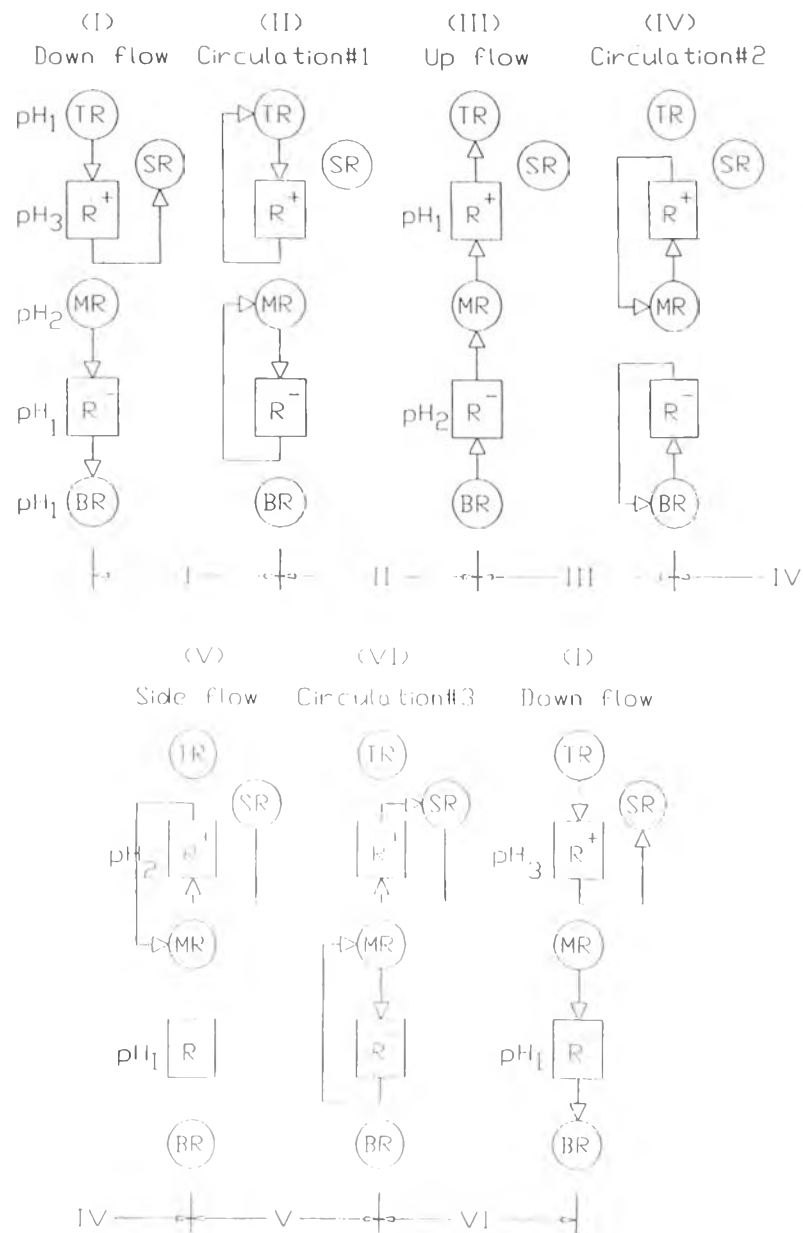
ผลที่แสดงในรูปที่ 8 คล้ายคลึงกับที่ได้จากการทดลองในวิธีที่ 2 คือ โปรตีน A และ B จะเคลื่อนที่สวนทางกัน แต่ในกรณีนี้โปรตีน A จะเคลื่อนที่ขึ้นไปสู่ถึงพักด้านบน ที่พีเอช เท่ากับ P_2 ในขณะที่โปรตีน B เคลื่อนที่ลงไปสู่ถึงพักด้านล่าง (BR) ที่พีเอชเท่ากับ P_2 และจากการเปรียบเทียบระหว่างรูปที่ 6 กับรูปที่ 8 แสดงให้เห็นอย่างเด่นชัดว่าวิธีการที่ 2 มีประสิทธิภาพที่ดีกว่าวิธีการที่ 3 กล่าวคือ

$$\text{สำหรับโปรตีน A } \left\{ \frac{[\langle y_B \rangle_{\infty}]_{P_1}}{[\langle y_T \rangle_{\infty}]_{P_1}} \right\}_{\text{Mode 2}} > \left[\frac{\langle y_T \rangle_{\infty}}{\langle y_B \rangle_{\infty}} \right]_{\text{Mode 3}}$$

$$\text{สำหรับโปรตีน B } \left\{ \frac{[\langle y_T \rangle_{\infty}]_{P_3}}{[\langle y_B \rangle_{\infty}]_{P_3}} \right\}_{\text{Mode 2}} > \left[\frac{\langle y_B \rangle_{\infty}}{\langle y_T \rangle_{\infty}} \right]_{\text{Mode 3}}$$

2.2.4 รูปแบบการทดลองที่ 4

ในระบบนี้จะใช้ถังพักจำนวน 4 ถัง ประกอบด้วย ถังพักด้านบน 1 ถัง ถังพักตรงกลาง 1 ถัง ถังพักด้านข้าง 1 ถัง และถังพักด้านล่าง 1 ถัง โดยมีค่าพีเอชเท่ากับ P_1, P_2, P_3 และ P_4 ตามลำดับ (รูปที่ 2.9)

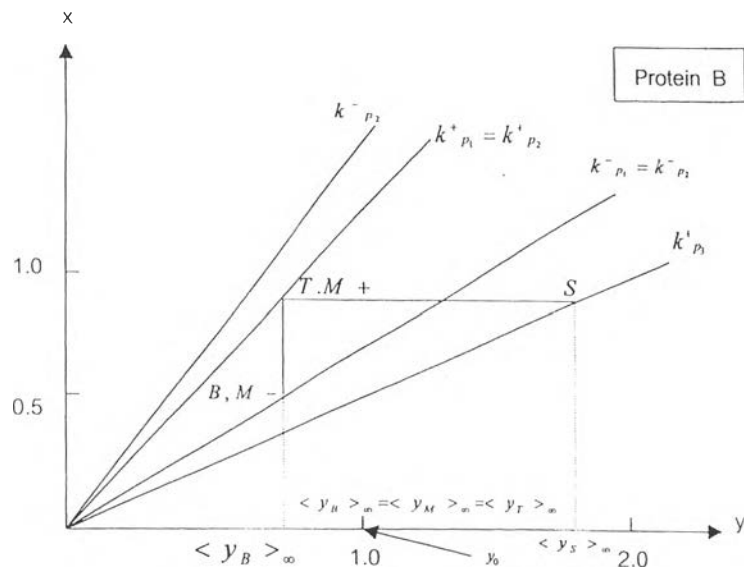
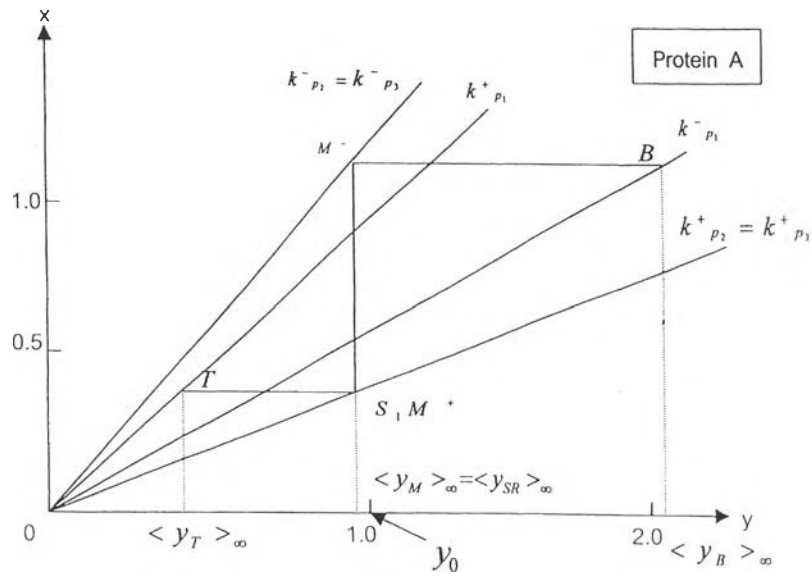


รูปที่ 2.9 กระบวนการแยกสารผสม ด้วยกระบวนการ พีเอช พารามิเตอร์ก บั่มปิง แบบ 2 คอลัมน์ รูปแบบที่4

ในหนึ่งวงรอบของระบบการทำงานจะประกอบไปด้วยขั้นตอน 6 ขั้นตอนดังต่อไปนี้

1. มีมสารผสมจากถังพักด้านบน (TR) ผ่านคอลัมน์ที่บรรจุตัวแลกเปลี่ยนประจุบวก (R^+), ถังพักด้านข้าง (SR) และในเวลาเดียวกันจากถังพักตรงกลาง (MR) ผ่านคอลัมน์ที่บรรจุตัวแลกเปลี่ยนประจุลบ (R^-) ลงสู่ถังพักด้านล่าง (BR) เป็นเวลา t_1
2. สารผสมจะถูกทำให้เกิดการหมุนเวียนภายในถังพักด้านบน (TR) กับคอลัมน์ที่บรรจุตัวแลกเปลี่ยนประจุบวก (R^+) และระหว่าง ถังพักตรงกลาง (MR) กับคอลัมน์ที่บรรจุตัวแลกเปลี่ยนประจุลบ (R^-) เป็นเวลา t_{II}
3. มีมสารผสมจากถังพักด้านล่าง (BR) ผ่านคอลัมน์ที่บรรจุตัวแลกเปลี่ยนประจุลบ (R^-), ถังพักตรงกลาง (MR) และคอลัมน์ที่บรรจุตัวแลกเปลี่ยนประจุบวก (R^+) เข้าสู่ถังพักด้านบน (TR) เป็นเวลา t_{III}
4. สารผสมจะถูกทำให้เกิดการหมุนเวียนภายในถังพักตรงกลาง (MR) กับคอลัมน์ที่บรรจุตัวแลกเปลี่ยนประจุบวก (R^+) และระหว่าง ถังพักด้านล่าง (BR) กับคอลัมน์ที่บรรจุตัวแลกเปลี่ยนประจุลบ (R^-) เป็นเวลา t_{IV}
5. มีมสารผสมจากถังพักด้านข้าง (SR) ผ่านคอลัมน์ที่บรรจุตัวแลกเปลี่ยนประจุบวก (R^+) ไปสู่ถังพักตรงกลาง (MR) เป็นเวลา t_V
6. สารผสมจะถูกทำให้เกิดการหมุนเวียนภายในถังพักด้านข้าง (SR) กับคอลัมน์ที่บรรจุตัวแลกเปลี่ยนประจุบวก (R^+) เป็นเวลา t_{VI}

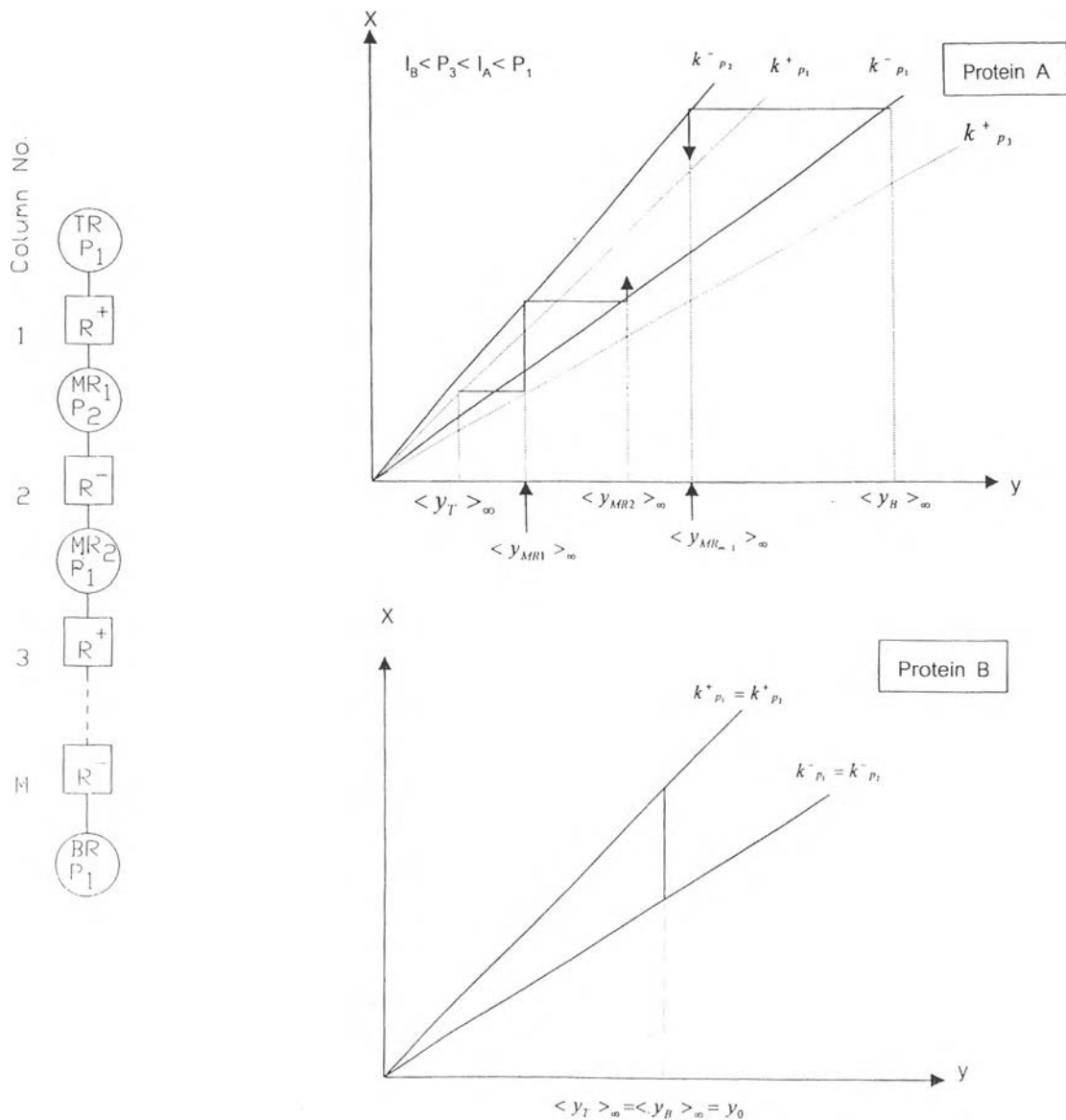
รูปที่ 2.10 แสดงความเข้มข้นของโปรตีนในถังพักที่ภาวะสมดุล โปรตีน A และ B จะสะสมอยู่ที่ถังพักด้านล่าง (BR) และถังพักด้านข้าง (SR) ตามลำดับ จะสังเกตได้ว่า ในวิธีการนี้ โปรตีน B จะไม่ถูกแยกในคอลัมน์ที่บรรจุตัวแลกเปลี่ยนประจุลบ (R^-) จึงทำให้กราฟที่ได้ปรากฏเป็นขั้นบันไดเพียงขั้นเดียว



รูปที่ 2.10 ผลการแยกสารผสม ด้วยกระบวนการ พิเศษ พารามเมตริก ปุ่มปิง แบบ 2 คอลัมน์
รูปแบบที่ 4

2.3 ระบบหลายคอลัมน์

ระบบสองคอลัมน์ตามแบบวิธีที่ 1 สามารถดัดแปลงให้เป็นระบบหลายคอลัมน์ได้ ดังแสดงไว้ในรูปที่ 11 ซึ่งประกอบไปด้วยชุดของคอลัมน์ทั้งหมด M คอลัมน์ โดยที่ M เป็นจำนวนคู่ โดยวางตำแหน่งของคอลัมน์ที่บรรจุตัวแลกเปลี่ยนประจุบวกและลบ สลับกัน ผลการทดลองสามารถแสดงได้ในรูปของกราฟ เช่นเดียวกับระบบหนึ่ง และสองคอลัมน์ที่ผ่านมา



รูปที่ 2.11 กระบวนการและ ผลการแยกสารผสม ด้วยกระบวนการ พิเศษ พารามетริก บีมป์ง ระบบหลายคอลัมน์

ในระบบนี้ เป็นการนำระบบสองคอลัมน์ตามแบบวิธีที่ 1 มาทำให้ใช้ได้โดยทั่วไป ค่าพีเอชสำหรับถึงพักบนและล่างจะถูกควบคุมไว้ที่ P_1 ส่วนค่าพีเอชสำหรับถึงพักกลาง $MR_1, MR_2, \dots, MR_{M-1}$ จะถูกควบคุมไว้ที่ $P_2, P_1, P_2, P_1, \dots, P_2$ ตามลำดับ สำหรับโปรตีน A ผลการทดลองที่ได้สามารถแสดงได้ในรูปของกราฟขั้นบันได M ชั้น และประสิทธิภาพในการแยกจะสูงขึ้น ($\langle y_B \rangle_\infty / \langle y_T \rangle_\infty$) เมื่อจำนวนคอลัมน์เพิ่มขึ้น สรุปได้ว่า เมื่อให้ระบบพาราบีม ทำงานที่ค่าพีเอช P_1 และ P_2 โดยที่ $P_2 < I_A < P_1$ จะสามารถแยกเอาโปรตีน A จากถึงพักด้านบน มาสะสมอยู่ในถึงพักด้านล่าง โดยที่โปรตีน B จะไม่ถูกแยกด้วยวิธีการนี้