

บทที่ 3

วัสดุอุปกรณ์และวิธีการดำเนินการทดลอง

1. พืชทดลอง

เมล็ดข้าว จำนวน 4 พันธุ์ ได้แก่ ขาวดอกมะลิ105 (*Oryza sativa* L. cv KDML105) DH212 Pokkali (พันธุ์มาตรฐานทนเค็ม) และ IR29 (พันธุ์มาตรฐานอ่อนแอต่อความเค็ม) และ ข้าวในกลุ่มประชากร CSSL จำนวน 6 สายพันธุ์ ได้แก่ CSSL10 CSSL11 CSSL12 CSSL16 CSSL26 และ CSSL27 ซึ่งได้รับความอนุเคราะห์จาก ดร. อธิรุทธิ์ ตูจินดา หน่วยค้นหาและใช้ประโยชน์ยีนข้าว ศูนย์พันธุวิศวกรรมและเทคโนโลยีชีวภาพแห่งชาติ มหาวิทยาลัยเกษตรศาสตร์ วิทยาเขตกำแพงแสน จังหวัดนครปฐม

2. วัสดุอุปกรณ์ที่ใช้ทำการทดลองในการศึกษาการตอบสนองทางสรีรวิทยาของพืช

2.1 วัสดุอุปกรณ์ในการปลูกพืช

- กระจกพลาสติกขนาดเส้นผ่านศูนย์กลาง 2 นิ้ว สูง 1.5 นิ้ว
- กระจกพลาสติกสีดำขนาดเส้นผ่านศูนย์กลาง 10 นิ้ว
- ดินเหนียว (ชุดดินนครปฐม สำนักสำรวจดินและวิจัยทรัพยากรดิน กรมพัฒนาที่ดิน กระทรวงเกษตรและสหกรณ์)
- บ่อปูนซีเมนต์ขนาด 90x180 เซนติเมตร สูง 50 เซนติเมตร
- เครื่องวัดการนำไฟฟ้า (Digital conductivity meter)
- เครื่องวัด pH (pH meter)
- บิมน้ำ
- ไม้เมตร

2.2 วัสดุอุปกรณ์ที่ใช้ในการวัดการตอบสนองทางสรีรวิทยาของพืช

- เครื่องวัดอัตราการสังเคราะห์ด้วยแสง (Portable photosynthesis system (LI-6400XT, LI-COR, Lincoln, Nebraska, USA))
- ไม้เมตร
- ไม้บรรทัด



- สายวัด
- นาฬิกาจับเวลา
- ตู้อบตัวอย่างพีช (Hot air oven)
- เครื่องชั่งทศนิยม 3 ตำแหน่งของหน่วยกรัม
- กล้องถ่ายภาพดิจิทัล (Canon รุ่น IXY)

3. วัสดุอุปกรณ์ที่ใช้ทำการทดลองในการศึกษาการตรวจสอบการแสดงออกของยีนในระดับ transcription

3.1 วัสดุอุปกรณ์ในการปลูกพีช

- กระปุกพลาสติกขนาดเส้นผ่านศูนย์กลาง 2 นิ้ว สูง 1.5 นิ้ว
- กระถางพลาสติกสีดำขนาดเส้นผ่านศูนย์กลาง 8 นิ้ว
- ดินเหนียว (ชุดดินนครปฐม สำนักสำรวจดินและวิจัยทรัพยากรดิน กรมพัฒนาที่ดิน กระทรวงเกษตรและสหกรณ์)
- บ่อปูนซีเมนต์ขนาด 171x225 เซนติเมตร สูง 35 เซนติเมตร
- เครื่องวัดการนำไฟฟ้า (Digital conductivity meter)
- เครื่องวัด pH (pH meter)
- ปิ๋วน้ำ
- ไม้เมตร

3.2 วัสดุอุปกรณ์ที่ใช้ในการสกัด RNA

- ตู้แช่แข็งสำหรับเก็บตัวอย่างอุณหภูมิ -80 องศาเซลเซียส (Deep freezer)
- ตู้แช่แข็งสำหรับเก็บตัวอย่างอุณหภูมิ -20 องศาเซลเซียส (Freezer)
- เครื่องวัด pH (pH meter)
- เครื่องปั่นเหวี่ยงตกตะกอนชนิดควบคุมอุณหภูมิ (Refrigerated centrifuge, Universal 2R, Hettich, Germany)
- Microcentrifuge tube
- ไมโครปิเปต (Gilson, France)
- เครื่องผสมสารละลาย (Vortex mixture)

- เครื่องวัดค่าการดูดกลืนแสง (Spectrophotometer รุ่น G1103A บริษัท Agilent Technologies ประเทศเยอรมนี)
- ซ้อนตักสาร
- อะลูมิเนียมฟอยล์
- โกร่งบด
- ปากคืบ
- Water bath
- Dry bath incubator (Sorvall Biofuge Pico, Germany)
- Pipette tips ขนาด 10 100 และ 1000 ไมโครลิตร
- กระจกใสไนโตรเจนเหลว
- กระจกใสไนโตรเจนเปอร์ออกไซด์ และ เอทิลแอลกอฮอล์
- ถุงมือ
- หน้ากากอนามัย
- กล้องใส่น้ำแข็ง
- นาฬิกาจับเวลา

3.3 วัสดุอุปกรณ์ที่ใช้ใน electrophoresis

- Gel electrophoresis system (MiniRun GE-100, Hangzhou BIOER Technology Co., Ltd., China)
- Gel DocTM 2000 และ UV transilluminator (Bio-Rad, USA)
- เต้าอบไมโครเวฟ

3.4 วัสดุอุปกรณ์ที่ใช้ใน real-time polymerase chain reaction (real-time PCR)

- iCyclerTM Thermal Cycler (Bio-Rad, California)
- Dry bath incubator (Sorvall Biofuge Pico, Germany)
- ตู้แช่แข็งสำหรับเก็บตัวอย่างอุณหภูมิ -80 องศาเซลเซียส (Deep freeze)
- ตู้แช่แข็งสำหรับเก็บตัวอย่างอุณหภูมิ -20 องศาเซลเซียส (Freeze)
- เครื่องวัด pH (pH meter)



- เครื่องปั่นเหวี่ยงตกตะกอนชนิดควบคุมอุณหภูมิ (Refrigerated centrifuge, Universal 32R, Hettich, Germany)
- Microcentrifuge (Sorvall Biofuge Pico, Germany)
- Microcentrifuge tube
- ไมโครปิเปต (Gilson, France)
- เครื่องผสมสารละลาย (Vortex mixture)
- เครื่องวัดค่าการดูดกลืนแสง (Spectrophotometer รุ่น G1103A บริษัท Agilent Technologies ประเทศเยอรมันนี)
- Gel electrophoresis system (MiniRun GE-100, Hangzhou BIOER Technology 96-well plate (Bio-Rad, California)

4. สารเคมีที่ใช้ทำการทดลอง

4.1 สารเคมีที่ใช้ในการปลูกพืช

- สารละลายธาตุอาหารสูตรอาหารของศูนย์เกษตรกรรมบางไทร (ศูนย์เกษตรกรรมบางไทร)
- Sodium chloride (NaCl)

4.2 สารเคมีใช้ในการสกัด RNA

- ไฮโดรเจนเปอร์ออกไซด์
- ไนโตรเจนเหลว
- RNA Extraction buffer (การเตรียมดั่งภาคผนวก ข)
- Phenol : Chloroform ; isoamyl alcohol (25:24:1) (v/v) (การเตรียมดั่งภาคผนวก ข)
- Absolute ethanol (Liquid Distillery Organization Excise Dept, Thailand)
- Ethyl alcohol (C₂H₆O) (Merck, Germany)
- TE buffer (การเตรียมดั่งภาคผนวก ข)
- Lithium chloride (LiCl₂) (Sigma Chemical Company, USA)
- Diethyl pyrocarbonate (DEPC) (Sigma-Aldrich Co., USA)



- DEPC-treated TE Buffer (การเตรียมตั้งภาคผนวก ข)
- DEPC –treated Water (การเตรียมตั้งภาคผนวก ข)
- Chloroform (Merk, Germany)
- Sodium acetate (CH₃COONa) (Sigma-Aldrich Co., USA)
- 2-mercaptoethanol (Merk, Germany)
- Recombinant DNase I (Takara, Japan)

4.3 สารเคมีที่ใช้ใน electrophoresis

- Agarose (Research Organics, USA)
- 5X TBE buffer (Tris Borate EDTA) (การเตรียมตั้งภาคผนวก ข)
- Ethidium bromide (Gibco BRI, USA)
- DNA/RNA loading dye (การเตรียมตั้งภาคผนวก ข)

4.4 สารเคมีที่ใช้ใน real-time polymerase chain reaction (real-time PCR)

- RQ1 Rnase-free DNaseI (Takara Bio Inc., Japan)
- M-MLV reverse Transcriptase (Promega, USA)
- SsoFast™ Evagreen® Supermix (Bio-Rad, USA)
- Phenol : Chloroform ; isoamyl alcohol (25:24:1) (v/v) (การเตรียมตั้งภาคผนวก ข)
- DEPC-treated TE Buffer (การเตรียมตั้งภาคผนวก ข)
- Ethyl alcohol (C₂H₆O) (Merck, Germany)
- Sodium acetate (Sigma-Aldrich Co., USA)

5. ขั้นตอนและวิธีดำเนินการทดลอง

5.1 ศึกษาระดับความเข้มข้นเกลือ และระยะเวลาที่ทำให้ต้นข้าวเกิดภาวะเครียดจากความเค็ม

5.1.1 วางแผนการทดลองแบบ Completely Randomized Design (CRD) จำนวน 4 ซ้ำ เพื่อเปรียบเทียบการเจริญเติบโตและลักษณะทางสรีรวิทยาบางประการของข้าว 4 พันธุ์คือ

- พันธุ์ KDML105 (ข้าวดอกมะลิ 105)
- พันธุ์ DH212
- พันธุ์ Pokkali

- พันธุ์ IR29

โดยให้ต้นข้าวได้รับความเค็มที่ระดับต่าง ๆ คือ ภาวะปกติ (ไม่ได้รับความเค็ม) ภาวะที่ได้รับความเค็ม มีสารละลายเกลือ NaCl เข้มข้น 75 mM และ ภาวะที่ได้รับความเค็มสารละลายเกลือ NaCl 150 mM ทำการให้ความเค็มเมื่อต้นข้าวมีอายุ 1 เดือน (30 วัน)และเก็บผลการทดลองหลังจากต้นข้าว ได้รับภาวะเค็มเป็นเวลา 0 7 14 21 และ 28 วัน

5.1.2 เตรียมต้นกล้าข้าว โดยมีวิธีการดังนี้

5.1.2.1 ทำการเพาะเมล็ดข้าวในน้ำเป็นเวลา 5 วัน จนมีรากงอก

5.1.2.2 ย้ายเมล็ดที่มีรากงอกลงกระถางพลาสติกสีดำขนาด 10 นิ้วที่บรรจุดิน

จำนวน 1 ต้นต่อกระถาง และทำการชั่งน้ำเปล่าเป็นเวลา 8 วัน

5.1.2.3 เติมสารละลายธาตุอาหาร (1:100) สูตรอาหารของศูนย์เกษตรกรรมบาง ไทร (ศูนย์เกษตรกรรมบางไทร 2555)(ศูนย์เกษตรกรรมบางไทร 2555)(ศูนย์เกษตรกรรมบางไทร 2555)(ศูนย์เกษตรกรรมบางไทร 2555) ซึ่งมีรูปแบบของธาตุอาหารใกล้เคียงกับสูตรของ Yoshida ในวันที่ 14 หลังการเพาะเมล็ด โดยให้มีระดับสารละลายสูง 23 เซนติเมตร จากพื้นบ่อปลูก

5.1.3 นำต้นข้าวที่ได้ในข้อ 5.1.2 ทั้งหมดให้ได้รับภาวะความเค็มโดยทำการเติมสารละลาย เกลือให้ได้ระดับความเข้มข้นที่ 0, 75, และ 150 mM เมื่อต้นข้าวอายุ 30 วันหลังการเพาะเมล็ด และ รักษาระดับความเค็มโดยการตรวจสอบค่าการนำไฟฟ้าของสารละลาย (Electrical conductivity, EC) ให้อยู่ในระดับคงที่เมื่อเริ่มให้ความเค็มของน้ำ โดยระดับความเข้มข้นที่ 0 mM มีค่า EC ประมาณ 1 dS/m ความเข้มข้นที่ 75 mM มีค่า EC ประมาณ 8 dS/m และ ความเข้มข้นที่ 150 mM มีค่า EC ประมาณ 16 dS/m

5.1.4 บันทึกผลการเจริญเติบโตของข้าว โดยวัดพารามิเตอร์ต่างๆ ที่ระยะเวลา 0 7 14 21 และ 28 วันหลังจากได้รับภาวะเค็ม ดังนี้

- จำนวนกอ
- ความกว้างใบของใบแท้ที่อายุน้อยที่สุดและเจริญเต็มที่ (Youngest fully expanded leaf)
- ความสูงต้น
- จำนวนใบทั้งหมดต่อต้น

เมื่อครบ 28 วันทำการเก็บค่าน้ำหนักสดและน้ำหนักแห้งของใบทั้งหมด



5.1.5 วัดอัตราการสังเคราะห์ด้วยแสงโดยใช้เครื่อง portable photosynthesis system (LI-6400, LI-COR, Lincoln, NE, USA) ซึ่งมีการติดตั้ง blue-red LED light source (LI-6400-02B) และ CO₂ injection system (LI-6400-01) โดยกำหนดค่าความเข้มของแสงที่ 1,200 $\mu\text{mol PPF m}^{-2} \text{s}^{-1}$ ความชื้นสัมพัทธ์ที่ 50-80 เปอร์เซ็นต์ ความเข้มข้นของก๊าซคาร์บอนไดออกไซด์ (CO₂) ในอากาศเท่ากับ 380 $\mu\text{mol mol}^{-1}$ และอุณหภูมิอากาศในช่วง 30 – 34°C เลือกใช้ใบแก่ที่อายุน้อยที่สุดและเจริญเต็มที่ ทำการเก็บข้อมูลหลังจากได้รับภาวะเค็ม เป็นเวลา 0 7 14 21 และ 28 วัน เก็บข้อมูล 4 ซ้ำๆ ละ 1 ต้น ต้นละ 3 กอ โดยค่าพารามิเตอร์ที่ใช้ในการศึกษาประกอบด้วย

5.1.5.1 อัตราการสังเคราะห์ด้วยแสงสูงสุด (Maximum photosynthetic rate, A_{max})

5.1.5.2 อัตราการคายน้ำ (Transpiration, T)

5.1.5.3 ค่าการชักนำการเปิดของปากใบ (Stomatal conductance, g_s)

5.1.5.4 ประสิทธิภาพการใช้น้ำ (Water Use Efficiency, WUE) ของต้นข้าว โดยคำนวณจากสมการ

$$\text{WUE } (\mu\text{mol CO}_2 \text{ m}^{-2} \text{ s}^{-1} \text{ mmol H}_2\text{O}) = \frac{\text{อัตราการสังเคราะห์ด้วยแสงสูงสุด } (A_{\text{max}})}{\text{อัตราการคายน้ำ } (T)}$$

5.1.5 วัดอัตราการสังเคราะห์ด้วยแสงโดยใช้เครื่อง portable photosynthesis system (LI-6400, LI-COR, Lincoln, NE, USA) โดยกำหนดค่าความเข้มของแสง 1,200 $\mu\text{mol PPF m}^{-2} \text{s}^{-1}$ ความชื้นสัมพัทธ์ 50-80 เปอร์เซ็นต์ และความเข้มข้นของก๊าซคาร์บอนไดออกไซด์ (CO₂) ในอากาศเท่ากับ 380 $\mu\text{mol mol}^{-1}$ และอุณหภูมิอากาศ 30 – 34°C เลือกใช้ใบข้าวที่แผ่ออกเต็มที่ที่มีอายุน้อยที่สุด ทำการเก็บข้อมูลหลังจากได้รับภาวะเค็ม เป็นเวลา 0 7 14 21 และ 28 วัน เก็บข้อมูล 4 ซ้ำ ซ้ำละ 1 ต้น ต้นละ 3 กอ โดยค่าพารามิเตอร์ที่ใช้ในการศึกษาประกอบด้วย

5.1.6 เก็บค่า pH และ EC (ค่าการนำไฟฟ้าของสารละลาย) ของดินและน้ำในแต่ละระดับความเค็ม ทุกสัปดาห์ในช่วงที่เก็บผลการทดลอง ตามวิธีการของ กรมพัฒนาที่ดิน (2557) (ดั่งภาคผนวก ก)

5.1.7 วิเคราะห์ผลทางสถิติโดยใช้ analysis of variance (ANOVA) และเปรียบเทียบลักษณะการตอบสนองทางสรีรวิทยา ได้แก่ จำนวนกอ ความกว้างใบของใบแก่ที่มีอายุน้อยที่สุดและเจริญเต็มที่ ความสูงต้น จำนวนใบทั้งหมดต่อต้น รวมถึงอัตราการสังเคราะห์ด้วยแสงสูงสุด (A_{max}) อัตราการคายน้ำ (T) ค่าการชักนำการเปิดของปากใบ (g_s) และประสิทธิภาพการใช้น้ำของต้นข้าว โดยการเปรียบเทียบค่าเฉลี่ยโดยวิธี Duncan's multiple range test (DMRT) เพื่อหาระดับความเค็มและช่วงเวลาที่ทำให้เห็นความแตกต่างของการตอบสนองต่อความเค็มที่ชัดเจนเพื่อใช้ในการศึกษาขั้นต่อไป

5.2 เปรียบเทียบอัตราการสังเคราะห์ด้วยแสงของข้าวในประชากร CSSL ซึ่งได้รับชิ้นส่วนของโครโมโซมที่ 1 อยู่ระหว่างโมเลกุลเครื่องหมาย RM212 และ RM5310 ที่มีขนาดชิ้นส่วนต่างๆกัน ในภาวะเค็มและภาวะปกติ

5.2.1 วางแผนการทดลองเช่นเดียวกับข้อ 5.1 โดยทำการศึกษาในข้าวในกลุ่มประชากร CSSL ที่มีชิ้นส่วนขนาดต่างๆ ของโครโมโซมที่ 1 จำนวน 6 สายพันธุ์ ได้แก่

- สายพันธุ์ CSSL10
- สายพันธุ์ CSSL11
- สายพันธุ์ CSSL12
- สายพันธุ์ CSSL16
- สายพันธุ์ CSSL26
- สายพันธุ์ และ CSSL27

และพันธุ์ทดสอบที่ได้ศึกษาไว้ในข้อ 2 อีก 4 พันธุ์ คือ

- พันธุ์ KDML105 (ข้าวดอกมะลิ 105)
- พันธุ์ DH212
- พันธุ์ Pokkali
- พันธุ์ IR29

เพื่อเปรียบเทียบการเจริญเติบโต และลักษณะการตอบสนองในกระบวนการสังเคราะห์ด้วยแสง เมื่อต้นข้าวอายุ 1 เดือน (30 วัน) ได้รับภาวะเค็มที่แตกต่างกัน 3 ระดับ ที่ช่วงเวลา 0 6 12 และ 18 วัน หลังได้รับภาวะเค็ม

5.2.2 เตรียมต้นกล้าข้าว โดยนำเมล็ด มาเพาะเมล็ดกล้าในดินตามข้อ 5.1.2

5.2.3 นำต้นข้าวในข้อ 5.1.3 ให้ได้รับภาวะความเค็มโดยทำการเติมสารละลายเกลือให้ได้ระดับความเข้มข้นที่ 0, 75 และ 150 mM เมื่อต้นข้าวอายุ 30 วันหลังการเพาะเมล็ด

5.2.4 วัดอัตราการเจริญเติบโตตามข้อ 5.1.4 ทำการเก็บข้อมูลที่ช่วงเวลา 0 6 12 และ 18 วันหลังได้รับภาวะเค็ม

5.2.5 วัดอัตราการสังเคราะห์ด้วยแสงตามข้อ 5.1.5 ทำการเก็บข้อมูลที่ช่วงเวลา 0 6 12 และ 18 วันหลังได้รับภาวะเค็ม เก็บข้อมูล 4 ซ้ำ ซ้ำละ 1 ต้น ต้นละ 3 กอ กอละ 1 ใบ

5.2.6 เก็บค่า pH และ EC ของดินและน้ำในแต่ละระดับความเค็ม (กรมพัฒนาที่ดิน 2557) ทุกสัปดาห์ในช่วงที่เก็บผลการทดลอง



5.2.7 วิเคราะห์ผลการทดลองทางสถิติ โดย ANOVA และเปรียบเทียบค่าเฉลี่ยโดยวิธี DMRT เพื่อคัดเลือกข้าวสายพันธุ์ทนเค็มที่มีอัตราการสังเคราะห์ด้วยแสงดีที่สุดเมื่อได้รับภาวะเค็ม เพื่อใช้ในการศึกษาขั้นต่อไป

5.3 ตรวจสอบการแสดงออกของยีนในระดับ transcription ของยีน *Chlorophyll a-binding protein (PsbS1)* ในข้าวสายพันธุ์ CSSL ที่มีความสามารถในการต้านทานความเค็ม

จากผลการศึกษาในข้อ 4 นำสายพันธุ์ที่มีความสามารถในการต้านทานความเค็มมากที่สุดจากการศึกษาอัตราการเจริญเติบโตและอัตราการสังเคราะห์ด้วยแสง 4 สายพันธุ์ ได้แก่

- สายพันธุ์ CSSL11
- สายพันธุ์ CSSL16
- สายพันธุ์ CSSL26
- สายพันธุ์ CSSL27

มาเปรียบเทียบการแสดงออกของยีน *PsbS1* ในระดับ transcription เมื่อได้รับภาวะเค็ม กับการแสดงออกของยีนในข้าวพันธุ์ KDML 105 (ข้าวดอกมะลิ 105) และ พันธุ์ DH212 โดยใช้วิธี quantitative RT-PCR ซึ่งมีขั้นตอนดังนี้

5.3.1 ตรวจสอบการแสดงออกของยีนด้วยวิธี quantitative RT-PCR ด้วยเครื่อง iCycler™ Thermal Cycler (Bio-Rad) โดยใช้เอนไซม์ SsoFast™ Evagreen® Supermix (Bio-Rad) ตามที่ระบุไว้ในเครื่องมือ (ภาคผนวก ข) แต่ละตัวอย่างทำปฏิกิริยา 3 ครั้ง และนำค่าเฉลี่ยที่ได้มาใช้ในการวิเคราะห์ผลต่อไป

5.3.1.1 ทำการศึกษาข้อมูลทาง bioinformatics ของยีนดังกล่าวจากฐานข้อมูลสากล โดยนำตำแหน่งเนื้อเยื่อส่วนใบ ที่เวลา 0 6 12 และ 18 วันหลังได้รับภาวะเค็มที่ 0 และ 150 mM มาใช้ในการศึกษาการแสดงออกของยีน

5.3.1.2 ออกแบบ primer เพื่อใช้ตรวจสอบเบื้องต้นของยีนดังกล่าวที่มีการแสดงออก

5.3.1.3 เตรียมตัวอย่างเนื้อเยื่อพืชที่ได้จากการศึกษาตามแผนการทดลองที่ได้ออกแบบไว้ในข้อ 5.2 โดยเลือกข้าวในประชากร CSSL ได้แก่ CSSL11 CSSL16 CSSL26 และ CSSL27 และข้าวพันธุ์ KDML 105 และ DH212

5.3.1.4 สกัด total RNA จากตัวอย่างเนื้อเยื่อพืชตามวิธีของ Thikart และคณะ (2005) (ภาคผนวก ข)

5.3.1.5 วัดปริมาณ RNA จากสารละลายที่สกัดได้ โดยวัดความเข้มข้นของสารละลายที่สกัดได้ด้วยเครื่องวัดการดูดกลืนแสงที่ความยาวคลื่น 260 nm และ 280 nm จากนั้นตรวจสอบคุณภาพของ RNA ด้วย 0.8% agarose gel (w/v) ในสารละลาย 0.5x TBE และ gel



electrophoresis system (MiniRun GE-100, Hangzhou Bioer Technology Co., Ltd) ย้อมแถบ RNA ด้วย ethidium bromide แล้วนำไปตรวจสอบด้วยเครื่องกำเนิดแสง UV และถ่ายรูปเจล (Gel DocTM 2000, Bio-Rad, California, USA)

5.3.1.6 กำจัด DNA ออกจาก RNA ด้วยเอนไซม์ DNase I (Takara) ตามวิธีที่ระบุไว้ในคู่มือ (ภาคผนวก ข) แล้วนำมาคำนวณปริมาณและตรวจสอบคุณภาพของ RNA อีกครั้งเช่นเดียวกับในข้อ 5.3.2.5

5.3.1.7 สร้าง cDNA โดยใช้ oligo(dT)₁₅ เป็น primer ด้วยเอนไซม์ M-MLV reverse transcriptase (Promega, Madison, WI, USA) ตามวิธีที่ระบุไว้ในคู่มือ (ภาคผนวก ข)

5.3.1.8 ทำการออกแบบ primer เพื่อใช้ตรวจสอบการแสดงออกของยีนโดยวิธี quantitative RT-PCR โดยมีการออกแบบ primer ดังนี้

Primer สำหรับยีน *PsbS1* มีลำดับเบสดังนี้

PsbS1(F) 5'-GCATCGCCTTCTCCATCA-3'

PsbS1(R) 5'-GAAGACGACGTTGAAGAGGA-3'

5.3.1.9 เปรียบเทียบการแสดงออกของยีนในข้าวสายพันธุ์ทนเค็มที่คัดเลือกได้จากข้าวในกลุ่มประชากร CSSL ได้แก่ CSSL11 CSSL16 CSSL26 และ CSSL27 และ ข้าวพันธุ์ KDML 105 และ DH212 ในภาวะปกติ 0 mM และที่ได้รับภาวะเค็ม 75 mM ที่ช่วงเวลา 0 6 12 และ 18 วันหลังได้รับภาวะเค็ม โดยวางแผนการทดลองแบบ complete randomized design (CRD) มีตัวอย่าง 3 ซ้ำ ต่อพันธุ์

5.3.1.10 นำผลที่ได้จากข้อ 5.3.1.8 มาคำนวณหาการแสดงออกของยีน *PsbS1* ด้วยวิธีเปรียบเทียบระดับการแสดงออกของยีนที่ต้องการศึกษากับการแสดงออกของยีนที่ใช้เป็น control (relative quantification) โดยมียีน *EF1 α* เป็นยีนอ้างอิง ซึ่งมีการใช้ forward prime 5'-ATGGTTGTGGAGACCTTC-3' และ reverse primer 5'-TCACCTTGGCACCGGTTG-3' ซึ่งจำเพาะต่อยีน *EF1 α* เพื่อใช้เป็น internal control (ศิริพร ศรีภิญโญวณิชย์ 2554) หากการแสดงออกของยีนด้วยวิธี DDCT method (Pfaffl 2001) โดย normalize ระดับการแสดงออกของยีนที่เลือกกับระดับการแสดงออกของยีน *EF1 α* ดังสมการ



$$R = \frac{(E_{target})^{\Delta CP_{target}(Control-sample)}}{(E_{ref})^{\Delta CP_{target}(Control-sample)}}$$

โดยที่ R	คือ relative expression ratio
E_{target}	คือ $10^{-1/slope}$ ของยีน <i>PsbS1</i>
E_{ref}	คือ $10^{-1/slope}$ ของยีน <i>EF1α</i>
$\Delta CP_{target}(control-sample)$	คือ ผลต่างระหว่างค่า CP (cross-over point) (หรืออีกชื่อคือ ค่า Ct; threshold cycle) ของยีน <i>PsbS1</i> เมื่อเปรียบเทียบกับค่า CP ของตัวอย่าง control
$\Delta CP_{ref}(control-sample)$	คือ ผลต่างระหว่างค่า CP ของยีน <i>EF1α</i> เมื่อเปรียบเทียบกับค่า CP ของตัวอย่าง control

5.3.2 วิเคราะห์ผลการทดลองโดยใช้ Analysis of Variance (ANOVA) และเปรียบเทียบค่าเฉลี่ยการแสดงออกของยีนโดยวิธี Duncan's Multiple Range Test (DMRT)

6. สถานที่ทำการทดลอง

โรงเรียนปลูกพืชทดลองหน่วยปฏิบัติการค้นหาและใช้ประโยชน์ยีนข้าว ศูนย์วิทยาศาสตร์ข้าว มหาวิทยาลัยเกษตรศาสตร์ วิทยาเขตกำแพงแสน จังหวัดนครปฐม และห้องปฏิบัติการของศูนย์เชี่ยวชาญเฉพาะทางสิ่งแวดล้อมและสรีรวิทยาของพืช ภาควิชาพฤกษศาสตร์ คณะวิทยาศาสตร์ จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

